

明 細 書

新規蛋白質

5 技術分野

本発明は、骨格筋特異的に発現する新規分泌もしくは膜蛋白質、それをコードする核酸、それに対する抗体およびそれらの用途に関する。

背景技術

10 糖尿病、高脂血症、高血圧、虚血性心疾患などのいわゆる生活習慣病は、我が国を含めた先進諸国の医療財政を圧迫している最大の元凶である。現代人は過食と運動不足に陥りやすく、その結果、余剰エネルギーが中性脂肪として脂肪組織に蓄積され、肥満症を引き起こす。

15 近年、脂肪組織から分泌される種々の生理活性蛋白質（アディポサイトカインと総称される）が代謝調節やインスリン抵抗性に関与することが示され、生活習慣病の治療への応用が試みられている。例えば、アディポネクチンは、血中に高濃度で存在し、内臓脂肪の増加とともに分泌が減少するアディポサイトカインとして同定され（非特許文献1）、このホルモンの分泌減少とインスリン作用の低下とが深く関与していることが示唆されている（非特許文献2）。一方、レジスチンは脂肪細胞から分泌され、脂肪組織、骨格筋、肝臓などにおけるインスリン作用を低下させるホルモンとして同定され（非特許文献3）、インスリン抵抗性の発症に深く関連するアディポサイトカインとして注目されている。また、脂肪蓄積が起こるとプラスミノゲンアクティベーター1（PAI-1）
20 が内臓脂肪で著しく発現して血中濃度が増加し、血管合併症の成因の1つとなり得ることが示されている（非特許文献4）。

肥満時における脂肪蓄積は肝臓、筋肉、脾臓、血管壁などにも起こり、それら

臓器での代謝異常を引き起こして、インスリン抵抗性、糖尿病、高脂血症、高血圧などを発症させる。これらの臓器は内分泌因子を介して互いに連関し、複雑かつ高度な代謝調節を行っていると考えられる。したがって、筋肉、肝臓、小腸、血管などからもアディポサイトカインと同様の作用を示す内分泌因子が産生・分泌されていると推測されるが、そのような因子に関する報告はこれまでほとんどなされていない。

非特許文献1：Aritaら，「バイオケミカル・アンド・バイオフィジカル・リサーチ・コミュニケーション (Biochem. Biophys. Res. Commun.)」，(米国)，1999年，第257巻，pp. 79-83

非特許文献2：Hottaら，「ダイアビエティス (Diabetes)」，(米国)，2001年，第50巻，pp. 1126-1133

非特許文献3：Steppanら，「ネイチャー (Nature)」，(英国)，2001年，第409巻，pp. 307-312

非特許文献4：Shimomuraら，「ネイチャー・メディシン (Nat. Med.)」，(米国)，1996年，第2巻，pp. 800-803

発明の開示

本発明は、肥満症、糖尿病、動脈硬化症などのいわゆる生活習慣病をはじめとする糖・脂質代謝異常関連疾患の予防・治療薬開発のための有用なツール、あるいはこれらの疾患の有用な診断マーカーとなり得るような筋肉由来の新規分泌もしくは膜蛋白質、およびそれをコードする遺伝子を同定することを目的とする。さらに、本発明は、該遺伝子を含有する組換えベクター、該組換えベクターを保持する形質転換体、該形質転換体を培養することによる該分泌もしくは膜蛋白質の製造方法、該分泌もしくは膜蛋白質に対する抗体、該分泌もしくは膜蛋白質の発現量を変化させる化合物、該分泌もしくは膜蛋白質と相互作用し得る物質（レセプターもしくはリガンド）の決定方法、該物質と該分泌もしくは膜蛋白質との

結合性を変化させる化合物（アンタゴニスト、アゴニスト）のスクリーニング方法およびそのためのキット、該スクリーニング方法もしくはスクリーニング用キットを用いて得られる該物質と該分泌もしくは膜蛋白質との結合性を変化させる化合物、および該物質と該分泌もしくは膜蛋白質との結合性を変化させる化合物または該分泌もしくは膜蛋白質の発現量を変化させる化合物を含有してなる医薬などを提供することを目的とする。

本発明者らは、上記の目的を達成すべく、マウス骨格筋由来のcDNAライブラリーを作製し、該cDNAを、N末端の細胞外領域を欠失させた恒常的活性型トロンボポイエチン受容体（498位のセリンがアスパラギンに置換されている）cDNAの5'側に組み込んだレトロウイルス発現ライブラリーを構築、パッケージング細胞から高力価レトロウイルスを回収してマウスプロB細胞株（Ba/F3）を感染させ、増殖性を保持した細胞を選択した。選択された細胞からゲノムDNAを抽出、PCR法を用いて、導入されたマウス骨格筋由来cDNA断片をサブクローニングし、その塩基配列を決定した。得られたcDNA断片を用いて、マウス、ラットおよびヒト骨格筋cDNAから蛋白質コード領域の全長を含むcDNAクローンを単離し、それらの塩基配列を決定したところ、いずれも新規遺伝子であることが分かった。本発明者らは、これらの知見に基づいてさらに研究を重ねた結果、本発明を完成するに至った。

すなわち、本発明は、

[1] 配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中、アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列と同一または実質的に同一のアミノ酸配列を含有する蛋白質またはその塩、

[2] 配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中、アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列を含有する上記[1]記載の蛋白質またはその塩、

[3] 上記[1]記載の蛋白質の部分ペプチドまたはその塩、

[4] 上記[1]記載の蛋白質をコードする塩基配列を含有する核酸、

〔５〕 配列番号：１または３で表される塩基配列中、塩基番号８８以降の塩基配列を含有する上記〔４〕記載の核酸（但し、該核酸がRNAの場合、該塩基配列中記号tで示される塩基はウリジンに置き換える）、

〔６〕 配列番号：２または４で表されるアミノ酸配列と同一または実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドをコードする塩基配列またはその一部を含有する核酸、

〔７〕 上記〔４〕記載の核酸を含有する組換えベクター、

〔８〕 上記〔７〕記載の組換えベクターで宿主細胞を形質転換して得られる形質転換体、

〔９〕 上記〔８〕記載の形質転換体を培養し、上記〔１〕記載の蛋白質またはその塩を生成せしめることを特徴とする、該蛋白質またはその塩の製造方法、

〔１０〕 上記〔１〕記載の蛋白質もしくは上記〔３〕記載の部分ペプチドまたはその塩を含有してなる医薬、

〔１１〕 上記〔４〕記載の核酸を含有してなる医薬、

〔１２〕 骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療剤である上記〔１０〕または〔１１〕記載の医薬、

〔１３〕 代謝異常が糖・脂質代謝異常である上記〔１２〕記載の医薬、

〔１４〕 上記〔１〕記載の蛋白質もしくは上記〔３〕記載の部分ペプチドまたはその塩、あるいは上記〔４〕記載の核酸の有効量を哺乳動物に投与することを含む、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療方法、

〔１５〕 代謝異常が糖・脂質代謝異常である上記〔１４〕記載の方法、

〔１６〕 骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療剤の製造のための、上記〔１〕記載の蛋白質もしくは上記〔３〕記載の部分ペプチドまたはその塩、あるいは上記〔４〕記載の核酸の使用、

〔１７〕 代謝異常が糖・脂質代謝異常である上記〔１６〕記載の使用、

[18] 上記[6]記載の核酸を含有してなる診断薬、

[19] 上記[1]記載の蛋白質もしくは上記[3]記載の部分ペプチドまたはその塩に対する抗体、

[20] 上記[19]記載の抗体を含有してなる診断薬、

5 [21] 骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の診断用である上記[18]または[20]記載の診断薬、

[22] 上記[19]記載の抗体を含有してなる医薬、

[23] 配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列と同一または実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドをコードする塩基配列と相補的な塩基配列またはその一部を含有する核酸、

10 [24] 上記[23]記載の核酸を含有してなる医薬、

[25] 骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療剤である上記[22]または[24]記載の医薬、

[26] 代謝異常が糖・脂質代謝異常である上記[25]記載の医薬、

15 [27] 上記[19]記載の抗体または上記[23]記載の核酸の有効量を哺乳動物に投与することを含む、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療方法、

[28] 代謝異常が糖・脂質代謝異常である上記[27]記載の方法、

20 [29] 骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療剤の製造のための、上記[19]記載の抗体または上記[23]記載の核酸の使用、

[30] 代謝異常が糖・脂質代謝異常である上記[29]記載の使用、

[31] 上記[1]記載の蛋白質もしくは上記[3]記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることを特徴とする、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療物質のスクリーニング方法、

25 [32] 代謝異常が糖・脂質代謝異常である上記[31]記載のスクリーニン

グ方法、

〔33〕 上記〔1〕記載の蛋白質もしくは上記〔3〕記載の部分ペプチドまたはその塩を含むことを特徴とする、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療物質のスクリーニング用キット、

5 〔34〕 代謝異常が糖・脂質代謝異常である上記〔33〕記載のスクリーニング用キット、

〔35〕 上記〔4〕記載の核酸を用いることを特徴とする、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療物質のスクリーニング方法、

10 〔36〕 代謝異常が糖・脂質代謝異常である上記〔35〕記載のスクリーニング方法、

〔37〕 上記〔4〕記載の核酸を含むことを特徴とする、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療物質のスクリーニング用キット、

15 〔38〕 代謝異常が糖・脂質代謝異常である上記〔37〕記載のスクリーニング用キット、

〔39〕 上記〔1〕記載の蛋白質またはその塩の調節薬を含有してなる、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療剤、

〔40〕 代謝異常が糖・脂質代謝異常である上記〔39〕記載の予防・治療剤、

20 〔41〕 上記〔1〕記載の蛋白質またはその塩の調節薬の有効量を哺乳動物に投与することを含む、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療方法、

〔42〕 代謝異常が糖・脂質代謝異常である上記〔41〕記載の方法、

25 〔43〕 骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療剤の製造のための、上記〔1〕記載の蛋白質またはその塩の調節薬の使用、および

〔44〕 代謝異常が糖・脂質代謝異常である上記〔43〕記載の使用などを提

供する。

本発明の骨格筋由来遺伝子にコードされる蛋白質は、摂餌状態および糖尿病、肥満状態において骨格筋細胞で特異的に発現する分泌もしくは膜蛋白質であり、骨格筋細胞の分化や糖・脂質代謝機能を調節するなどの効果を奏する。

5

図面の簡単な説明

図1は、マウスSS169遺伝子の発現の組織分布を示す〔左より脳、心臓、肺、腎臓、脾臓、精巣、褐色脂肪組織、白色脂肪組織、肝臓、筋肉および小腸を示す〕。縦軸は任意の単位を示す。

10

図2は、糖尿病モデルマウス (KKAy, db/db) および正常マウス (C57BL/6) の骨格筋におけるSS169遺伝子の発現を示す。縦軸は任意の単位を示す。*は $p<0.01$ 、**は $p<0.001$ を示す。

図3は、自由摂食時、絶食時および再給餌時のマウス骨格筋におけるSS169遺伝子の発現を示す。縦軸は任意の単位を示す。

15

図4は、ラットSS169遺伝子の発現の組織分布を示す〔左より脳、肺、心臓、肝臓、腎臓、脾臓、腸、筋肉、白色脂肪組織、褐色脂肪組織および精巣を示す〕。縦軸は任意の単位を示す。

図5は、マウス骨格筋由来細胞株C2C12の分化誘導時におけるSS169遺伝子発現の経日変化を示す。縦軸は任意の単位、横軸は分化誘導後の日数を示す。

20

図6は、マウス骨格筋由来細胞株C2C12におけるSS169遺伝子発現に及ぼすインスリンの影響を示す。縦軸は任意の単位、横軸はインスリン濃度を示す。Cont. はインスリン不含培地で培養したC2C12を示す。*は $p<0.01$ を示す。

図7は、ストレプトゾトシン (STZ) 投与糖尿病モデルマウスの骨格筋 (腓腹筋およびひらめ筋) におけるSS169遺伝子発現を示す。縦軸は任意の単位を示す。Cont. はSTZ非投与マウスを示す。*は $p<0.01$ を示す。

25

図8は、SS169遺伝子安定発現細胞株 (A : NIH3T3細胞 ; B : C2C12細胞) にお

けるSS169の局在性を示す。Flag-tagを付けたSS169またはGFP遺伝子を各細胞株に導入し、細胞抽出液および培養上清をそれぞれ抗Flag抗体を用いて免疫沈降し、SDS-ポリアクリルアミドゲル電気泳動後、抗Flag抗体を用いたウエスタンブロッティングを行った。

5 図9は、マウスSS169遺伝子発現アデノウイルスを低力価 (2×10^7 pfu)、中力価 (6×10^7 pfu) および高力価 (2×10^8 pfu) で感染させたマウスにおける肝臓でのSS169遺伝子の発現量を示す。対照としてlacZ遺伝子発現アデノウイルスを同様に感染させたマウスを用いた。縦軸は任意の単位を示す。棒グラフは左より低力価、中力価、高力価を示す。腓腹筋は、非感染マウスの腓腹筋におけるSS169
10 遺伝子の発現量を示す。

図10は、マウスSS169遺伝子発現アデノウイルスを低力価 (2×10^7 pfu)、中力価 (6×10^7 pfu) および高力価 (2×10^8 pfu) で感染させたマウスにおける体重 (A) および摂食量 (B) の経日変化を示す。対照としてlacZ遺伝子発現アデノウイルスを同様に感染させたマウスを用いた。縦軸は (A) 体重 (単位: g) および (B) 摂食量 (単位: g/日) を示し、横軸はウイルス感染後の日数を示す。
15 —◆—はlacZ遺伝子発現アデノウイルス感染マウス、—■—はSS169遺伝子発現アデノウイルス感染マウスを示す。

図11は、マウスSS169遺伝子発現アデノウイルスを低力価 (2×10^7 pfu)、中力価 (6×10^7 pfu) および高力価 (2×10^8 pfu) で感染させたマウスにおける副睾丸周囲の脂肪重量を示す。縦軸は副睾丸周囲の脂肪重量 (単位: g) を示す。棒グラフは各力価について左よりlacZ遺伝子発現アデノウイルス感染マウス、
20 SS169遺伝子発現アデノウイルス感染マウスを示す。*は $p < 0.01$ を示す。

図12は、マウスSS169遺伝子発現アデノウイルスを低力価 (2×10^7 pfu)、中力価 (6×10^7 pfu) および高力価 (2×10^8 pfu) で感染させたマウスにおける肝臓の重量を示す。縦軸は肝臓の重量 (単位: g) を示す。棒グラフは各力価について左よりlacZ遺伝子発現アデノウイルス感染マウス、SS169遺伝子発現アデノウ
25

イルス感染マウスを示す。*は $p < 0.01$ を示す。

図13は、マウスSS169遺伝子発現アデノウイルスを低力価 (2×10^7 pfu)、中力価 (6×10^7 pfu) および高力価 (2×10^8 pfu) で感染させたマウスにおける
(A) 血糖値 (単位: mg/dl)、(B) 血中インスリン値 (単位: ng/ml)、
5 (C) 血中遊離脂肪酸濃度 (単位: mEq/l) および (D) 血中トリグリセリド濃度 (単位: mg/dl) を示す。棒グラフは各力価について左より lacZ 遺伝子発現アデノウイルス感染マウス、SS169 遺伝子発現アデノウイルス感染マウスを示す。*は $p < 0.01$ を示す。

図14は、インスリン刺激時および非刺激時におけるC2C12細胞内への ^3H -2-deoxy-D-glucose (2-DG) の取り込み (A)、並びにインスリン刺激時における
10 GLUT4、GLUT1 およびヘキソキナーゼII (HK II) 遺伝子発現 (B) に及ぼすSS169の効果を示す。Aにおいて、縦軸は2-DG取り込み (cpm/well) を示し、**は $p < 0.001$ を示す。Bにおいて、縦軸は任意の単位を示し、n. s. は有意差なしを示す。

図15は、インスリン刺激時および非刺激時におけるC2C12細胞でのグリコーゲン合成に及ぼすSS169の効果を示す。縦軸はC2C12細胞内グリコーゲン画分への
15 D-[1- ^{14}C]glucoseの取り込み (cpm/mg蛋白質) を示し、**は $p < 0.001$ を示す。

発明を実施するための最良の形態

20 本発明の蛋白質は、配列番号: 2 または 4 で表わされるアミノ酸配列中、アミノ酸番号 1 以降のアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有する蛋白質である。

本発明の蛋白質は、哺乳動物の骨格筋で特に高発現する (褐色脂肪組織でも弱く発現する) 分泌もしくは膜蛋白質 (以下、本発明の蛋白質を「SS169」と称する場合もある) であるが、上記の性質を有する限りその由来に特に制限はなく、
25 例えば、哺乳動物 (例えば、ヒト、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウ

シ、ウマ、ネコ、イヌ、サル、チンパンジーなど)の細胞[例えば、肝細胞、脾細胞、神経細胞、グリア細胞、膵臓β細胞、骨髄細胞、メサングウム細胞、ランゲルハンス細胞、表皮細胞、上皮細胞、杯細胞、内皮細胞、平滑筋細胞、繊維芽細胞、繊維細胞、筋細胞、脂肪細胞、免疫細胞(例、マクロファージ、T細胞、
5 B細胞、ナチュラルキラー細胞、肥満細胞、好中球、好塩基球、好酸球、単球)、巨核球、滑膜細胞、軟骨細胞、骨細胞、骨芽細胞、破骨細胞、乳腺細胞、肝細胞もしくは間質細胞、またはこれら細胞の前駆細胞、幹細胞もしくはガン細胞など]もしくはそれらの細胞が存在するあらゆる組織[例えば、脳、脳の各部位(例、嗅球、扁桃核、大脳基底核、海馬、視床、視床下部、大脳皮質、延髄、小
10 脳)、脊髄、下垂体、胃、膵臓、腎臓、肝臓、生殖腺、甲状腺、胆嚢、骨髄、副腎、皮膚、肺、消化管(例、大腸、小腸)、血管、心臓、胸腺、脾臓、顎下腺、末梢血、前立腺、睾丸、卵巣、胎盤、子宮、骨、関節、脂肪組織(例、褐色脂肪組織、白色脂肪組織)、骨格筋など]等から単離・精製される蛋白質であってもよい。また、化学合成もしくは無細胞翻訳系で生化学的に合成された蛋白質であ
15 ってもよいし、あるいは上記アミノ酸配列をコードする塩基配列を有する核酸を導入された形質転換体から産生される組換え蛋白質であってもよい。

配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中、アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列としては、配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中、アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、さらに好ましくは約90%以上、特に好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列などが挙げられる。ここで「相同性」とは、
20 当該技術分野において公知の数学的アルゴリズムを用いて2つのアミノ酸配列をアラインさせた場合の、最適なアラインメント(好ましくは、該アルゴリズムは最適なアラインメントのために配列の一方もしくは両方へのギャップの導入を考
25 慮し得るものである)における、オーバーラップする全アミノ酸残基に対する同一アミノ酸および類似アミノ酸残基の割合(%)を意味する。「類似アミノ酸」

とは物理化学的性質において類似したアミノ酸を意味し、例えば、芳香族アミノ酸 (Phe、Trp、Tyr)、脂肪族アミノ酸 (Ala、Leu、Ile、Val)、極性アミノ酸 (Gln、Asn)、塩基性アミノ酸 (Lys、Arg、His)、酸性アミノ酸 (Glu、Asp)、水酸基を有するアミノ酸 (Ser、Thr)、側鎖の小さいアミノ酸 (Gly、Ala、Ser、Thr、Met) などの同じグループに分類されるアミノ酸が挙げられる。このような類似アミノ酸による置換は蛋白質の表現型に変化をもたらさない (即ち、保存的アミノ酸置換である) ことが予測される。保存的アミノ酸置換の具体例は当該技術分野で周知であり、種々の文献に記載されている (例えば、Bowieら, Science, 247 : 1306-1310 (1990)を参照)。

アミノ酸配列の相同性を決定するためのアルゴリズムとしては、例えば、Karlinら, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 90 : 5873-5877 (1993)に記載のアルゴリズム [該アルゴリズムはNBLASTおよびXBLASTプログラム (version 2.0) に組み込まれている (Altschulら, Nucleic Acids Res., 25 : 3389-3402 (1997))]、Needlemanら, J. Mol. Biol., 48 : 444-453 (1970)に記載のアルゴリズム [該アルゴリズムはGCGソフトウェアパッケージ中のGAPプログラムに組み込まれている]、MyersおよびMiller, CABIOS, 4: 11-17 (1988)に記載のアルゴリズム [該アルゴリズムはCGC配列アラインメントソフトウェアパッケージの一部であるALIGNプログラム (version 2.0) に組み込まれている]、Pearsonら, Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 85: 2444-2448 (1988)に記載のアルゴリズム [該アルゴリズムはGCGソフトウェアパッケージ中のFASTAプログラムに組み込まれている] 等が挙げられるが、それらに限定されない。

より好ましくは、配列番号 : 2または4で表されるアミノ酸配列中、アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列とは、配列番号 : 2または4で表されるアミノ酸配列中、アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列と約60%以上、好ましくは約70%以上、さらに好ましくは約80%以上、特に好ましくは約90%以上の同一性を有するアミノ酸配列である。

配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有する蛋白質としては、例えば、前記の配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有し、配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列を含有する蛋白質と実質的に同質の活性を有する蛋白質などが好ましい。

実質的に同質の活性としては、例えば、レセプター（もしくはリガンド）結合活性およびシグナル情報伝達作用などが挙げられる。「実質的に同質」とは、それらの活性が性質的に（例：生理学的に、または薬理学的に）同質であることを示す。したがって、レセプター（リガンド）結合活性やシグナル情報伝達作用などの活性が同等（例：約0.5～約2倍）であることが好ましいが、これらの活性の程度や蛋白質の分子量などの量的要素は異なってもよい。

レセプター（もしくはリガンド）結合活性やシグナル情報伝達作用などの活性の測定は、自体公知の方法に準じて行なうことができるが、例えば、後述する特異的親和性を有する生体物質（レセプターもしくはリガンド）の決定方法やアゴニスト、アンタゴニストのスクリーニング方法において用いられる方法に従って測定することができる。

また、本発明の蛋白質としては、例えば、(1)配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列のうち1または2個以上（好ましくは、1～30個程度、好ましくは1～10個程度、さらに好ましくは数（1～5）個）のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、(2)配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列に1または2個以上（好ましくは、1～30個程度、好ましくは1～10個程度、さらに好ましくは数（1～5）個）のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、(3)配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列に1または2個以上（好ましくは、1～30個程度、好ましくは1～10個程度、さらに好ましくは数（1～5）個）のアミノ酸が挿入されたアミノ酸配列、(4)配列番

号：2または4で表されるアミノ酸配列中アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列のうち1または2個以上（好ましくは、1～30個程度、好ましくは1～10個程度、さらに好ましくは数（1～5）個）のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、または(5)それらを組み合わせたアミノ酸配列を含有する蛋白質などのいわゆるムテインも含まれる。

上記のようにアミノ酸配列が挿入、欠失または置換されている場合、その挿入、欠失または置換の位置は、蛋白質の活性が保持される限り特に限定されない。

本発明の蛋白質は分泌もしくは膜蛋白質であり、生体内ではN末端にシグナルペプチドを有する前駆ポリペプチドとして翻訳された後、シグナルペプチダーゼによるプロセッシングを受けて成熟蛋白質となる。シグナルペプチドの開裂部位（成熟蛋白質のN末端）は、例えば、完全もしくは部分精製した本発明の蛋白質をエドマン分解法に付すことにより決定することができるが、前駆ポリペプチドの一次構造から公知の数学的アルゴリズムを用いて予測することができる。このようなアルゴリズムとしては、例えば、Nielsenら、Int. Neural Syst., 8(5-6): 581-599 (1997)に記載のアルゴリズム〔該アルゴリズムはSignalPプログラム（WWWサーバー：<http://www.cbs.dtu.dk/services/SignalP/>上で利用可能）に組み込まれている〕、Emanuelssonら、J. Mol. Biol. 300: 1005-1016 (2000)に記載のアルゴリズム〔該アルゴリズムはTargetPプログラム（WWWサーバー：<http://www.cbs.dtu.dk/services/TargetP/>上で利用可能）に組み込まれている〕等が挙げられるが、これらに限定されない。例えば、SOSUI (Signal) プログラム（WWWサーバー：http://sosui.proteome.bio.tuat.ac.jp/cgi-bin/sosui.cgi?/sosuisignal/sosuisignal_submit.html/上で利用可能）を用いた場合、配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列を有するポリペプチドはアミノ酸番号1とアミノ酸番号1の間で開裂すると予測されるが、現実の開裂部位と必ずしも一致するわけではなく、また、本発明の蛋白質を発現する細胞種によってシグナルの切断位置が異なる場合も起こり得る。従って、配列番号：2または4で

表されるアミノ酸配列中アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列において1または2個以上のアミノ酸が付加もしくは欠失したアミノ酸配列には、そのN末端に1または2個以上のアミノ酸が付加したアミノ酸配列やそのN末端の1または2個以上のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列も包含される。

- 5 本発明の蛋白質は、好ましくは、配列番号：2で表されるアミノ酸配列中アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列を有するヒトSS169蛋白質または配列番号：4で表されるアミノ酸配列中アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列を有するマウスSS169蛋白質、あるいは他の哺乳動物におけるそのホモログ（例、配列番号：2
10 3で表されるアミノ酸配列中アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列を有するラットホモログ等）である。

- 本明細書において、蛋白質およびペプチドは、ペプチド標記の慣例に従って左端がN末端（アミノ末端）、右端がC末端（カルボキシル末端）で記載される。配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列を含有する蛋白質をはじめとする、本発明の蛋白質（SS169）は、C末端が
15 カルボキシル基（ $-\text{COOH}$ ）、カルボキシレート（ $-\text{COO}^-$ ）、アミド（ $-\text{CONH}_2$ ）またはエステル（ $-\text{COOR}$ ）の何れであつてもよい。

- ここでエステルにおけるRとしては、例えば、メチル、エチル、 n -プロピル、イソプロピル、 n -ブチルなどの C_{1-6} アルキル基；例えば、シクロペンチル、シクロヘキシルなどの C_{3-8} シクロアルキル基；例えば、フェニル、 α -ナフチルなどの C_{6-12} アリール基；例えば、ベンジル、フェネチルなどのフェニル- C_{1-2} アルキル基； α -ナフチルメチルなどの α -ナフチル- C_{1-2} アルキル基などの C_{7-14} アラルキル基；ピバロイルオキシメチル基などが用いられる。
20

- 本発明の蛋白質がC末端以外にカルボキシル基（またはカルボキシレート）を
25 有している場合、カルボキシル基がアミド化またはエステル化されているものも本発明の蛋白質に含まれる。この場合のエステルとしては、例えば上記したC末

端のエステルなどが用いられる。

さらに、本発明の蛋白質には、N末端のアミノ酸残基のアミノ基が保護基（例えば、ホルミル基、アセチル基などのC₁ - 6 アルカノイルなどのC₁ - 6 アシル基など）で保護されているもの、生体内で切断されて生成し得るN末端のグルタミン残基がピログルタミン酸化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基（例えば-OH、-SH、アミノ基、イミダゾール基、インドール基、グアニジノ基など）が適当な保護基（例えば、ホルミル基、アセチル基などのC₁ - 6 アルカノイル基などのC₁ - 6 アシル基など）で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖蛋白質などの複合蛋白質なども含まれる。

SS169の部分ペプチド（以下、単に「本発明の部分ペプチド」と略称する場合もある）は、上記したSS169の部分アミノ酸配列を有するペプチドであり、且つSS169と実質的に同質の活性を有する限り、何れのものであってもよい。ここで「実質的に同質の活性」とは上記と同意義を示す。また、「実質的に同質の活性」の測定はSS169の場合と同様に行なうことができる。

具体的には、本発明の部分ペプチドとして、例えば、配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列のうち、SS169と相互作用し得る生体物質（レセプターもしくはリガンド）との結合に関わる領域および該相互作用を介したシグナル伝達に関わる領域をさらに含む部分アミノ酸配列を有するものなどが用いられる。

本発明の部分ペプチドとしては、少なくとも30個以上、好ましくは60個以上、より好ましくは100個以上のアミノ酸を有するペプチドなどが好ましい。

一方、SS169の部分アミノ酸配列を含むがSS169と実質的に同質の活性を有しないペプチド、例えば、配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列のうち、SS169と相互作用し得る生体物質（レセプターもしくはリガンド）との結合に関わる領域を含むが、該相互作用を介したシグナル伝達に関わる領域を含まない部分アミノ酸配列を有するものなどは、「本発

明の部分ペプチド」には含まれない。しかしながら、かかるペプチドは、SS169と相互作用し得る生体物質（レセプターもしくはリガンド）と結合してSS169によるシグナル伝達作用を遮断することができるので、該シグナル伝達の異常亢進が関与する病態・疾患の予防・治療などに有用であり得る。

5 また、本発明の部分ペプチドはC末端がカルボキシル基（ $-\text{COOH}$ ）、カルボキシレート（ $-\text{COO}^-$ ）、アミド（ $-\text{CONH}_2$ ）またはエステル（ $-\text{COOR}$ ）の何れであってもよい。ここでエステルにおけるRとしては、SS169について前記したと同様のものが挙げられる。本発明の部分ペプチドがC末端以外にカルボキシル基（またはカルボキシレート）を有している場合、カルボキシル基
10 がアミド化またはエステル化されているものも本発明の部分ペプチドに含まれる。この場合のエステルとしては、例えば、C末端のエステルと同様のものなどが用いられる。

さらに、本発明の部分ペプチドには、上記したSS169と同様に、N末端のアミノ酸残基のアミノ基が保護基で保護されているもの、N末端のグルタミン残基が
15 ピログルタミン酸化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基が適当な保護基で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖ペプチドなどの複合ペプチドなども含まれる。

SS169またはその部分ペプチドの塩としては、酸または塩基との生理学的に許容される塩が挙げられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。こ
20 のような塩としては、例えば、無機酸（例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸）との塩、あるいは有機酸（例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蔞酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸）との塩などが用いられる。

SS169またはその塩は、前述した哺乳動物の細胞または組織から自体公知の蛋白質の精製方法によって製造することができる。具体的には、SS169が細胞膜に
25 局在する場合は、哺乳動物の組織または細胞をホモジナイズし、低速遠心により

細胞デブリスを除去した後、上清を高速遠心して細胞膜含有画分を沈澱させ（必要に応じて密度勾配遠心などにより細胞膜画分を精製し）、該画分を逆相クロマトグラフィー、イオン交換クロマトグラフィー、アフィニティークロマトグラフィーなどのクロマトグラフィー等に付すことによりSS169またはその塩を調製することができる。また、SS169が細胞外に分泌される場合は、哺乳動物の組織または細胞を適当な培地中で培養した後、濾過または遠心分離等により培養上清を分取し、該上清を上記と同様にクロマトグラフィー等に付すことによりSS169またはその塩を調製することができる。

SS169もしくはその部分ペプチドまたはその塩（以下、「SS169類」と総称する場合がある）は、公知のペプチド合成法に従って製造することもできる。

ペプチド合成法は、例えば、固相合成法、液相合成法のいずれであってもよい。SS169類を構成し得る部分ペプチドもしくはアミノ酸と残余部分とを縮合し、生成物が保護基を有する場合は保護基を脱離することにより目的とする蛋白質を製造することができる。

ここで、縮合や保護基の脱離は、自体公知の方法、例えば、以下の(1)～(5)に記載された方法に従って行われる。

(1) M. Bodanszky および M.A. Ondetti、ペプチド・シンセシス (Peptide Synthesis), Interscience Publishers, New York (1966年)

(2) SchroederおよびLuebke、ザ・ペプチド(The Peptide), Academic Press, New York (1965年)

(3) 泉屋信夫他、ペプチド合成の基礎と実験、丸善(株) (1975年)

(4) 矢島治明 および榊原俊平、生化学実験講座 1、蛋白質の化学IV、205、(1977年)

(5) 矢島治明監修、続医薬品の開発、第14巻、ペプチド合成、広川書店

このようにして得られた蛋白質（ペプチド）は、公知の精製法により精製単離することができる。ここで、精製法としては、例えば、溶媒抽出、蒸留、カラム

クロマトグラフィー、液体クロマトグラフィー、再結晶、これらの組み合わせなどが挙げられる。

上記方法で得られる蛋白質（ペプチド）が遊離体である場合には、該遊離体を公知の方法あるいはそれに準じる方法によって適当な塩に変換することができるし、逆に蛋白質（ペプチド）が塩として得られた場合には、該塩を公知の方法あるいはそれに準じる方法によって遊離体または他の塩に変換することができる。

SS169類の合成には、通常市販の蛋白質合成用樹脂を用いることができる。そのような樹脂としては、例えば、クロロメチル樹脂、ヒドロキシメチル樹脂、ベンズヒドリルアミン樹脂、アミノメチル樹脂、4-ベンジルオキシベンジルアルコール樹脂、4-メチルベンズヒドリルアミン樹脂、PAM樹脂、4-ヒドロキシメチルメチルフェニルアセトアミドメチル樹脂、ポリアクリルアミド樹脂、4-(2', 4'-ジメトキシフェニル-ヒドロキシメチル)フェノキシ樹脂、4-(2', 4'-ジメトキシフェニル-Fmocアミノエチル)フェノキシ樹脂などを挙げるることができる。このような樹脂を用い、 α -アミノ基と側鎖官能基を適当に保護したアミノ酸を、目的とする蛋白質（ペプチド）の配列通りに、自体公知の各種縮合方法に従い、樹脂上で縮合させる。反応の最後に樹脂から蛋白質等を切り出すと同時に各種保護基を除去し、さらに高希釈溶液中で分子内ジスルフィド結合形成反応を実施し、目的の蛋白質（ペプチド）またはそのアミド体を取得する。

上記した保護アミノ酸の縮合に関しては、蛋白質合成に使用できる各種活性化試薬を用いることができるが、特に、カルボジイミド類がよい。カルボジイミド類としては、DCC、N, N'-ジイソプロピルカルボジイミド、N-エチル-N'-(3-ジメチルアミノプロリル)カルボジイミドなどが用いられる。これらによる活性化にはラセミ化抑制添加剤（例えば、HOBt、HOObt）とともに保護アミノ酸を直接樹脂に添加するか、または、対称酸無水物またはHOBtエステルあるいはHOObtエステルとしてあらかじめ保護アミノ酸の活性化を

行なった後に樹脂に添加することができる。

保護アミノ酸の活性化や樹脂との縮合に用いられる溶媒は、蛋白質縮合反応に使用しうることが知られている溶媒から適宜選択されうる。例えば、N，N-ジメチルホルムアミド，N，N-ジメチルアセトアミド，N-メチルピロリドンなどの酸アミド類、塩化メチレン，クロロホルムなどのハロゲン化炭化水素類、トリフルオロエタノールなどのアルコール類、ジメチルスルホキシドなどのスルホキシド類、ピリジンなどのアミン類，ジオキサン，テトラヒドロフランなどのエーテル類、アセトニトリル，プロピオニトリルなどのニトリル類、酢酸メチル，酢酸エチルなどのエステル類あるいはこれらの適宜の混合物などが用いられる。

反応温度は蛋白質結合形成反応に使用され得ることが知られている範囲から適宜選択され、通常約-20℃～50℃の範囲から適宜選択される。活性化されたアミノ酸誘導体は通常1.5～4倍過剰で用いられる。ニンヒドリン反応を用いたテストの結果、縮合が不十分な場合には保護基の脱離を行うことなく縮合反応を繰り返すことにより十分な縮合を行なうことができる。反応を繰り返しても十分な縮合が得られないときには、無水酢酸またはアセチルイミダゾールを用いて未反応アミノ酸をアセチル化することができる。

原料の反応に関与すべきでない官能基の保護ならびに保護基、およびその保護基の脱離、反応に関与する官能基の活性化などは公知の基または公知の手段から適宜選択しうる。

原料のアミノ基の保護基としては、例えば、Z、Boc、ターシャリーペンチルオキシカルボニル、イソボルニルオキシカルボニル、4-メトキシベンジルオキシカルボニル、Cl-Z、Br-Z、アダマンチルオキシカルボニル、トリフルオロアセチル、フタロイル、ホルミル、2-ニトロフェニルスルフェニル、ジフェニルホスフィノチオイル、Fmocなどが用いられる。

カルボキシル基は、例えば、アルキルエステル化（例えば、メチル、エチル、プロピル、ブチル、ターシャリーブチル、シクロペンチル、シクロヘキシル、シ

クロヘプチル、シクロオクチル、2-アダマンチルなどの直鎖状、分枝状もしくは環状アルキルエステル化)、アラルキルエステル化(例えば、ベンジルエステル、4-ニトロベンジルエステル、4-メトキシベンジルエステル、4-クロロベンジルエステル、ベンズヒドリルエステル化)、フェナシルエステル化、ベン
5 ジルオキシカルボニルヒドラジド化、ターシャリープトキシカルボニルヒドラジド化、トリチルヒドラジド化などによって保護することができる。

セリンの水酸基は、例えば、エステル化またはエーテル化によって保護することができる。このエステル化に適する基としては、例えば、アセチル基などの低級アルカノイル基、ベンゾイル基などのアロイル基、ベンジルオキシカルボニル
10 基、エトキシカルボニル基などの炭酸から誘導される基などが用いられる。また、エーテル化に適する基としては、例えば、ベンジル基、テトラヒドロピラニル基、t-ブチル基などである。

チロシンのフェノール性水酸基の保護基としては、例えば、Bz1、Cl₂-Bz1、2-ニトロベンジル、Br-Z、ターシャリープチルなどが用いられる。

15 ヒスチジンのイミダゾールの保護基としては、例えば、Tos、4-メトキシ-2,3,6-トリメチルベンゼンスルホニル、DNP、ベンジルオキシメチル、Bum、Boc、Trt、Fmocなどが用いられる。

保護基の除去(脱離)方法としては、例えば、Pd-黒あるいはPd-炭素などの触媒の存在下での水素気流中での接触還元や、また、無水フッ化水素、メ
20 タンスルホン酸、トリフルオロメタンスルホン酸、トリフルオロ酢酸あるいはこれらの混合液などによる酸処理や、ジイソプロピルエチルアミン、トリエチルアミン、ピペリジン、ピペラジンなどによる塩基処理、また液体アンモニア中ナトリウムによる還元なども用いられる。上記酸処理による脱離反応は、一般に約-20℃~40℃の温度で行なわれるが、酸処理においては、例えば、アニソール、
25 フェノール、チオアニソール、メタクレゾール、パラクレゾール、ジメチルスルフィド、1,4-ブタンジチオール、1,2-エタンジチオールなどのようなカ

チオン捕捉剤の添加が有効である。また、ヒスチジンのイミダゾール保護基として用いられる 2, 4-ジニトロフェニル基はチオフェノール処理により除去され、トリプトファンのインドール保護基として用いられるホルミル基は上記の 1, 2-エタンジチオール、1, 4-ブタンジチオールなどの存在下の酸処理による脱保護以外に、希水酸化ナトリウム溶液、希アンモニアなどによるアルカリ処理によっても除去される。

原料のカルボキシル基の活性化されたものとしては、例えば、対応する酸無水物、アジド、活性エステル [アルコール (例えば、ペンタクロロフェノール、2, 4, 5-トリクロロフェノール、2, 4-ジニトロフェノール、シアノメチルアルコール、パラニトロフェノール、HONB、N-ヒドロキシスクシミド、N-ヒドロキシフタルイミド、HOBt) とのエステル] などが用いられる。原料のアミノ基の活性化されたものとしては、例えば、対応するリン酸アミドが用いられる。

蛋白質 (ペプチド) のアミド体を得る別の方法としては、例えば、まず、カルボキシ末端アミノ酸の α -カルボキシル基をアミド化して保護した後、アミノ基側にペプチド鎖を所望の鎖長まで延ばした後、該ペプチド鎖の N 末端の α -アミノ基の保護基のみを除いた蛋白質 (ペプチド) と C 末端のカルボキシル基の保護基のみを除去した蛋白質 (ペプチド) とを製造し、この両蛋白質 (ペプチド) を上記したような混合溶媒中で縮合させる。縮合反応の詳細については上記と同様である。縮合により得られた保護蛋白質 (保護ペプチド) を精製した後、上記方法によりすべての保護基を除去し、所望の粗蛋白質 (粗ペプチド) を得ることができる。この粗蛋白質 (粗ペプチド) は既知の各種精製手段を駆使して精製し、主要画分を凍結乾燥することで所望の蛋白質 (ペプチド) のアミド体を得ることができる。

蛋白質 (ペプチド) のエステル体は、例えば、カルボキシ末端アミノ酸の α -カルボキシル基を所望のアルコール類と縮合しアミノ酸エステルとした後、上記

蛋白質（ペプチド）のアミド体の場合と同様にして得ることができる。

本発明の部分ペプチドまたはその塩は、SS169またはその塩を適当なペプチダーゼで切断することによっても製造することができる。

さらに、SS169類は、SS169またはその部分ペプチドをコードする核酸を含有する形質転換体を培養し、得られる培養物からSS169類を分離精製することによって製造することもできる。SS169またはその部分ペプチドをコードする核酸はDNAであってもRNAであってもよく、あるいはDNA/RNAキメラであってもよい。好ましくはDNAが挙げられる。また、該核酸は二本鎖であっても、一本鎖であってもよい。二本鎖の場合は、二本鎖DNA、二本鎖RNAまたはDNA:RNAのハイブリッドでもよい。一本鎖の場合は、センス鎖（即ち、コード鎖）であっても、アンチセンス鎖（即ち、非コード鎖）であってもよい。

SS169またはその部分ペプチドをコードするDNAとしては、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、哺乳動物（例えば、ヒト、ウシ、サル、ウマ、ブタ、ヒツジ、ヤギ、イヌ、ネコ、モルモット、ラット、マウス、ウサギ、ハムスターなど）のあらゆる細胞〔例えば、肝細胞、脾細胞、神経細胞、グリア細胞、膵臓β細胞、骨髄細胞、メサングウム細胞、ランゲルハンス細胞、表皮細胞、上皮細胞、杯細胞、内皮細胞、平滑筋細胞、繊維芽細胞、繊維細胞、筋細胞、脂肪細胞、免疫細胞（例、マクロファージ、T細胞、B細胞、ナチュラルキラー細胞、肥満細胞、好中球、好塩基球、好酸球、単球）、巨核球、滑膜細胞、軟骨細胞、骨細胞、骨芽細胞、破骨細胞、乳腺細胞、肝細胞もしくは間質細胞、またはこれら細胞の前駆細胞、幹細胞もしくはガン細胞など〕もしくはそれらの細胞が存在するあらゆる組織〔例えば、脳、脳の各部位（例、嗅球、扁桃核、大脳基底核、海馬、視床、視床下部、大脳皮質、延髄、小脳）、脊髄、下垂体、胃、膵臓、腎臓、肝臓、生殖腺、甲状腺、胆嚢、骨髄、副腎、皮膚、肺、消化管（例、大腸、小腸）、血管、心臓、胸腺、脾臓、顎下腺、末梢血、前立腺、睾丸、卵巣、胎盤、子宮、骨、関節、脂肪組織（例、褐色脂肪組織、白色脂肪組織）、骨格筋など〕由来の

cDNA、前記した細胞・組織由来のcDNAライブラリー、合成DNAなどが挙げられる。ライブラリーに使用するベクターは、バクテリオファージ、プラスミド、コスミド、ファージミドなどいずれであってもよい。また、上記した細胞・組織より調製した全RNAまたはmRNA画分を用いて直接Reverse Transcriptase Polymerase Chain Reaction（以下、「RT-PCR法」と略称する）によって増幅することもできる。

SS169をコードするDNAとしては、例えば、配列番号：1または3で表される塩基配列中塩基番号88以降の塩基配列を含有するDNA、または配列番号：1または3で表される塩基配列中塩基番号88以降の塩基配列とハイストリンジエントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を含有し、前記したSS169と実質的に同質の活性（例：レセプター（もしくはリガンド）結合活性、シグナル伝達作用など）を有する蛋白質をコードするDNAなどが挙げられる。

配列番号：1または3で表される塩基配列中塩基番号88以降の塩基配列とハイストリンジエントな条件下でハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、配列番号：1または3で表される塩基配列中塩基番号88以降の塩基配列と約50%以上、好ましくは約60%以上、さらに好ましくは約70%以上、特に好ましくは約80%以上、最も好ましくは約90%以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

ハイブリダイゼーションは、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法、例えば、モレキュラー・クローニング（Molecular Cloning）第2版（J. Sambrook et al., Cold Spring Harbor Lab. Press, 1989）に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、ハイブリダイゼーションは、添付の使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。ハイブリダイゼーションは、好ましくは、ハイストリンジエントな条件に従って行なうことができる。

ハイストリンジエントな条件としては、例えば、ナトリウム塩濃度が約19～

約 40 mM、好ましくは約 19～約 20 mMで、温度が約 50～約 70℃、好ましくは約 60～約 65℃の条件等が挙げられる。特に、ナトリウム塩濃度が約 19 mMで温度が約 65℃の場合が好ましい。

5 SS169をコードするDNAは、好ましくは配列番号：1で表される塩基配列中塩基番号88以降の塩基配列で示される成熟ヒトSS169蛋白質をコードする塩基配列を含有するDNA、より好ましくは配列番号：1で表されるヒトSS169前駆ポリペプチドをコードする塩基配列を有するDNA、または配列番号：3で表される塩基配列中塩基番号88以降の塩基配列を含有する成熟マウスSS169蛋白質をコードする塩基配列を含有するDNA、より好ましくは配列番号：3で表されるマウスSS169前駆ポリペプチドをコードする塩基配列を有するDNA、あるいは他の哺乳動物におけるそのホモログ（例、配列番号：22で表される塩基配列中塩基番号88以降の塩基配列を含有する成熟ラットSS169蛋白質をコードする塩基配列を含有するDNA、好ましくは配列番号：23で表されるラットSS169前駆ポリペプチドをコードする塩基配列を有するDNAなど）である。

15 本発明の部分ペプチドをコードするDNAは、配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列の一部と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を有するペプチドをコードする塩基配列を含むものであればいかなるものであってもよい。また、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、上記した細胞・組織由来のcDNA、上記した細胞・組織由来のcDNAライブラリー、合成DNAのいずれでもよい。ライブラリーに使用するベクターは、バクテリオファージ、プラスミド、コスミド、ファージミドなどいずれであつてもよい。また、上記した細胞・組織より調製したmRNA画分を用いて直接RT-PCR法によって増幅することもできる。

25 具体的には、本発明の部分ペプチドをコードするDNAとしては、例えば、
(1) 配列番号：1または3で表される塩基配列中塩基番号88以降の塩基配列の部分塩基配列を有するDNA、または(2) 配列番号：1または3で表される

塩基配列中塩基番号 88 以降の塩基配列を有する DNA とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有し、前記した SS169 と実質的に同質の活性（例：レセプター（もしくはリガンド）結合活性、シグナル伝達作用など）を有するペプチドをコードする DNA などが用いられる。

5 配列番号：1 または 3 で表される塩基配列中塩基番号 88 以降の塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズできる DNA としては、例えば、該塩基配列と約 60% 以上、好ましくは約 70% 以上、より好ましくは約 80% 以上、最も好ましくは約 90% 以上の同一性を有する塩基配列を含有する DNA などが用いられる。

10 SS169 またはその部分ペプチドをコードする DNA は、該 SS169 またはその部分ペプチドをコードする塩基配列の一部を有する合成 DNA プライマーを用いて PCR 法によって増幅するか、または適当な発現ベクターに組み込んだ DNA を、SS169 蛋白質の一部あるいは全領域をコードする DNA 断片もしくは合成 DNA
15 を標識したものとハイブリダイゼーションすることによってクローニングすることができる。ハイブリダイゼーションは、例えば、モレキュラー・クローニング (Molecular Cloning) 第 2 版（前述）に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、ハイブリダイゼーションは、該ライブラリーに添付された使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。

20 DNA の塩基配列は、公知のキット、例えば、MutanTM-super Express Km（宝酒造（株））、MutanTM-K（宝酒造（株））等を用いて、ODA-LA PCR 法、Gapped duplex 法、Kunkel 法等の自体公知の方法あるいはそれらに準じる方法に従って変換することができる。

25 クローン化された DNA は、目的によりそのまま、または所望により制限酵素で消化するか、リンカーを付加した後に、使用することができる。該 DNA はその 5' 末端側に翻訳開始コドンとしての ATG を有し、また 3' 末端側には翻訳

終止コドンとしてのTAA、TGAまたはTAGを有していてもよい。これらの翻訳開始コドンや翻訳終止コドンは、適当な合成DNAアダプターを用いて付加することができる。

5 SS169またはその部分ペプチドをコードするDNAを含む発現ベクターは、例えば、SS169をコードするDNAから目的とするDNA断片を切り出し、該DNA断片を適当な発現ベクター中のプロモーターの下流に連結することにより製造することができる。

10 発現ベクターとしては、大腸菌由来のプラスミド（例、pBR322、pBR325、pUC12、pUC13）；枯草菌由来のプラスミド（例、pUB110、pTP5、pC194）；酵母由来プラスミド（例、pSH19、pSH15）；昆虫細胞発現プラスミド（例：pFast-Bac）；動物細胞発現プラスミド（例：pA1-11、pXT1、pRc/CMV、pRc/RSV、pcDNA1/Neo）； λ ファージなどのバクテリオファージ；バキュロウイルスなどの昆虫ウイルスベクター（例：BmNPV、AcNPV）；レトロウイルス、
15 ワクシニアウイルス、アデノウイルスなどの動物ウイルスベクターなどが用いられる。

プロモーターとしては、遺伝子の発現に用いる宿主に対応して適切なプロモーターであればいかなるものでもよい。

20 例えば、宿主が動物細胞である場合、SR α プロモーター、SV40プロモーター、LTRプロモーター、CMV（サイトメガロウイルス）プロモーター、RSV（ラウス肉腫ウイルス）プロモーター、MoMuLV（モロニーマウス白血病ウイルス）LTR、HSV-TK（単純ヘルペスウイルスチミジンキナーゼ）プロモーターなどが用いられる。なかでも、CMVプロモーター、SR α プロモーターなどが好ましい。

25 宿主がエシェリヒア属菌である場合、trpプロモーター、lacプロモーター、recAプロモーター、 λ P_Lプロモーター、lppプロモーター、T7プ

ロモーターなどが好ましい。

宿主がバチルス属菌である場合、SPO1プロモーター、SPO2プロモーター、penPプロモーターなどが好ましい。

5 宿主が酵母である場合、PHO5プロモーター、PGKプロモーター、GAPプロモーター、ADHプロモーターなどが好ましい。

宿主が昆虫細胞である場合、ポリヘドリンプロモーター、P10プロモーターなどが好ましい。

10 発現ベクターとしては、上記の他に、所望によりエンハンサー、スプライシングシグナル、ポリA付加シグナル、選択マーカー、SV40複製起点（以下、SV40 oriと略称する場合がある）などを含有しているものを用いることができる。選択マーカーとしては、例えば、ジヒドロ葉酸還元酵素遺伝子（以下、dhfrと略称する場合がある、メソトレキセート（MTX）耐性）、アンピシリン耐性遺伝子（以下、amp^rと略称する場合がある）、ネオマイシン耐性遺伝子（以下、neo^rと略称する場合がある、G418耐性）等が挙げられる。
15 特に、dhfr遺伝子欠損チャイニーズハムスター細胞を用い、dhfr遺伝子を選択マーカーとして使用する場合、チミジンを含まない培地によって目的遺伝子を選択することもできる。

20 また、必要に応じて、宿主に合ったシグナル配列をコードする塩基配列（シグナルコドン）を、SS169またはその部分ペプチドをコードするDNAの5'末端側に付加（またはネイティブなシグナルコドンと置換）してもよい。例えば、宿主がエシェリヒア属菌である場合、PhoA・シグナル配列、OmpA・シグナル配列などが；宿主がバチルス属菌である場合、 α -アミラーゼ・シグナル配列、サブチリシン・シグナル配列などが；宿主が酵母である場合、MF α ・シグナル配列、SUC2・シグナル配列などが；宿主が動物細胞である場合、インスリン・シグナル配列、 α -インターフェロン・シグナル配列、抗体分子・シグナル配列などがそれぞれ用いられる。
25

上記したSS169またはその部分ペプチドをコードするDNAを含む発現ベクターで宿主を形質転換し、得られる形質転換体を培養することによって、SS169類を製造することができる。

5 宿主としては、例えば、エシェリヒア属菌、バチルス属菌、酵母、昆虫細胞、昆虫、動物細胞などが用いられる。

エシェリヒア属菌としては、例えば、エシェリヒア・コリ (*Escherichia coli*) K12・DH1 [プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 60巻, 160(1968)], エシェリヒア・コリ JM103 [ヌクレ
10 イック・アシッズ・リサーチ (Nucleic Acids Research), 9巻, 309(1981)], エシェリヒア・コリ JA221 [ジャーナル・オブ・モレキュラー・バイオロジー (Journal of Molecular Biology), 120巻, 517(1978)], エシェリヒア・コリ HB101 [ジャーナル・オブ・モレキュラー・バイオロジー, 41巻, 459(1969)], エシェリヒア・コリ C600 [ジェ
15 ネティックス (Genetics), 39巻, 440(1954)] などが用いられる。

バチルス属菌としては、例えば、バチルス・サブチルス (*Bacillus subtilis*) MI114 [ジーン, 24巻, 255(1983)], バチルス・サブチルス 207-21 [ジャーナル・オブ・バイオケミストリー (Journal of Biochemistry), 95巻, 87(1984)] などが用いられる。

20 酵母としては、例えば、サッカロマイセス・セレビシエ (*Saccharomyces cerevisiae*) AH22, AH22R⁻, NA87-11A, DKD-5D, 20B-12、シゾサッカロマイセス・ポンベ (*Schizosaccharomyces pombe*) NCYC1913, NCYC2036、ピキア・パストリス (*Pichia pastoris*) KM71 などが用いられる。

25 昆虫細胞としては、例えば、ウイルスがAcNPVの場合、夜盗蛾の幼虫由来株化細胞 (*Spodoptera frugiperda* cell; Sf細胞)、*Trichoplusia ni*の中腸

由来のMG 1細胞、*Trichoplusia ni*の卵由来のHigh FiveTM細胞、*Mamestra brassicae*由来の細胞、*Estigmene acrea*由来の細胞などが用いられる。ウイルスがBmNPVの場合、昆虫細胞としては、蚕由来株化細胞 (*Bombyx mori* N細胞; BmN細胞) などが用いられる。該Sf細胞としては、例えば、Sf9細胞 (ATCC CRL1711)、Sf21細胞 (以上、Vaughn, J.L. ら、イン・ヴィボ (In Vivo), 13, 213-217, (1977)) などが用いられる。

昆虫としては、例えば、カイコの幼虫などが用いられる [前田ら、ネイチャー (Nature), 315巻, 592 (1985)]。

動物細胞としては、例えば、サルCOS-7細胞、サルVer o細胞、チャイニーズハムスター細胞CHO (以下、CHO細胞と略記)、dhfr遺伝子欠損チャイニーズハムスター細胞CHO (以下、CHO (dhfr⁻) 細胞と略記)、マウスL細胞、マウスAtT-20細胞、マウスミエローマ細胞、ラットGH3細胞、ヒトFL細胞などが用いられる。

形質転換は、宿主の種類に応じ、公知の方法に従って実施することができる。エシェリヒア属菌は、例えば、プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 69巻, 2110 (1972) やジーン (Gene), 17巻, 107 (1982) などに記載の方法に従って形質転換することができる。

バチルス属菌は、例えば、モレキュラー・アンド・ジェネラル・ジェネティックス (Molecular & General Genetics), 168巻, 111 (1979) などに記載の方法に従って形質転換することができる。

酵母は、例えば、メソッズ・イン・エンザイモロジー (Methods in Enzymology), 194巻, 182-187 (1991)、プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシイズ・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 75巻, 1929 (1978) などに記載の方法に従って形質転換することができる。

昆虫細胞および昆虫は、例えば、バイオ／テクノロジー (Bio/Technology) , 6 巻, 47-55 (1988) などに記載の方法に従って形質転換することができる。

5 動物細胞は、例えば、細胞工学別冊8 新細胞工学実験プロトコル, 263-267 (1995) (秀潤社発行)、ヴィロロジー (Virology) , 52巻, 456 (1973) に記載の方法に従って形質転換することができる。

形質転換体の培養は、宿主の種類に応じ、公知の方法に従って実施することができる。

10 例えば、宿主がエシェリヒア属菌またはバチルス属菌である形質転換体を培養する場合、培養に使用される培地としては液体培地が好ましい。また、培地は、形質転換体の生育に必要な炭素源、窒素源、無機物などを含有することが好ましい。ここで、炭素源としては、例えば、グルコース、デキストリン、可溶性澱粉、ショ糖などが；窒素源としては、例えば、アンモニウム塩類、硝酸塩類、コーン
15 スチープ・リカー、ペプトン、カゼイン、肉エキス、大豆粕、バレイショ抽出液などの無機または有機物質が；無機物としては、例えば、塩化カルシウム、リン酸二水素ナトリウム、塩化マグネシウムなどがそれぞれ挙げられる。また、培地には、酵母エキス、ビタミン類、生長促進因子などを添加してもよい。培地の pH は、好ましくは約5～約8である。

20 宿主がエシェリヒア属菌である形質転換体を培養する場合の培地としては、例えば、グルコース、カザミノ酸を含むM9培地〔ミラー (Miller) , ジャーナル・オブ・エクスペリメンツ・イン・モレキュラー・ジェネティックス (Journal of Experiments in Molecular Genetics) , 431-433, Cold Spring Harbor Laboratory, New York 1972〕が好ましい。必要により、プロモーターを効率よく働かせるために、例えば、3β-インドリルアクリル酸の
25 ような薬剤を培地に添加してもよい。

宿主がエシェリヒア属菌である形質転換体の培養は、通常約15～約43℃で、

約3～約24時間行なわれる。必要により、通気や攪拌を行ってもよい。

宿主がバチルス属菌である形質転換体の培養は、通常約30～約40℃で、約6～約24時間行なわれる。必要により、通気や攪拌を行ってもよい。

5 宿主が酵母である形質転換体を培養する場合の培地としては、例えば、バーク
ホルダー (Burkholder) 最小培地 [Bostian, K.L. ら, プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシズ・オブ・ザ・ユーエス
エー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 77巻, 4505 (1980)] や0.
5%カザミノ酸を含有するSD培地 [Bitter, G.A. ら, プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシズ・オブ・ザ・ユーエス
10 エー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 81巻, 5330 (1984)] などが
挙げられる。培地のpHは、好ましくは約5～約8である。培養は、通常約20℃～約35℃で、約24～約72時間行なわれる。必要に応じて、通気や攪拌を行ってもよい。

15 宿主が昆虫細胞または昆虫である形質転換体を培養する場合の培地としては、
例えばGrace's Insect Medium [Grace, T.C.C., ネイチャー (Nature), 195
巻, 788 (1962)] に非働化した10%ウシ血清等の添加物を適宜加えた
ものなどが用いられる。培地のpHは、好ましくは約6.2～約6.4である。
培養は、通常約27℃で、約3～約5日間行なわれる。必要に応じて通気や攪拌を行ってもよい。

20 宿主が動物細胞である形質転換体を培養する場合の培地としては、例えば、約
5～約20%の胎児ウシ血清を含む最小必須培地 (MEM) [サイエンス
(Science), 122巻, 501 (1952)], ダルベッコ改変イーグル培地
(DMEM) [ヴィロロジー (Virology), 8巻, 396 (1959)], RP
MI 1640培地 [ジャーナル・オブ・ザ・アメリカン・メディカル・アソシ
25 エーション (The Journal of the American Medical Association), 199巻,
519 (1967)], 199培地 [プロシーディング・オブ・ザ・ソサイエテ

イ・フォー・ザ・バイオロジカル・メディスン (Proceeding of the Society for the Biological Medicine), 73巻, 1 (1950)] などが用いられる。培地のpHは、好ましくは約6～約8である。培養は、通常約30℃～約40℃で、約15～約60時間行なわれる。必要に応じて通気や攪拌を行ってもよい。

- 5 以上のようにして、形質転換体の細胞内または細胞外にSS169類を製造せしめることができる。

前記形質転換体を培養して得られる培養物からSS169類を自体公知の方法に従って分離精製することができる。

- 10 例えば、SS169類を培養菌体あるいは細胞の細胞質から抽出する場合、培養物から公知の方法で集めた菌体あるいは細胞を適当な緩衝液に懸濁し、超音波、リゾチームおよび/または凍結融解などによって菌体あるいは細胞を破壊した後、遠心分離やろ過により可溶性蛋白質の粗抽出液を得る方法などが適宜用いられる。該緩衝液は、尿素や塩酸グアニジンなどの蛋白質変性剤や、トリトンX-100TMなどの界面活性剤を含んでいてもよい。一方、膜面分からSS169類を抽出する
- 15 場合は、上記と同様に菌体あるいは細胞を破壊した後、低速遠心で細胞デブリスを沈澱除去し、上清を高速遠心して細胞膜含有画分を沈澱させる（必要に応じて密度勾配遠心などにより細胞膜画分を精製する）などの方法が用いられる。また、SS169類が菌体（細胞）外に分泌される場合には、培養物から遠心分離またはろ過等により培養上清を分取するなどの方法が用いられる。

- 20 このようにして得られた可溶性画分、膜画分あるいは培養上清中に含まれるSS169類の単離精製は、自体公知の方法に従って行うことができる。このような方法としては、塩析や溶媒沈澱法などの溶解度を利用する方法；透析法、限外ろ過法、ゲルろ過法、およびSDS-ポリアクリルアミドゲル電気泳動法などの主として分子量の差を利用する方法；イオン交換クロマトグラフィーなどの荷電の
- 25 差を利用する方法；アフィニティークロマトグラフィーなどの特異的親和性を利用する方法；逆相高速液体クロマトグラフィーなどの疎水性の差を利用する方

法；等電点電気泳動法などの等電点の差を利用する方法；などが用いられる。これらの方法は、適宜組み合わせることもできる。

かくして得られる蛋白質またはペプチドが遊離体である場合には、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法によって、該遊離体を塩に変換することができ、
5 蛋白質またはペプチドが塩として得られた場合には、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法により、該塩を遊離体または他の塩に変換することができる。

なお、形質転換体が産生するSS169類を、精製前または精製後に適当な蛋白修飾酵素を作用させることにより、任意に修飾を加えたり、ポリペプチドを部分的に除去することもできる。該蛋白修飾酵素としては、例えば、トリプシン、キモ
10 トリプシン、アルギニルエンドペプチダーゼ、プロテインキナーゼ、グリコシダーゼなどが用いられる。

かくして得られるSS169類の存在は、特異抗体を用いたエンザイムイムノアッセイやウエスタンブロッティングなどにより確認することができる。

さらに、SS169類は、上記のSS169またはその部分ペプチドをコードするDNA
15 に対応するRNAを鋳型として、ウサギ網状赤血球ライセート、コムギ胚芽ライセート、大腸菌ライセートなどからなる無細胞蛋白質翻訳系を用いてインビトロ合成することができる。あるいは、さらにRNAポリメラーゼを含む無細胞転写／翻訳系を用いて、SS169またはその部分ペプチドをコードするDNAを鋳型としても合成することができる。

20 SS169蛋白質またはその初期翻訳産物、即ち配列番号2または4で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチド、をコードする塩基配列またはその一部、あるいは該塩基配列と相補的な塩基配列またはその一部を含有する核酸とは、前述のSS169またはその部分ペプチドをコードする核酸だけではなく、フレームの合わない塩基配列をも含む意味で用い
25 られる。

目的核酸の標的領域と相補的な塩基配列を含む核酸、即ち、目的核酸とハイブ

リダイズすることができる核酸は、該目的核酸に対して「アンチセンス」である
ということができる。一方、目的核酸の標的領域と相同性を有する塩基配列を含
む核酸は、該目的核酸に対して「センス」であるということができる。ここで
「相同性を有する」または「相補的である」とは、塩基配列間で約70%以上、
5 好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、最も好ましくは約9
5%以上の同一性または相補性を有することをいう。

SS169蛋白質またはその初期翻訳産物をコードする塩基配列と相補的な塩基配
列またはその一部を含有する核酸（以下、「本発明のアンチセンス核酸」ともい
う）は、クローン化した、あるいは決定されたSS169をコードする核酸の塩基配
10 列情報に基づき設計し、合成しうる。そうした核酸は、SS169遺伝子の複製また
は発現を阻害することができる。即ち、本発明のアンチセンス核酸は、SS169遺
伝子から転写されるRNAとハイブリダイズすることができ、mRNAの合成
（プロセッシング）または機能（蛋白質への翻訳）を阻害することができる。

本発明のアンチセンス核酸の標的領域は、アンチセンス核酸がハイブリダイズ
15 することにより、結果としてSS169蛋白質の翻訳が阻害されるものであればその
長さに特に制限はなく、SS169 mRNAの全配列であっても部分配列であっても
よく、短いもので約15塩基程度、長いものでmRNAまたは初期転写産物の全
配列が挙げられる。合成の容易さや抗原性の問題を考慮すれば、約15～約30
塩基からなるオリゴヌクレオチドが好ましいがそれに限定されない。具体的には、
20 例えば、SS169前駆ポリペプチドをコードする核酸の5'端ヘアピンループ、
5'端6-ベースペア・リピート、5'端非翻訳領域、ポリペプチド翻訳開始コ
ドン、蛋白質コード領域、ORF翻訳開始コドン、3'端非翻訳領域、3'端パ
リンドローム領域、および3'端ヘアピンループが標的領域として選択しうるが、
SS169遺伝子内の如何なる領域も標的として選択しうる。例えば、該遺伝子のイ
25 ントロン部分を標的領域とすることもまた好ましい。

さらに、本発明のアンチセンス核酸は、SS169 mRNAもしくは初期転写産物

とハイブリダイズして蛋白質への翻訳を阻害するだけでなく、二本鎖DNAであるSS169遺伝子と結合して三重鎖（トリプレックス）を形成し、RNAの転写を阻害し得るものであってもよい。

アンチセンス核酸は、2-デオキシ-D-リボースを含有しているデオキシリ
5 ボヌクレオチド、D-リボースを含有しているリボヌクレオチド、プリンまたは
ピリミジン塩基のN-グリコシドであるその他のタイプのヌクレオチド、あるいは
非ヌクレオチド骨格を有するその他のポリマー（例えば、市販の蛋白質核酸お
よび合成配列特異的な核酸ポリマー）または特殊な結合を含有するその他のポリ
10 マー（但し、該ポリマーはDNAやRNA中に見出されるような塩基のペアリン
グや塩基の付着を許容する配置をもつヌクレオチドを含有する）などが挙げられ
る。それらは、2本鎖DNA、1本鎖DNA、2本鎖RNA、1本鎖RNA、さら
にDNA:RNAハイブリッドであることができ、さらに非修飾ポリヌクレオ
チド（または非修飾オリゴヌクレオチド）、さらには公知の修飾の付加されたも
15 の、例えば当該分野で知られた標識のあるもの、キャップの付いたもの、メチル
化されたもの、1個以上の天然のヌクレオチドを類縁物で置換したもの、分子内
ヌクレオチド修飾のされたもの、例えば非荷電結合（例えば、メチルホスホネー
ト、ホスホトリエステル、ホスホルアミデート、カルバメートなど）を持つもの、
電荷を有する結合または硫黄含有結合（例えば、ホスホロチオエート、ホスホロ
20 ジチオエートなど）を持つもの、例えば蛋白質（ヌクレアーゼ、ヌクレアーゼ・
インヒビター、トキシン、抗体、シグナルペプチド、ポリ-L-リジンなど）や
糖（例えば、モノサッカライドなど）などの側鎖基を有しているもの、インター
カレント化合物（例えば、アクリジン、プソラレンなど）を持つもの、キレート
化合物（例えば、金属、放射活性をもつ金属、ホウ素、酸化性の金属など）を
25 含有するもの、アルキル化剤を含有するもの、修飾された結合を持つもの（例えば、
 α アノマー型の核酸など）であつてもよい。ここで「ヌクレオシド」、「ヌクレ
オチド」および「核酸」とは、プリンおよびピリミジン塩基を含有するのみでな

く、修飾されたその他の複素環型塩基をもつようなものを含んでいて良い。こうした修飾物は、メチル化されたプリンおよびピリミジン、アシル化されたプリンおよびピリミジン、あるいはその他の複素環を含むものであってよい。修飾されたヌクレオチドおよび修飾されたヌクレオチドはまた糖部分が修飾されていてよく、例えば、1個以上の水酸基がハロゲンとか、脂肪族基などで置換されていたり、あるいはエーテル、アミンなどの官能基に変換されていてよい。

アンチセンス核酸は、RNA、DNA、あるいは修飾された核酸（RNA、DNA）である。修飾された核酸の具体例としては核酸の硫黄誘導体やチオホスフェート誘導体、そしてポリヌクレオシドアミドやオリゴヌクレオシドアミドの分解に抵抗性のものが挙げられるが、それに限定されるものではない。本発明のアンチセンス核酸は次のような方針で好ましく設計されうる。すなわち、細胞内でのアンチセンス核酸をより安定なものにする、アンチセンス核酸の細胞透過性をより高める、目標とするセンス鎖に対する親和性をより大きなものにする、そしてもし毒性があるならアンチセンス核酸の毒性をより小さなものにする。こうした修飾は当該分野で数多く知られており、例えば J. Kawakami et al., Pharm Tech Japan, Vol. 8, pp.247, 1992; Vol. 8, pp.395, 1992; S. T. Crooke et al. ed., Antisense Research and Applications, CRC Press, 1993 などに開示がある。

アンチセンス核酸は、変化せしめられたり、修飾された糖、塩基、結合を含有していて良く、リポゾーム、ミクロスフェアのような特殊な形態で供与されたり、遺伝子治療により適用されたり、付加された形態で与えられることができる。こうして付加形態で用いられるものとしては、リン酸基骨格の電荷を中和するように働くポリリジンのようなポリカチオン体、細胞膜との相互作用を高めたり、核酸の取込みを増大せしめるような脂質（例えば、ホスホリピド、コレステロールなど）といった疎水性のものが挙げられる。付加するに好ましい脂質としては、コレステロールやその誘導体（例えば、コレステリルクロロホルメート、コール

酸など)が挙げられる。こうしたものは、核酸の3'端あるいは5'端に付着させることができ、塩基、糖、分子内ヌクレオシド結合を介して付着させることができる。その他の基としては、核酸の3'端あるいは5'端に特異的に配置されたキャップ用の基で、エキソヌクレアーゼ、RNAseなどのヌクレアーゼによる分解を阻止するためのものが挙げられる。こうしたキャップ用の基としては、
5 ポリエチレングリコール、テトラエチレングリコールなどのグリコールをはじめとした当該分野で知られた水酸基の保護基が挙げられるが、それに限定されるものではない。

SS169 mRNAもしくは初期転写産物を、コード領域の内部(初期転写産物の場合はイントロン部分を含む)で特異的に切断し得るリボザイムもまた、本発明のアンチセンス核酸に包含され得る。「リボザイム」とは核酸を切断する酵素活性を有するRNAをいうが、最近では当該酵素活性部位の塩基配列を有するオリゴDNAも同様に核酸切断活性を有することが明らかになっているので、本明細書では配列特異的な核酸切断活性を有する限りDNAをも包含する概念として用いるものとする。リボザイムとして最も汎用性の高いものとしては、ウイロイドやウイルソイド等の感染性RNAに見られるセルフスプライシングRNAがあり、ハンマーヘッド型やヘアピン型等が知られている。ハンマーヘッド型は約40塩基程度で酵素活性を発揮し、ハンマーヘッド構造をとる部分に隣接する両端の数塩基ずつ(合わせて約10塩基程度)をmRNAの所望の切断部位と相補的な配列にすることにより、標的mRNAのみを特異的に切断することが可能である。
10 このタイプのリボザイムは、RNAのみを基質とするので、ゲノムDNAを攻撃することがないというさらなる利点を有する。SS169 mRNAが自身で二本鎖構造をとる場合には、RNAヘリカーゼと特異的に結合し得るウイルス核酸由来のRNAモチーフを連結したハイブリッドリボザイムを用いることにより、標的配列を一本鎖にすることができる [Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 98(10): 5572-
15 5577 (2001)]。さらに、リボザイムを、それをコードするDNAを含む発現ベ

クターの形態で使用する場合には、転写産物の細胞質への移行を促進するために、tRNAを改変した配列をさらに連結したハイブリッドリボザイムとすることもできる [Nucleic Acids Res., 29(13): 2780-2788 (2001)]。

5 SS169 mRNAもしくは初期転写産物のコード領域内の部分配列（初期転写産物の場合はイントロン部分を含む）に相補的な二本鎖オリゴRNA（siRNA）もまた、本発明のアンチセンス核酸に包含され得る。短い二本鎖RNAを細胞内に導入するとそのRNAに相補的なmRNAが分解される、いわゆるRNA干渉（RNAi）と呼ばれる現象は、以前から線虫、昆虫、植物等で知られていたが、最近、この現象が哺乳動物細胞でも起こることが確認されたことから
10 [Nature, 411(6836): 494-498 (2001)]、リボザイムの代替技術として注目されている。

本発明のアンチセンスオリゴヌクレオチド及びリボザイムは、SS169 cDNA配列もしくはゲノミックDNA配列情報に基づいてmRNAもしくは初期転写産物の標的領域を決定し、市販のDNA/RNA自動合成機（アプライド・バイオシステムズ社、ベックマン社等）を用いて、これに相補的な配列を合成することにより調製することができる。RNAi活性を有するsiRNAは、センス鎖及びアンチセンス鎖をDNA/RNA自動合成機でそれぞれ合成し、適当なアニーリング緩衝液中で、例えば、約90～約95℃で約1分程度変性させた後、約30～約70℃で約1～約8時間アニーリングさせることにより調製することができる。
15 また、相補的なオリゴヌクレオチド鎖を交互にオーバーラップするように合成して、これらをアニーリングさせた後リガーゼでライゲーションすることにより、より長い二本鎖ポリヌクレオチドを調製することもできる。

20 本発明のアンチセンス核酸の遺伝子発現阻害活性は、SS169をコードする核酸を含有する形質転換体、生体内や生体外のSS169遺伝子発現系またはSS169蛋白質の生体内や生体外の翻訳系を用いて調べることができる。該核酸それ自体公知の各種の方法で細胞に適用できる。

本発明はまた、SS169もしくはその部分ペプチドまたはその塩に対する抗体を提供する。該抗体は、SS169類に対して特異的親和性を有するものであれば、モノクローナル抗体であってもポリクローナル抗体であってもよい。SS169類に対する抗体は、SS169類を抗原として用い、自体公知の抗体または抗血清の製造法に従って製造することができる。

[モノクローナル抗体の作製]

(a) モノクローナル抗体産生細胞の作製

SS169類は、哺乳動物に対して投与により抗体産生が可能な部位にそれ自体あるいは担体、希釈剤とともに投与される。投与に際して抗体産生能を高めるため、完全フロイントアジュバントや不完全フロイントアジュバントを投与してもよい。投与は通常2～6週毎に1回ずつ、計2～10回程度行なわれる。用いられる哺乳動物としては、例えば、サル、ウサギ、イヌ、モルモット、マウス、ラット、ヒツジ、ヤギが挙げられるが、マウスおよびラットが好ましく用いられる。

モノクローナル抗体産生細胞の作製に際しては、抗原を免疫された哺乳動物、例えば、マウスから抗体価の認められた個体を選択し最終免疫の2～5日後に脾臓またはリンパ節を採取し、それらに含まれる抗体産生細胞を骨髓腫細胞と融合させることにより、モノクローナル抗体産生ハイブリドーマを調製することができる。抗血清中の抗体価の測定は、例えば、後記の標識化SS169類と抗血清とを反応させた後、抗体に結合した標識剤の活性を測定することにより行なうことができる。融合操作は既知の方法、例えば、ケーラーとミルスタインの方法〔ネイチャー (Nature)、256巻、495頁 (1975年)〕に従い実施することができる。融合促進剤としては、例えば、ポリエチレングリコール (PEG) やセンダイウィルスなどが挙げられるが、好ましくはPEGが用いられる。

骨髓腫細胞としては、例えば、NS-1、P3U1、SP2/0などが挙げられるが、P3U1が好ましく用いられる。用いられる抗体産生細胞 (脾臓細胞) 数と骨髓腫細胞数との好ましい比率は1:1～20:1程度であり、PEG (好

ましくは、PEG 1000～PEG 6000) が10～80%程度の濃度で添加され、約20～40℃、好ましくは約30～37℃で約1～10分間インキュベートすることにより効率よく細胞融合を実施できる。

5 モノクローナル抗体産生ハイブリドーマのスクリーニングには種々の方法が使用できるが、例えば、蛋白質等の抗原を直接あるいは担体とともに吸着させた固相（例、マイクロプレート）にハイブリドーマ培養上清を添加し、次に放射性物質や酵素などで標識した抗免疫グロブリン抗体（細胞融合に用いられる細胞がマウスの場合、抗マウス免疫グロブリン抗体が用いられる）またはプロテインAを加え、固相に結合したモノクローナル抗体を検出する方法、抗免疫グロブリン抗体
10 体またはプロテインAを吸着させた固相にハイブリドーマ培養上清を添加し、放射性物質や酵素などで標識した蛋白質等を加え、固相に結合したモノクローナル抗体を検出する方法などが挙げられる。

モノクローナル抗体の選別は、自体公知あるいはそれに準じる方法に従って行なうことができるが、通常はHAT（ヒポキサンチン、アミノプテリン、チミジン）
15 を添加した動物細胞用培地などで行なうことができる。選別および育種用培地としては、ハイブリドーマが生育できるものならばどのような培地を用いても良い。例えば、1～20%、好ましくは10～20%の牛胎児血清を含むRPMI 1640培地、1～10%の牛胎児血清を含むGIT培地（和光純薬工業（株））またはハイブリドーマ培養用無血清培地（SFM-101、日水製薬（株））
20 などを用いることができる。培養温度は、通常20～40℃、好ましくは約37℃である。培養時間は、通常5日～3週間、好ましくは1週間～2週間である。培養は、通常5%炭酸ガス下で行なうことができる。ハイブリドーマ培養上清の抗体価は、上記の抗血清中の抗体価の測定と同様にして測定できる。

(b) モノクローナル抗体の精製

25 モノクローナル抗体の分離精製は、通常のポリクローナル抗体の分離精製と同様に免疫グロブリンの分離精製法〔例、塩析法、アルコール沈殿法、等電点沈殿

法、電気泳動法、イオン交換体（例、DEAE）による吸脱着法、超遠心法、ゲルろ過法、抗原結合固相またはプロテインAあるいはプロテインGなどの活性吸着剤により抗体のみを採取し、結合を解離させて抗体を得る特異的精製法]に従って行なうことができる。

5 〔ポリクローナル抗体の作製〕

本発明のポリクローナル抗体は、それ自体公知あるいはそれに準じる方法にしたがって製造することができる。例えば、免疫抗原（蛋白質等の抗原）とキャリアー蛋白質との複合体を作り、上記のモノクローナル抗体の製造法と同様に哺乳動物に免疫を行ない、該免疫動物からSS169類に対する抗体含有物を採取して、
10 抗体の分離精製を行なうことにより製造できる。

哺乳動物を免疫するために用いられる免疫抗原とキャリアー蛋白質との複合体に関し、キャリアー蛋白質の種類およびキャリアーとハプテンとの混合比は、キャリアーに架橋させて免疫したハプテンに対して抗体が効率良くできれば、どのようなものをどのような比率で架橋させてもよいが、例えば、ウシ血清アルブミン、
15 ウシサイログロブリン、キーホール・リンペット・ヘモシアニン等を重量比でハプテン1に対し、約0.1～20、好ましくは約1～5の割合でカプルさせる方法が用いられる。

また、ハプテンとキャリアーのカプリングには、種々の縮合剤を用いることができるが、グルタルアルデヒドやカルボジイミド、マレイミド活性エステル、チオール基、ジチオビリジル基を含有する活性エステル試薬等が用いられる。
20

縮合生成物は、哺乳動物に対して、抗体産生が可能な部位にそれ自体あるいは担体、希釈剤とともに投与される。投与に際して抗体産生能を高めるため、完全フロイントアジュバントや不完全フロイントアジュバントを投与してもよい。投与は、通常約2～6週毎に1回ずつ、計約3～10回程度行なうことができる。

25 ポリクローナル抗体は、上記の方法で免疫された哺乳動物の血液、腹水など、好ましくは血液から採取することができる。

抗血清中のポリクローナル抗体価の測定は、上記の血清中の抗体価の測定と同様にして測定できる。ポリクローナル抗体の分離精製は、上記のモノクローナル抗体の分離精製と同様の免疫グロブリンの分離精製法に従って行なうことができる。

- 5 SS169もしくはその部分ペプチドまたはその塩、SS169またはその部分ペプチドをコードする核酸（アンチセンス核酸を含む）、およびSS169またはその部分ペプチドに対する抗体は、（１）SS169に対して特異的親和性を有する化合物（リガンドまたはレセプター）またはその塩の決定、（２）SS169の機能不全に関連する疾患の予防・治療剤、（３）SS169の過剰発現に関連する疾患の予防・治療
- 10 剤、（４）遺伝子診断剤、（５）SS169の発現量を変化させる化合物のスクリーニング方法、（６）SS169の発現量を変化させる化合物を含有する各種疾患の予防・治療剤、（７）SS169に対して特異的親和性を有する化合物の定量法、（８）SS169とSS169に対して特異的親和性を有する化合物との結合性を変化させる化合物（アゴニスト、アンタゴニストなど）のスクリーニング方法、（９）
- 15 SS169とSS169に対して特異的親和性を有する化合物との結合性を変化させる化合物（アゴニスト、アンタゴニスト）を含有する各種疾患の予防・治療剤、（１０）SS169もしくはその部分ペプチドまたはその塩の定量、（１１）細胞膜または細胞外液におけるSS169の量を変化させる化合物のスクリーニング方法、（１２）細胞膜または細胞外液におけるSS169の量を変化させる化合物を含有する各種疾患の予防・治療剤、（１３）SS169をコードするDNAを有する非ヒトトランスジェニック動物の作製、（１４）SS169をコードする遺伝子が不活性化された非ヒトノックアウト動物の作製などに用いることができる。
- 20

特に、本発明の組換えSS169またはその部分ペプチドの発現系を用いたアフィニティーアッセイ系を用いることによって、SS169とそのレセプター（もしくはリガンド）の結合性を変化させる化合物（例、アゴニスト、アンタゴニストなど）をスクリーニングすることができ、該アゴニストまたはアンタゴニストを各

25

種疾患の予防・治療剤などとして使用することができる。

SS169類、SS169またはその部分ペプチドをコードするDNA（以下、「本発明のDNA」と略記する場合がある）、本発明のアンチセンス核酸およびSS169類に対する抗体（以下、「本発明の抗体」と略記する場合がある）の用途について、
5 以下に具体的に説明する。

（1）SS169に対して特異的親和性を有する化合物の決定

SS169もしくはその部分ペプチドまたはその塩は、SS169またはその塩に対して特異的親和性を有する化合物（レセプターもしくはリガンド）を探索し、または決定するための試薬として有用である。

10 すなわち、本発明は、SS169類と試験化合物とを接触させることを特徴とするSS169またはその塩に対して特異的親和性を有する化合物の決定方法を提供する。

試験化合物としては、公知のリガンド（例えば、アンギオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、P
15 ACAP、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP（バソアクティブ インテステイナル アンド リレイテッド ポリペプチド）、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP（カルシトニンジーンリレーティッドペプチド）、ロイコトリエン、パンクレアスタチン、
20 プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、 α および β ケモカイン（chemokine）（例えば、IL-8、GRO α 、GRO β 、GRO γ 、NAP-2、ENA-78、PF4、IP10、GCP-2、MCP-1、HC14、MCP-3、I-309、MIP1 α 、MIP-1 β 、RANTES
25 など）、エンドセリン、エンテログストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポリペプチドまたはガラニンなど）、上記リガンドに対する公知のレセプター、ゲノム解析の結果同定されたオーファンレセプタ

一などの他に、例えば、哺乳動物（例えば、ヒト、マウス、ラット、ブタ、ウシ、ヒツジ、サルなど）の組織抽出物、無傷細胞、細胞膜画分、細胞培養上清などが用いられる。例えば、組織抽出物、細胞培養上清などをSS169類を発現する細胞に添加し、細胞刺激活性などを指標にしながら分画し、最終的に単一のリガンドを得ることができる。あるいは、無傷細胞、細胞膜画分などにSS169類を添加し、細胞刺激活性や結合活性などを指標にしながら分画し、最終的に単一のレセプターを得ることができる。

具体的には、SS169またはその塩に対して特異的親和性を有する化合物の決定方法は、SS169類を用いるか、または組換えSS169もしくはその部分ペプチドの発現系を構築し、該発現系を用いたアフィニティーアッセイ系を用いることによって、SS169に結合して細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性）を有する化合物（例えば、ペプチド、蛋白質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物など）またはその塩を決定する方法である。

SS169またはその塩に対して特異的親和性を有する化合物の決定方法においては、SS169類と試験化合物とを接触させた場合の、SS169類に対する試験化合物の結合量や細胞刺激活性などを測定することを特徴とする。

より具体的には、本発明は、

(1) 標識した試験化合物をSS169類に接触させた場合における、標識した試験化合物のSS169類に対する結合量を測定することを特徴とする、SS169またはその塩に対して特異的親和性を有する化合物の決定方法、

(2) 標識した試験化合物を、SS169を産生する細胞またはその細胞膜画分、あるいは細胞外液または細胞培養上清（この場合、例えば、上記の本発明の抗体を固定化した固相（細胞培養プレート等）を用いてSS169を固相化する）に接触させた

場合における、標識した試験化合物の該細胞、該膜画分、該細胞外液または該細胞培養上清に対する結合量を測定することを特徴とする、SS169またはその塩に対して特異的親和性を有する化合物の決定方法、

(3) 標識した試験化合物を、SS169またはその部分ペプチドをコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現した、または培養上清に分泌されたSS169類（この場合、例えば、上記の本発明の抗体を固定化した固相（細胞培養プレート等）を用いてSS169類を固相化する）に接触させた場合における、標識した試験化合物のSS169類に対する結合量を測定することを特徴とする、SS169またはその塩に対して特異的親和性を有する化合物の決定方法、

(4) 試験化合物（または試験化合物である膜蛋白質等を細胞膜上に含有する細胞）を、SS169を産生する細胞（またはSS169を分泌する細胞の培養上清）に接触させた場合における、SS169（または試験化合物である膜蛋白質等）を介した細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を測定することを特徴とするSS169またはその塩に対するリガンド（またはレセプター）の決定方法、および

(5) 試験化合物（または試験化合物である膜蛋白質等を細胞膜上に含有する細胞）を、SS169またはその部分ペプチドをコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したSS169類（SS169またはその部分ペプチドをコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによって培養上清中に分泌されたSS169類）に接触させた場合における、SS169類（または試験化合物である膜蛋白質等）を介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を

測定することを特徴とするSS169またはその塩に対するリガンド（またはレセプター）の決定方法を提供する。

特に、上記(1)～(3)の試験を行ない、試験化合物がSS169に結合することを確認した後に、上記(4)～(5)の試験を行なうことが好ましい。

- 5 まず、リガンド（またはレセプター）決定方法に用いるSS169類としては、上記したSS169もしくはその部分ペプチドまたはその塩であれば何れのものであってもよいが、動物細胞を用いて大量発現させた組換えSS169などが適している。

- 10 組換えSS169を製造するには、前述の発現方法が用いられるが、SS169をコードするDNAを哺乳動物細胞や昆虫細胞で発現させることにより行なうことが好ましい。目的とする蛋白質部分をコードするDNA断片には、通常、cDNAが用いられるが、必ずしもこれに制約されるものではない。例えば、遺伝子断片や合成DNAを用いてもよい。SS169をコードするDNA断片を宿主動物（または昆虫）細胞に導入し、それらを効率よく発現させるためには、該DNA断片を、S
15 V40由来のプロモーター、レトロウイルスのプロモーター、メタロチオネインプロモーター、ヒトヒートショックプロモーター、サイトメガロウイルスプロモーター、SR α プロモーター、昆虫を宿主とするバキュロウイルスに属する核多角体病ウイルス（nuclear polyhedrosis virus ; NPV）のポリヘドリンプロモーターなどの下流に組み込むのが好ましい。

- 20 本発明のリガンド（またはレセプター）決定方法において、SS169類は、それ自体公知の方法に従って精製したSS169類であってもよいし、SS169類を産生する細胞またはその細胞膜面分、あるいはSS169類を分泌する細胞の培養上清として用いてもよい。

- 25 本発明のリガンド決定方法において、SS169類を産生する細胞を用いる場合、該細胞をグルタルアルデヒド、ホルマリンなどで固定化してもよい。固定化方法はそれ自体公知の方法に従って行なうことができる。

SS169類を産生する細胞とは、SS169類を発現した宿主細胞をいうが、該宿主細胞

胞としては、大腸菌、枯草菌、酵母、昆虫細胞、動物細胞などが用いられる。

前記細胞膜画分としては、細胞を破碎した後、それ自体公知の方法で得られる細胞膜が多く含まれる画分のことをいう。細胞の破碎方法としては、Potter-Elvehjem型ホモジナイザーで細胞を押し潰す方法、ワーリングブレンダーやポリ
5 トロン (Kinematica社製) による破碎、超音波による破碎、フレンチプレスなどで加圧しながら細胞を細いノズルから噴出させることによる破碎などが挙げられる。細胞膜の分画には、分画遠心分離法や密度勾配遠心分離法などの遠心力による分画法が主として用いられる。例えば、細胞破碎液を低速 (500 rpm ~ 3000 rpm) で短時間 (通常、約1 ~ 10分) 遠心し、上清をさらに高速 (1
10 5000 rpm ~ 30000 rpm) で通常30分 ~ 2時間遠心し、得られる沈澱を膜画分とする。該膜画分中には、発現したSS169類と細胞由来のリン脂質や膜蛋白質などの膜成分が多く含まれる。

SS169類を産生する細胞やその膜画分中のSS169類の量は、1細胞当たり 10^3 ~ 10^8 分子であるのが好ましく、 10^5 ~ 10^7 分子であるのがより好適である。なお、発現量が多いほど膜画分当たりのリガンド結合活性 (比活性) が高くなり、高感度なスクリーニング系の構築が可能になるばかりでなく、同一ロットで大量の試料を測定できるようになる。

SS169またはその塩に対するリガンドを決定する上記の(1) ~ (3)の方法を実施するためには、適当なSS169類含有膜画分と標識した試験化合物が必要である。

20 SS169類含有膜画分としては、天然型のSS169含有膜画分か、またはそれと同等の活性を有する組換えSS169類含有膜画分などが望ましい。ここで、同等の活性とは、同等のリガンド結合活性、シグナル情報伝達作用などを示す。

標識した試験化合物としては、 $[^3\text{H}]$ 、 $[^{125}\text{I}]$ 、 $[^{14}\text{C}]$ 、 $[^{35}\text{S}]$ などで標識したアンギオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コレシスト
25 キニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP、セクレチン、グルカ

ゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP（バソアクティブ インテスティナル アン
ド リイテッド ポリペプチド）、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、ア
ミリン、ブラジキニン、CGRP（カルシトニンジーンリレーティッドペプチ
ド）、ロイコトリエン、パングレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキ
5 サン、アデノシン、アドレナリン、 α および β -ケモカイン（chemokine）（例
えば、IL-8、GRO α 、GRO β 、GRO γ 、NAP-2、ENA-78、
PF4、IP10、GCP-2、MCP-1、HC14、MCP-3、I-30
9、MIP1 α 、MIP-1 β 、RANTESなど）、エンドセリン、エンテロ
10 ガストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パングレアティックポリ
ペプチドまたはガラニンなどが好適である。

具体的には、SS169またはその塩に対するリガンドの決定方法を行なうには、
まずSS169を産生する細胞またはその膜面分を、決定方法に適したバッファーに
懸濁することによりSS169類標品を調製する。バッファーには、pH4~10
15 （望ましくはpH6~8）のリン酸バッファー、トリス-塩酸バッファーなどの
SS169とそのリガンドとの結合を阻害しないバッファーであればいずれでもよい。
また、非特異的結合を低減させる目的で、CHAPS、Tween-80TM
（花王-アトラス社）、ジギトニン、デオキシコレートなどの界面活性剤やウシ
血清アルブミンやゼラチンなどの各種蛋白質をバッファーに加えることもできる。
20 さらに、プロテアーゼによるレセプターやリガンドの分解を抑える目的でPMS
F、ロイペプチン、E-64（ペプチド研究所製）、ペプスタチンなどのプロテ
アーゼ阻害剤を添加することもできる。0.01ml~10ml SS169類懸濁液に、
一定量（5000cpm~500000cpm）の $[^3\text{H}]$ 、 $[^{125}\text{I}]$ 、
25 $[^{14}\text{C}]$ 、 $[^{35}\text{S}]$ などで標識した試験化合物を共存させる。非特異的結合
量（NSB）を知るために大過剰の未標識の試験化合物を加えた反応チューブも
用意する。反応は約0~50℃、望ましくは約4~37℃で、約20分~24時

間、望ましくは約30分～3時間行なう。反応後、ガラス繊維濾紙等で濾過し、適量の同バッファーで洗浄した後、ガラス繊維濾紙に残存する放射活性を液体シンチレーションカウンターあるいはγ-カウンターで計測する。全結合量(B)から非特異的結合量(NSB)を引いたカウント(B-NSB)が0 cpmを越える試験化合物をSS169またはその塩に対するリガンド(アゴニスト)として選択することができる。

SS169またはその塩に対するリガンドを決定する上記の(4)～(5)の方法を実施するためには、SS169を介する細胞刺激活性(例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など)を公知の方法または市販の測定用キットを用いて測定することができる。具体的には、まず、SS169類を産生する細胞をマルチウェルプレート等に培養する。リガンド決定を行なうにあたっては前もって新鮮な培地あるいは細胞に毒性を示さない適当なバッファーに交換し、試験化合物などを添加して一定時間インキュベートした後、細胞を抽出あるいは上清を回収して、生成した産物をそれぞれの方法に従って定量する。細胞刺激活性の指標とする物質(例えば、アラキドン酸など)の生成が、細胞が含有する分解酵素によって検定困難な場合は、該分解酵素に対する阻害剤を添加してアッセイを行なってもよい。また、cAMP産生抑制などの活性については、フォルスコリンなどで細胞の基礎的産生量を増大させておいた細胞に対する産生抑制作用として検出することができる。

SS169に対して特異的親和性を有する化合物の決定方法について、SS169が膜蛋白質である場合を取り上げて具体的に説明したが、当業者は、上記の手法を応用して、SS169が分泌蛋白質の場合についても容易に特異的親和性を有する化合物の決定を実施することができるだろう。

SS169またはその塩に対して特異的親和性を有する化合物の決定用キットは、

SS169類、SS169を産生する細胞またはその膜画分、SS169を分泌する細胞の培養上清などを含有するものである。

本発明のリガンド（レセプター）決定用キットの例としては、次のものが挙げられる。

5 1. リガンド（レセプター）決定用試薬

(1) 測定用緩衝液および洗浄用緩衝液

Hanks' Balanced Salt Solution（ギブコ社製）に、0.05%のウシ血清アルブミン（シグマ社製）を加えたもの。

10 孔径0.45 μ mのフィルターで濾過滅菌し、4℃で保存するか、あるいは用時調製しても良い。

(2) SS169類標品

SS169類を発現させたCHO細胞を、12穴プレートに 5×10^5 個/穴で継代し、37℃、5%CO₂、95%airで2日間培養したもの（SS169が分泌蛋白質の場合、該プレートは抗SS169抗体でコーティングされている）。

15 (3) 標識試験化合物

市販の [³H]、[¹²⁵I]、[¹⁴C]、[³⁵S]などで標識した化合物、または適当な方法で標識化したもの。

20 水溶液の状態のものを4℃あるいは-20℃にて保存し、用時に測定用緩衝液にて1 μ Mに希釈する。水に難溶性を示す試験化合物については、ジメチルホルムアミド、DMSO、メタノール等に溶解する。

(4) 非標識試験化合物

標識化合物と同じものを100～1000倍濃い濃度に調製する。

2. 測定法

25 (1) 12穴組織培養用プレートにて培養したSS169類発現CHO細胞を、測定用緩衝液1mlで2回洗浄した後（SS169が分泌される場合は、細胞および培養上清を除去後プレートを測定用緩衝液で同様に洗浄した後）、490 μ lの測定用緩

衝液を各穴に加える。

(2) 標識試験化合物を $5 \mu\text{l}$ 加え、室温にて1時間反応させる。非特異的結合量を知るためには非標識試験化合物を $5 \mu\text{l}$ 加えておく。

(3) 反応液を除去し、 1 ml の洗浄用緩衝液で3回洗浄する。細胞（プレート）
5 に結合した標識試験化合物を $0.2 \text{ N NaOH} - 1\% \text{ SDS}$ で溶解し、 4 ml の液体シンチレーターA（和光純薬製）と混合する。

(4) 液体シンチレーションカウンター（ベックマン社製）を用いて放射活性を測定する。

SS169またはその塩に結合することができるリガンドとしては、例えば、脳、
10 下垂体、膵臓などに特異的に存在する物質などが挙げられ、具体的には、アンギオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP（バソアクティブ インテスティナル アンド リレイテッド ポリ
15 ペプチド）、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP（カルシトニンジーンリレーティッドペプチド）、ロイコトリエン、パankレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、 α および β -ケモカイン（chemokine）（例えば、IL-8、GRO α 、
20 GRO β 、GRO γ 、NAP-2、ENA-78、PF4、IP10、GCP-2、MCP-1、HC14、MCP-3、I-309、MIP1 α 、MIP-1 β 、RANTESなど）、エンドセリン、エンテログストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パankレアティックポリペプチド、ガラニンなどの公知のリガンド、上記したリガンドに対するレセプターや種々のオーファンレセ
25 プターなどが用いられる。

（2）SS169の機能不全に関連する疾患の予防・治療剤

上記（１）の方法において、SS169に対して特異的親和性を有する化合物が明らかになれば、該化合物が有する作用に応じて、（１）SS169類または（２）SS169またはその部分ペプチドをコードするDNAを、SS169の機能不全に関連する疾患の予防・治療剤などの医薬として使用することができる。

5 例えば、生体内においてSS169が減少しているためにリガンド（またはレセプター）の生理作用が期待できない（SS169の欠乏症）患者がいる場合に、（１）SS169類を該患者に投与してSS169の量を補充したり、（２）（イ）SS169またはその部分ペプチドをコードするDNAを該患者に投与して発現させることによって、あるいは（ロ）対象となる細胞にSS169またはその部分ペプチドをコードするDNAを導入し発現させた後に、該細胞を該患者に移植することなどによって、
10 患者の体内におけるSS169の量を増加させ、リガンド（またはレセプター）の作用を十分に発揮させることができる。即ち、SS169類またはそれをコードするDNAは、安全で低毒性な、SS169の機能不全に関連する疾患の予防・治療剤として有用である。

15 SS169は、ほぼ骨格筋特異的に発現し、糖尿病モデルマウスや絶食後再給餌において高発現すること、その発現がインスリンに影響を受けるとともに、インスリンの作用に影響を及ぼすこと等から、SS169の機能不全に関連する疾患としては、（i）骨格筋細胞の分化および／または（ii）代謝異常（不全もしくは亢進）（例えば、肝臓、脂肪組織、骨格筋、膵臓などにおける代謝異常（特に糖・脂質代謝異常）等が挙げられるが、それらに限定されない；以下同じ）が関与する疾患（例えば、肥満症、糖尿病、耐糖能異常、動脈硬化、高血圧、高脂血症など）
20 などが挙げられる。

 （１）SS169類および（２）SS169またはその部分ペプチドをコードするDNA（本明細書中、「本発明のDNA」と称する場合もある）は、必要に応じて薬理学的に許容し得る担体とともに混合して医薬組成物とした後に、SS169の機能不全に関連する疾患の予防・治療剤として用いることができる。
25

ここで、薬理学的に許容される担体としては、製剤素材として慣用の各種有機あるいは無機担体物質が用いられ、固形製剤における賦形剤、滑沢剤、結合剤、崩壊剤；液状製剤における溶剤、溶解補助剤、懸濁化剤、等張化剤、緩衝剤、無痛化剤などとして配合される。また必要に応じて、防腐剤、抗酸化剤、着色剤、甘味剤などの製剤添加物を用いることもできる。

賦形剤の好適な例としては、乳糖、白糖、D-マンニトール、D-ソルビトール、デンプン、 α 化デンプン、デキストリン、結晶セルロース、低置換度ヒドロキシプロピルセルロース、カルボキシメチルセルロースナトリウム、アラビアゴム、プルラン、軽質無水ケイ酸、合成ケイ酸アルミニウム、メタケイ酸アルミン酸マグネシウムなどが挙げられる。

滑沢剤の好適な例としては、ステアリン酸マグネシウム、ステアリン酸カルシウム、タルク、コロイドシリカなどが挙げられる。

結合剤の好適な例としては、 α 化デンプン、ショ糖、ゼラチン、アラビアゴム、メチルセルロース、カルボキシメチルセルロース、カルボキシメチルセルロースナトリウム、結晶セルロース、白糖、D-マンニトール、トレハロース、デキストリン、プルラン、ヒドロキシプロピルセルロース、ヒドロキシプロピルメチルセルロース、ポリビニルピロリドンなどが挙げられる。

崩壊剤の好適な例としては、乳糖、白糖、デンプン、カルボキシメチルセルロース、カルボキシメチルセルロースカルシウム、クロスカルメロースナトリウム、カルボキシメチルスターチナトリウム、軽質無水ケイ酸、低置換度ヒドロキシプロピルセルロースなどが挙げられる。

溶剤の好適な例としては、注射用水、生理的食塩水、リンゲル液、アルコール、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール、ゴマ油、トウモロコシ油、オリーブ油、綿実油などが挙げられる。

溶解補助剤の好適な例としては、ポリエチレングリコール、プロピレングリコール、D-マンニトール、トレハロース、安息香酸ベンジル、エタノール、トリ

スアミノメタン、コレステロール、トリエタノールアミン、炭酸ナトリウム、クエン酸ナトリウム、サリチル酸ナトリウム、酢酸ナトリウムなどが挙げられる。

懸濁化剤の好適な例としては、ステアリルトリエタノールアミン、ラウリル硫酸ナトリウム、ラウリルアミノプロピオン酸、レシチン、塩化ベンザルコニウム、
5 塩化ベンゼトニウム、モノステアリン酸グリセリンなどの界面活性剤；例えばポリビニルアルコール、ポリビニルピロリドン、カルボキシメチルセルロースナトリウム、メチルセルロース、ヒドロキシメチルセルロース、ヒドロキシエチルセルロース、ヒドロキシプロピルセルロースなどの親水性高分子；ポリソルベート類、ポリオキシエチレン硬化ヒマシ油などが挙げられる。

10 等張化剤の好適な例としては、塩化ナトリウム、グリセリン、D-マンニトール、D-ソルビトール、ブドウ糖などが挙げられる。

緩衝剤の好適な例としては、リン酸塩、酢酸塩、炭酸塩、クエン酸塩などの緩衝液などが挙げられる。

無痛化剤の好適な例としては、ベンジルアルコールなどが挙げられる。

15 防腐剤の好適な例としては、パラオキシ安息香酸エステル類、クロロブタノール、ベンジルアルコール、フェネチルアルコール、デヒドロ酢酸、ソルビン酸などが挙げられる。

抗酸化剤の好適な例としては、亜硫酸塩、アスコルビン酸塩などが挙げられる。

着色剤の好適な例としては、水溶性食用タール色素（例、食用赤色2号および
20 3号、食用黄色4号および5号、食用青色1号および2号などの食用色素、水不溶性レーキ色素（例、前記水溶性食用タール色素のアルミニウム塩など）、天然色素（例、β-カロチン、クロロフィル、ベンガラなど）などが挙げられる。

甘味剤の好適な例としては、サッカリンナトリウム、グリチルリチン酸二カリウム、アスパルテーム、ステビアなどが挙げられる。

25 前記医薬組成物の剤形としては、例えば錠剤、カプセル剤（ソフトカプセル、マイクロカプセルを含む）、顆粒剤、散剤、シロップ剤、乳剤、懸濁剤などの経

口剤；および注射剤（例、皮下注射剤、静脈内注射剤、筋肉内注射剤、腹腔内注射剤など）、外用剤（例、経鼻投与製剤、経皮製剤、軟膏剤など）、坐剤（例、直腸坐剤、膣坐剤など）、ペレット、点滴剤、徐放性製剤（例、徐放性マイクロカプセルなど）等の非経口剤が挙げられる。

- 5 医薬組成物は、製剤技術分野において慣用の方法、例えば日本薬局方に記載の方法等により製造することができる。以下に、製剤の具体的な製造法について詳述する。医薬組成物中の有効成分の含量は、剤形、有効成分の投与量などにより異なるが、例えば約0.1ないし100重量%である。

- 10 例えば、経口剤は、有効成分に、賦形剤（例、乳糖、白糖、デンプン、D-マンニトールなど）、崩壊剤（例、カルボキシメチルセルロースカルシウムなど）、結合剤（例、 α 化デンプン、アラビアゴム、カルボキシメチルセルロース、ヒドロキシプロピルセルロース、ポリビニルピロリドンなど）または滑沢剤（例、タルク、ステアリン酸マグネシウム、ポリエチレングリコール6000など）などを添加して圧縮成形し、次いで必要により、味のマスキング、腸溶性あるいは持続性を目的として、コーティング基剤を用いて自体公知の方法でコーティングすることにより製造される。
- 15

該コーティング基剤としては、例えば糖衣基剤、水溶性フィルムコーティング基剤、腸溶性フィルムコーティング基剤、徐放性フィルムコーティング基剤などが挙げられる。

- 20 糖衣基剤としては、白糖が用いられ、さらに、タルク、沈降炭酸カルシウム、ゼラチン、アラビアゴム、プルラン、カルナバロウなどから選ばれる1種または2種以上を併用してもよい。

- 水溶性フィルムコーティング基剤としては、例えばヒドロキシプロピルセルロース、ヒドロキシプロピルメチルセルロース、ヒドロキシエチルセルロース、メチルヒドロキシエチルセルロースなどのセルロース系高分子；ポリビニルアセタールジエチルアミノアセテート、アミノアルキルメタアクリレートコポリマーE
- 25

〔オイドラギットE（商品名）、ロームファルマ社〕、ポリビニルピロリドンなどの合成高分子；プルランなどの多糖類などが挙げられる。

腸溶性フィルムコーティング基剤としては、例えばヒドロキシプロピルメチルセルロース フタレート、ヒドロキシプロピルメチルセルロース アセテートサクシネート、カルボキシメチルエチルセルロース、酢酸フタル酸セルロースなどのセルロース系高分子；メタアクリル酸コポリマーL〔オイドラギットL（商品名）、ロームファルマ社〕、メタアクリル酸コポリマーLD〔オイドラギットL-30D55（商品名）、ロームファルマ社〕、メタアクリル酸コポリマーS〔オイドラギットS（商品名）、ロームファルマ社〕などのアクリル酸系高分子；セラックなどの天然物などが挙げられる。

徐放性フィルムコーティング基剤としては、例えばエチルセルロースなどのセルロース系高分子；アミノアルキルメタアクリレートコポリマーRS〔オイドラギットRS（商品名）、ロームファルマ社〕、アクリル酸エチル・メタアクリル酸メチル共重合体懸濁液〔オイドラギットNE（商品名）、ロームファルマ社〕などのアクリル酸系高分子などが挙げられる。

上記したコーティング基剤は、その2種以上を適宜の割合で混合して用いてもよい。また、コーティングの際に、例えば酸化チタン、三二酸化鉄等のような遮光剤を用いてもよい。

注射剤は、有効成分を分散剤（例、ポリソルベート80、ポリオキシエチレン硬化ヒマシ油60、ポリエチレングリコール、カルボキシメチルセルロース、アルギン酸ナトリウムなど）、保存剤（例、メチルパラベン、プロピルパラベン、ベンジルアルコール、クロロブタノール、フェノールなど）、等張化剤（例、塩化ナトリウム、グリセリン、D-マンニトール、D-ソルビトール、ブドウ糖など）などと共に水性溶剤（例、蒸留水、生理的食塩水、リンゲル液等）あるいは油性溶剤（例、オリーブ油、ゴマ油、綿実油、トウモロコシ油などの植物油、プロピレングリコール等）などに溶解、懸濁あるいは乳化することにより製造され

る。この際、所望により溶解補助剤（例、サリチル酸ナトリウム、酢酸ナトリウム等）、安定剤（例、ヒト血清アルブミン等）、無痛化剤（例、ベンジルアルコール等）等の添加物を用いてもよい。注射液は、通常、適当なアンプルに充填される。

- 5 このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、哺乳動物（例えば、ヒト、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

10 本発明のDNAを上記予防・治療剤として使用する場合は、本発明のDNAを単独あるいはレトロウイルスベクター、アデノウイルスベクター、アデノ随伴ウイルスベクターなどの適当な発現ベクター中に挿入した後、常套手段に従って投与することもできる。また、本発明のDNAは、そのままで、あるいは摂取促進のための補助剤とともに、遺伝子銃やハイドロゲルカテーテルのようなカテーテルによって投与することもできる。

15 SS169類の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60kgとして）においては、一日につき約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60kgとして）においては、一日につき約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を投与するのが好都合である。投与対象がヒト以外の場合も、体重60kg当たりに換算した量を投与することができる。

25 本発明のDNAの投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60kgとして）においては、一日につき約0.1～100mg、好ましくは約

1. 0～50 mg、より好ましくは約1. 0～20 mgである。非経口的に投与
する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっ
ても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、糖・脂質代謝異常患者（体
重60 kgとして）においては、一日につき約0. 01～30 mg程度、好まし
5 くは約0. 1～20 mg程度、より好ましくは約0. 1～10 mg程度を投与す
るのが好都合である。投与対象がヒト以外の場合も、体重60 kgあたりに換算
した量を投与することができる。

(3) SS169の過剰発現に関連する疾患の予防・治療剤

SS169類に対する抗体は、SS169の関与するシグナル伝達機能、例えば、SS169
10 を介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞
内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン
酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pH
の低下などを促進する活性または抑制する活性など）を不活性化（すなわち中
和）することができる。一方、SS169もしくはその部分ペプチドのアンチセンス
15 核酸（リボザイムやRNAi活性を有する二本鎖オリゴRNAを含む）は、
SS169遺伝子の転写、転写産物のプロセッシングおよび／またはmRNAからの
翻訳をブロックすることにより、SS169の発現を阻害することができる。従って、
(1)本発明の抗体または(2)本発明のアンチセンス核酸を、SS169の過剰発現に関
連する疾患の予防・治療剤などの医薬として使用することができる。

20 SS169は、ほぼ骨格筋特異的に発現し、糖尿病モデルマウスや絶食後再給餌に
おいて高発現すること、その発現がインスリンに影響を受けるとともに、インス
リンの作用に影響を及ぼすこと等から、骨格筋細胞の分化および／または代謝異
常（不全もしくは亢進）が関与する疾患（例えば、肥満症、糖尿病、耐糖能異常、
動脈硬化、高血圧、高脂血症など）の予防・治療に有用である。

25 本発明の抗体および本発明のアンチセンス核酸は、前記「SS169の機能不全に
関連する疾患の予防・治療剤」と同様にして製剤化することができる。また、該

アンチセンス核酸は、そのまま、遺伝子銃やハイドロゲルカテーテルのようなカテーテルによって投与することもできる。

本発明の抗体の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60 kgとして）においては、一日につき約0.1～100 mg、好ましくは約1.0～50 mg、より好ましくは約1.0～20 mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60 kgとして）においては、一日につき約0.01～30 mg程度、好ましくは約0.1～20 mg程度、より好ましくは約0.1～10 mg程度を投与するのが好都合である。投与対象がヒト以外の場合も、体重60 kgあたりに換算した量を投与することができる。

本発明のアンチセンス核酸の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60 kgとして）においては、一日につき約0.1～100 mg、好ましくは約1.0～50 mg、より好ましくは約1.0～20 mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60 kgとして）においては、一日につき約0.01～30 mg程度、好ましくは約0.1～20 mg程度、より好ましくは約0.1～10 mg程度を投与するのが好都合である。投与対象がヒト以外の場合も、体重60 kgあたりに換算した量を投与することができる。

（4）遺伝子診断剤

SS169またはその初期翻訳産物をコードする塩基配列またはその一部を含有する核酸（以下、「本発明のセンス核酸」という）または本発明のアンチセンス核酸は、プローブとして使用することにより、哺乳動物（例えば、ヒト、ラット、

ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど) におけるSS169をコードするDNAまたはmRNAの異常(遺伝子異常)を検出することができるので、例えば、該DNAまたはmRNAの損傷、突然変異あるいは発現低下や、該DNAまたはmRNAの増加あるいは発現過多などの遺伝子診断剤として有用である。

- 5 本発明のセンス核酸またはアンチセンス核酸を用いる上記の遺伝子診断は、例えば、自体公知のノーザンハイブリダイゼーションやPCR-SSCP法(ゲノミックス(Genomics), 第5巻, 874~879頁(1989年)、プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシズ・オブ・ユ
10 ーエスエー(Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America), 第86巻, 2766~2770頁(1989年))などにより実施することができる。

- 例えば、ノーザンハイブリダイゼーションによりSS169の発現低下が検出された場合は、例えば、SS169の機能不全に関連する疾患に罹患している、もしくは将来罹患する可能性が高いと診断することができる。また逆に、例えば、ノーザ
15 ンハイブリダイゼーションによりSS169の発現過多が検出された場合は、例えば、SS169の機能亢進に関連する疾患に罹患している、もしくは将来罹患する可能性が高いと診断することができる。

- SS169は、ほぼ骨格筋特異的に発現し、糖尿病モデルマウスや絶食後再給餌において高発現すること等から、骨格筋細胞の分化および/または代謝異常(不全
20 もしくは亢進)が関与する疾患(例えば、肥満症、糖尿病、耐糖能異常、動脈硬化、高血圧、高脂血症など)の予防・治療に有用である。

(5) SS169の発現量を変化させる化合物のスクリーニング方法

 本発明のセンス核酸は、プローブとして用いることにより、SS169の発現量を変化させる化合物のスクリーニングに用いることができる。

- 25 すなわち本発明は、例えば、(i) 非ヒト哺乳動物の(1)血液、(2)特定の臓器、(3)臓器から単離した組織もしくは細胞、または(ii) 形質転換体等に含まれる

SS169 mRNA量を測定することによる、SS169の発現量を変化させる化合物のスクリーニング方法を提供する。

SS169 mRNA量の測定は具体的には以下のようにして行なう。

(i) 正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物（例えば、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど、より具体的には、肥満マウス、糖尿病マウス、高血圧ラット、動脈硬化ウサギ、担癌マウスなど）に対して、薬剤（例えば、抗肥満薬、抗糖尿病薬、降圧薬、血管作用薬、抗癌剤など）あるいは物理的ストレス（例えば、浸水ストレス、電気ショック、明暗、低温など）などを与え、一定時間経過した後に、血液、あるいは特定の臓器（例えば、肝臓、脾臓、腎臓、筋肉など）、組織（例えば、褐色または白色脂肪組織など）あるいは細胞（骨格筋細胞、脂肪細胞など）を得る。

得られた細胞等に含まれるSS169 mRNAは、例えば、通常の方法により該細胞等からmRNAを抽出し、例えば、TaqManPCRなどの手法を用いることにより定量することができ、自体公知の手段によりノーザンブロットを行なうことにより解析することもできる。

(ii) SS169またはその部分ペプチドを発現する形質転換体を前述の方法に従い作製し、該形質転換体に含まれるSS169またはその部分ペプチドのmRNAを同様にして定量、解析することができる。

SS169の発現量を変化させる化合物のスクリーニングは、

(i) 正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物に対して、薬剤あるいは物理的ストレスなどを与える一定時間前（30分前ないし24時間前、好ましくは30分前ないし12時間前、より好ましくは1時間前ないし6時間前）もしくは一定時間後（30分後ないし3日後、好ましくは1時間後ないし2日後、より好ましくは1時間後ないし24時間後）、または薬剤あるいは物理的ストレスと同時に被検化合物を投与し、投与後一定時間経過後（30分後ないし3日後、好ましくは1時間後ないし2日後、より好ましくは1時間後ないし24時間後）、細胞に含

まれるSS169 mRNA量を定量、解析することにより行なうことができ、

(ii) 形質転換体を常法に従い培養する際に被検化合物を培地中に混合させ、一定時間培養後（1日後ないし7日後、好ましくは1日後ないし3日後、より好ましくは2日後ないし3日後）、該形質転換体に含まれるSS169またはその部分ペプチドのmRNA量を定量、解析することにより行なうことができる。

上記スクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩は、SS169の発現量を変化させる作用を有する化合物であり、具体的には、（イ）SS169の発現量を増加させることにより、SS169とそのレセプター（またはリガンド）との相互作用を介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を増強させる化合物、（ロ）SS169の発現量を減少させることにより、該細胞刺激活性を減弱させる化合物である。

該化合物としては、ペプチド、蛋白質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

該細胞刺激活性を増強させる化合物は、SS169の生理活性を増強するための安全で低毒性な医薬として有用である。

該細胞刺激活性を減弱させる化合物は、SS169の生理活性を減少させるための安全で低毒性な医薬として有用である。

上記スクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩を医薬として使用する場合、前記「SS169の機能不全に関連する疾患の予防・治療剤」と同様にして製剤化することができる。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、哺乳動物（例えば、ヒト、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルな

ど) に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60kgとして）においては、一日につき約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60kgとして）においては、一日につき約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を投与するのが好都合である。投与対象がヒト以外の場合も、体重60kg当たり

(6) SS169の発現量を変化させる化合物を含有する各種疾患の予防・治療剤

SS169は前述のとおり、ほぼ骨格筋特異的に発現し、糖尿病モデルマウスや絶食後再給餌において高発現すること等から、(i)骨格筋細胞の分化および／または(ii)代謝（例えば、肝臓、脂肪組織、骨格筋、脾臓などにおける代謝（特に糖・脂質代謝）等が挙げられるが、それらに限定されない；以下同じ）の調節に重要な役割を果たしていると考えられる。従って、SS169の発現量を変化させる化合物は、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常（不全もしくは亢進）が関与する疾患（例えば、肥満症、糖尿病、耐糖能異常、動脈硬化、高血圧、高脂血症など）の予防・治療剤として用いることができる。

該化合物をSS169の機能不全もしくは亢進に関連する疾患の予防・治療剤として使用する場合は、前記「SS169の機能不全に関連する疾患の予防・治療剤」と同様にして製剤化することができる。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、哺乳動物（例えば、ヒト、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60kgとして）においては、一日につき約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60kgとして）においては、一日につき約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を投与するのが好都合である。投与対象がヒト以外の場合も、体重60kgあたりに換算した量を投与することができる。

(7) SS169に対して特異的親和性を有する化合物（リガンドまたはレセプター）の定量法

SS169類は、SS169に対するリガンド（またはレセプター）に対して結合性を有しているので、生体内における該リガンド（またはレセプター）濃度を高感度に定量することができる。

本発明の定量法は、例えば、競合法と組み合わせることによって用いることができる。すなわち、被検体をSS169類と接触させることによって被検体中のリガンド（またはレセプター）濃度を測定することができる。具体的には、例えば、以下の(1)または(2)などに記載の方法あるいはそれに準じる方法に従って用いることができる。

(1) 入江寛編「ラジオイムノアッセイ」（講談社、昭和49年発行）

(2) 入江寛編「続ラジオイムノアッセイ」（講談社、昭和54年発行）

(8) SS169とSS169に対して特異的親和性を有する化合物（リガンドまたはレセプター）との結合性を変化させる化合物（アゴニスト、アンタゴニストなど）のスクリーニング方法

SS169類を用いるか、または組換えSS169の発現系を構築し、該発現系を用いた

アフィニティーアッセイ系を用いることによって、SS169とそのリガンド（またはレセプター）の結合性を変化させる化合物（例えば、ペプチド、蛋白質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物など）またはその塩を効率よくスクリーニングすることができる。

- 5 このような化合物には、（イ）レセプターを介して細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を有する化合物（アゴニスト）、（ロ）該細胞刺激活性を有し
10 ない化合物（アンタゴニスト）、（ハ）SS169とそのリガンド（またはレセプター）との結合力を増強する化合物、あるいは（ニ）SS169とそのリガンド（またはレセプター）との結合力を減少させる化合物などが含まれる（なお、上記（イ）の化合物は、上記したリガンド決定方法によってスクリーニングすることが好ましい）。

- 15 すなわち、本発明は、（i）SS169類とそのリガンド（またはレセプター）とを接触させた場合と（ii）SS169類とそのリガンド（またはレセプター）および試験化合物とを接触させた場合との比較を行なうことを特徴とする、SS169とそのリガンド（またはレセプター）との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

- 20 上記スクリーニング方法においては、（i）と（ii）の場合におけるSS169に対するリガンド（またはレセプター）の結合量、細胞刺激活性などを測定して、比較することを特徴とする。

より具体的には、本発明は、

- (1) 標識したリガンド（またはレセプター）をSS169類に接触させた場合と、標識
25 したリガンド（またはレセプター）および試験化合物をSS169類に接触させた場合における、標識したリガンド（またはレセプター）のSS169類に対する結合量

を測定し、比較することを特徴とするSS169とそのリガンド（またはレセプター）との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(2) 標識したリガンド（またはレセプター）を、SS169を産生する細胞またはその膜画分、あるいは細胞外液または細胞培養上清（この場合、例えば、上記の本発明の抗体を固定化した固相（細胞培養プレート等）を用いてSS169を固相化する）に接触させた場合と、標識したリガンド（またはレセプター）および試験化合物をSS169を産生する細胞またはその膜画分、あるいは細胞外液または細胞培養上清に接触させた場合における、標識したリガンド（またはレセプター）の該細胞または膜画分、あるいは細胞外液または細胞培養上清に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするSS169とそのリガンド（またはレセプター）との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(3) 標識したリガンド（またはレセプター）を、本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したSS169類、または培養上清に分泌されたSS169類（この場合、例えば、上記の本発明の抗体を固定化した固相（細胞培養プレート等）を用いてSS169類を固相化する）に接触させた場合と、標識したリガンド（またはレセプター）および試験化合物を本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したSS169類、または培養上清に分泌されたSS169類に接触させた場合における、標識したリガンド（またはレセプター）のSS169類に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするSS169とそのリガンド（またはレセプター）との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

(4) SS169を活性化する化合物（例えば、SS169に対するリガンドなど）またはSS169により活性化される化合物（例えば、SS169に対するレセプターなど）を、SS169を細胞膜上に発現する細胞またはSS169が分泌された培養上清に接触させた場合と、SS169を活性化する化合物またはSS169により活性化される化合物および試験化合物を、SS169を細胞膜上に発現する細胞またはSS169が分泌された培養上

清に接触させた場合における、レセプターを介した細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を測定し、比較することを特徴とするSS169とそのリガンド（またはレセプター）との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、および

(5)SS169を活性化する化合物（例えば、SS169に対するリガンドなど）またはSS169により活性化される化合物（例えば、SS169に対するレセプターなど）を、
本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したSS169類または本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって培養上清中に分泌されたSS169類に接触させた場合と、SS169を活性化する化合物またはSS169により活性化される化合物および試験化合物を、本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したSS169類または本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって培養上清中に分泌されたSS169類に接触させた場合における、レセプターを介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を測定し、比較することを特徴とするSS169とそのリガンド（またはレセプター）との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

本発明のスクリーニング方法の具体的な説明を以下にする。

まず、本発明のスクリーニング方法に用いるSS169類としては、上記したSS169もしくはその部分ペプチドまたはその塩を含有するものであれば何れのものであってもよいが、SS169を産生する哺乳動物の臓器の細胞膜画分または細胞外液が

好適である。しかし、特にヒト由来の臓器は入手が極めて困難なことから、スクリーニングに用いられるものとしては、組換え体を用いて大量発現させたヒト由来のSS169類などが適している。

SS169類を製造するには、前述の方法が用いられるが、本発明のDNAを哺乳動物細胞や昆虫細胞で発現させることにより行なうことが好ましい。目的とする蛋白質部分をコードするDNA断片にはcDNAが用いられるが、必ずしもこれに制約されるものではない。例えば、遺伝子断片や合成DNAを用いてもよい。SS169またはその部分ペプチドをコードするDNA断片を宿主動物（昆虫）細胞に導入し、それらを効率よく発現させるためには、該DNA断片を、SV40由来のプロモーター、レトロウイルスのプロモーター、メタロチオネインプロモーター、ヒトヒートショックプロモーター、サイトメガロウイルスプロモーター、SR α プロモーター、昆虫を宿主とするバキュロウイルスに属する核多角体病ウイルス（nuclear polyhedrosis virus ; NPV）のポリヘドリンプロモーターなどの下流に組み込むのが好ましい。

したがって、本発明のスクリーニング方法において用いられるSS169類は、それ自体公知の方法に従って精製したSS169類であってもよいし、SS169類を産生する細胞またはその細胞膜画分、あるいはSS169類を分泌する細胞の培養上清として用いてもよい。

上記スクリーニング方法において、SS169類を産生する細胞を用いる場合、該細胞をグルタルアルデヒド、ホルマリンなどで固定化してもよい。固定化方法はそれ自体公知の方法に従って行なうことができる。

SS169類を産生する細胞とは、SS169類を発現した宿主細胞をいうが、該宿主細胞としては、大腸菌、枯草菌、酵母、昆虫細胞、動物細胞などが用いられる。

前記細胞膜画分としては、細胞を破碎した後、それ自体公知の方法で得られる細胞膜が多く含まれる画分のことをいう。細胞の破碎方法としては、Potter-Elvehjem型ホモジナイザーで細胞を押し潰す方法、ワーリングブレンダーやポリ

トロン (Kinematica社製) による破碎、超音波による破碎、フレンチプレスなどで加圧しながら細胞を細いノズルから噴出させることによる破碎などが挙げられる。細胞膜の分画には、分画遠心分離法や密度勾配遠心分離法などの遠心力による分画法が主として用いられる。例えば、細胞破碎液を低速 (500 rpm ~ 3000 rpm) で短時間 (通常、約1 ~ 10分) 遠心し、上清をさらに高速 (15000 rpm ~ 30000 rpm) で通常30分 ~ 2時間遠心し、得られる沈澱を膜画分とする。該膜画分中には、発現したSS169類と細胞由来のリン脂質や膜蛋白質などの膜成分が多く含まれる。

SS169類を産生する細胞やその膜画分中のSS169類の量は、1細胞当たり 10^3 ~ 10^8 分子であるのが好ましく、 10^5 ~ 10^7 分子であるのがより好適である。なお、発現量が多いほど膜画分当たりのリガンド結合活性 (比活性) が高くなり、高感度なスクリーニング系の構築が可能になるばかりでなく、同一ロットで大量の試料を測定できるようになる。

SS169とそのリガンドとの結合性を変化させる化合物をスクリーニングする上記の (1) ~ (3) を実施するためには、例えば、適当なSS169類含有膜画分と標識したリガンドが必要である。

SS169含有膜画分としては、天然型のSS169含有膜画分か、またはそれと同等の活性を有する組換えSS169類含有膜画分などが望ましい。ここで、同等の活性とは、同等のリガンド結合活性、シグナル情報伝達作用などを示す。

標識したリガンドとしては、標識したリガンド、標識したリガンドアナログ化合物などが用いられる。例えば [^3H]、[^{125}I]、[^{14}C]、[^{35}S] などで標識されたリガンドなどが用いられる。

具体的には、SS169とそのリガンドとの結合性を変化させる化合物のスクリーニングを行なうには、まずSS169類を産生する細胞またはその膜画分を、スクリーニングに適したバッファーに懸濁することによりSS169類標品を調製する。バッファーには、pH 4 ~ 10 (望ましくはpH 6 ~ 8) のリン酸バッファー、ト

リスー塩酸バッファーなどのSS169とそのリガンドとの結合を阻害しないバッファーであればいずれでもよい。また、非特異的結合を低減させる目的で、CHAPS、Tween-80TM（花王-アトラス社）、ジギトニン、デオキシコレートなどの界面活性剤をバッファーに加えることもできる。さらに、プロテアーゼによるレセプターやリガンドの分解を抑える目的でPMSF、ロイペプチン、E-64（ペプチド研究所製）、ペプスタチンなどのプロテアーゼ阻害剤を添加することもできる。0.01~10mlのSS169類懸濁液に、一定量（5000cpm~500000cpm）の標識したリガンドを添加し、同時に 10^{-4} M~ 10^{-10} Mの試験化合物を共存させる。非特異的結合量（NSB）を知るために大過剰の未標識のリガンドを加えた反応チューブも用意する。反応は約0℃から50℃、望ましくは約4℃から37℃で、約20分から24時間、望ましくは約30分から3時間行う。反応後、ガラス繊維濾紙等で濾過し、適量の同バッファーで洗浄した後、ガラス繊維濾紙に残存する放射活性を液体シンチレーションカウンターまたはγ-カウンターで計測する。拮抗する物質がない場合のカウント（B₀）から非特異的結合量（NSB）を引いたカウント（B₀-NSB）を100%とした時、特異的結合量（B-NSB）が、例えば、50%以下になる試験化合物を拮抗阻害能力のある候補物質として選択することができる。

SS169とそのリガンドとの結合性を変化させる化合物をスクリーニングする上記の(4)~(5)の方法を実施するためには、例えば、SS169を介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を公知の方法または市販の測定用キットを用いて測定することができる。

具体的には、まず、SS169類を産生する細胞をマルチウェルプレート等に培養する。スクリーニングを行なうにあたっては前もって新鮮な培地あるいは細胞に

毒性を示さない適当なバッファーに交換し、試験化合物などを添加して一定時間インキュベートした後、細胞を抽出あるいは上清を回収して、生成した産物をそれぞれの方法に従って定量する。細胞刺激活性の指標とする物質（例えば、アラキドン酸など）の生成が、細胞が含有する分解酵素によって検定困難な場合は、
5 該分解酵素に対する阻害剤を添加してアッセイを行なってもよい。また、cAMP産生抑制などの活性については、フォルスコリンなどで細胞の基礎的産生量を増大させておいた細胞に対する産生抑制作用として検出することができる。

細胞刺激活性を測定してスクリーニングを行なうには、SS169類を膜上に発現した適当な細胞が必要である。SS169類を発現した細胞としては、天然型のSS169
10 を産生する細胞株、前述の組換えSS169類を発現した細胞株などが望ましい。

試験化合物としては、例えば、ペプチド、蛋白質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液などが用いられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

SS169とそのリガンド（またはレセプター）との結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法について、SS169が膜蛋白質である場合を取り
15 上げて具体的に説明したが、SS169が分泌蛋白質である場合も、当業者は、上記の手法を応用して、SS169とそのレセプターの結合性を変化させる化合物を容易にスクリーニングすることができる。

SS169とそれに対して特異的親和性を有する化合物（リガンドまたはレセプター）の結合性を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング用キットは、
20 SS169類、SS169類を産生する細胞またはその膜面分あるいはSS169類を分泌する細胞の培養上清などを含有するものである。

本発明のスクリーニング用キットの例としては、次のものが挙げられる。

1. スクリーニング用試薬

(1) 測定用緩衝液および洗浄用緩衝液

Hanks' Balanced Salt Solution（ギブコ社製）に、0.05%のウシ血清アル

ブミン（シグマ社製）を加えたもの。

孔径 $0.45\ \mu\text{m}$ のフィルターで濾過滅菌し、 4°C で保存するか、あるいは用時調製しても良い。

(2) SS169類標品

- 5 SS169類を発現させたCHO細胞を、12穴プレートに 5×10^5 個/穴で継代し、 37°C 、 $5\%\text{CO}_2$ 、 $95\%\text{air}$ で2日間培養したもの（SS169類が分泌される場合、該プレートは抗SS169抗体でコーティングされている）。

(3) 標識リガンド（レセプター）

- 10 市販の $[^3\text{H}]$ 、 $[^{125}\text{I}]$ 、 $[^{14}\text{C}]$ 、 $[^{35}\text{S}]$ など で標識したリガンド（レセプター）

水溶液の状態のものを 4°C あるいは -20°C にて保存し、用時に測定用緩衝液にて $1\ \mu\text{M}$ に希釈する。

(4) リガンド（レセプター）標準液

- 15 リガンド（レセプター）を 0.1% ウシ血清アルブミン（シグマ社製）を含むPBSで 1mM となるように溶解し、 -20°C で保存する。

標識レセプターおよびレセプター標準液としては、レセプター蛋白質を適当な脂質組成からなるリポソーム膜に包埋させたプロテオリポソームを適当な分散媒（水、PBS等）中に懸濁し、 4°C で保存したものを用いることもできる。

2. 測定法

- 20 (1) 12穴組織培養用プレートにて培養したSS169類発現CHO細胞を、測定用緩衝液 1mL で2回洗浄した後（SS169類が分泌される場合は、細胞および培養上清を除去後プレートを測定用緩衝液で同様に洗浄した後）、 $490\ \mu\text{L}$ の測定用緩衝液を各穴に加える。

- 25 (2) $10^{-3} \sim 10^{-10}\text{M}$ の試験化合物溶液を $5\ \mu\text{L}$ 加えた後、標識リガンド（またはレセプター）を $5\ \mu\text{L}$ 加え、室温にて1時間反応させる。非特異的結合量を知るためには試験化合物の代わりに 10^{-3}M のリガンド（またはレセプタ

一) 標準液を $5 \mu\text{l}$ 加えておく。

(3) 反応液を除去し、 1 ml の洗浄用緩衝液で3回洗浄する。細胞（またはプレート）に結合した標識リガンド（またはレセプター）を $0.2 \text{ N NaOH} - 1\% \text{ SDS}$ で溶解し、 4 ml の液体シンチレーターA（和光純薬製）と混合する。

5 (4) 液体シンチレーションカウンター（ベックマン社製）を用いて放射活性を測定し、Percent Maximum Binding (PMB) を次の式〔数1〕で求める。

〔数1〕

$$\text{PMB} = [(B - \text{NSB}) / (B_0 - \text{NSB})] \times 100$$

PMB : Percent Maximum Binding

10 B : 検体を加えた時の値

NSB : Non-specific Binding (非特異的結合量)

B₀ : 最大結合量

上記スクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる化合物またはその塩は、SS169とそれに対して特異的親和性を有する化合物（リガンドまたはレセプター）との結合性を変化させる作用を有する化合物であり、具体的には、（イ）リガンドーレセプター相互作用を介して細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内 cAMP 生成、細胞内 cGMP 生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos の活性化、pH の低下などを促進する活性または抑制する活性など）を有する化合物（アゴニスト）、（ロ）該細胞刺激活性を有しない化合物（アンタゴニスト）、（ハ）SS169とそのリガンド（またはレセプター）との結合力を増強する化合物、あるいは（ニ）SS169とそのリガンド（またはレセプター）との結合力を減少させる化合物である。

25 該化合物としては、ペプチド、蛋白質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

SS169（もしくはSS169レセプター）に対するアゴニストは、SS169に対するリガンド（もしくはSS169）が有する生理活性と同様の作用を有しているので、該リガンド活性に応じて安全で低毒性な医薬として有用である。

5 SS169（もしくはSS169レセプター）に対するアンタゴニストは、SS169に対するリガンド（もしくはSS169）が有する生理活性を抑制することができるので、該リガンド活性を抑制する安全で低毒性な医薬として有用である。

SS169とそのリガンド（もしくはレセプター）との結合力を増強する化合物は、SS169に対するリガンド（もしくはSS169）が有する生理活性を増強するための安全で低毒性な医薬として有用である。

10 SS169とそのリガンド（もしくはレセプター）との結合力を減少させる化合物は、SS169に対するリガンド（もしくはSS169）が有する生理活性を減少させるための安全で低毒性な医薬として有用である。

上記スクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる化合物またはその塩を医薬として使用する場合、前記「SS169の機能不全に関連する疾患の予防・治療剤」と同様にして製剤化することができる。

15 このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、哺乳動物（例えば、ヒト、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

20 該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60kgとして）においては、一日につき約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、糖・脂質代謝異常患者
25 者（体重60kgとして）においては、一日につき約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を

投与するのが好都合である。投与対象がヒト以外の場合も、体重60kgあたりに換算した量を投与することができる。

(9) SS169とSS169に対して特異的親和性を有する化合物(リガンドまたはレセプター)との結合性を変化させる化合物(アゴニスト、アンタゴニスト)を含有する各種疾患の予防・治療剤

SS169は前述のとおり、ほぼ骨格筋特異的に発現し、糖尿病モデルマウスや絶食後再給餌において高発現すること等から、骨格筋細胞の分化および／または代謝(特に糖・脂質代謝)の調節に重要な役割を果たしていると考えられる。従って、SS169とそのリガンド(もしくはレセプター)との結合性を変化させる化合物(アゴニスト、アンタゴニスト)は、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常(不全もしくは亢進)が関与する疾患(例えば、肥満症、糖尿病、耐糖能異常、動脈硬化、高血圧、高脂血症など)の予防・治療剤として用いることができる。

該化合物をSS169の機能不全もしくは亢進に関連する疾患の予防・治療剤として使用する場合は、前記「SS169の機能不全に関連する疾患の予防・治療剤」と同様にして製剤化することができる。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、哺乳動物(例えば、ヒト、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど)に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、糖・脂質代謝異常患者(体重60kgとして)においては、一日につき約0.1~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、糖・脂質代謝異常患者(体重60kgとして)においては、一日につき約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を

投与するのが好都合である。投与対象がヒト以外の場合も、体重60kgあたりに換算した量を投与することができる。

(10) SS169類の定量

本発明の抗体は、SS169類を特異的に認識することができるので、被検液中のSS169類の定量、特にサンドイッチ免疫測定法による定量などに使用することができる。すなわち、本発明は、例えば、(i) 本発明の抗体と、被検液および標識化蛋白質等とを競合的に反応させ、該抗体に結合した標識化蛋白質等の割合を測定することを特徴とする被検液中のSS169類の定量法、(ii) 被検液と担体上に不溶化した本発明の抗体および標識化された本発明の抗体とを同時あるいは連続的に反応させた後、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することを特徴とする被検液中のSS169類の定量法を提供する。

上記(ii)においては、不溶化抗体と標識化抗体とが互いにSS169類との結合を妨害しないような抗原認識部位を有することが好ましい(例えば、一方の抗体がSS169類のN端部を認識し、他方の抗体がSS169類のC端部に反応する等)。

SS169類に対するモノクローナル抗体(以下、本発明のモノクローナル抗体と称する場合がある)を用いてSS169類の測定を行なえるほか、組織染色等による検出を行なうこともできる。これらの目的には、抗体分子そのものを用いてもよく、また、抗体分子のF(a b')₂、F a b'、あるいはF a b画分を用いてもよい。SS169類に対する抗体を用いる測定法は、特に制限されるべきものではなく、被測定液中の抗原量(例えば、SS169量)に対応した抗体、抗原もしくは抗体-抗原複合体の量を化学的または物理的手段により検出し、これを既知量の抗原を含む標準液を用いて作製した標準曲線より算出する測定法であれば、いずれの測定法を用いてもよい。例えば、ネフロメトリー、競合法、イムノメトリック法およびサンドイッチ法が好適に用いられるが、感度、特異性の点で、後述するサンドイッチ法を用いるのが特に好ましい。

標識物質を用いる測定法に用いられる標識剤としては、例えば、放射性同位元

素、酵素、蛍光物質、発光物質などが用いられる。放射性同位元素としては、例えば、 $[^{125}\text{I}]$ 、 $[^{131}\text{I}]$ 、 $[^3\text{H}]$ 、 $[^{14}\text{C}]$ などが用いられる。上記酵素としては、安定で比活性の大きなものが好ましく、例えば、 β -ガラクトシダーゼ、 β -グルコシダーゼ、アルカリフォスファターゼ、パーオキシダーゼ、リンゴ酸脱水素酵素などが用いられる。蛍光物質としては、例えば、フルオレスカミン、フルオレッセンイソチオシアネートなどが用いられる。発光物質としては、例えば、ルミノール、ルミノール誘導体、ルシフェリン、ルシゲニンなどが用いられる。さらに、抗体あるいは抗原と標識剤との結合にビオチン-アビジン系を用いることもできる。

抗原あるいは抗体の不溶化に当っては、物理吸着を用いてもよく、また通常、蛋白質あるいは酵素等を不溶化、固定化するのに用いられる化学結合を用いる方法でもよい。担体としては、例えば、アガロース、デキストラン、セルロースなどの不溶性多糖類、ポリスチレン、ポリアクリルアミド、シリコン等の合成樹脂、あるいはガラス等が用いられる。

サンドイッチ法においては不溶化した本発明のモノクローナル抗体に被検液を反応させ（1次反応）、さらに標識化した本発明のモノクローナル抗体を反応させ（2次反応）た後、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することにより被検液中のSS169量を定量することができる。1次反応と2次反応は逆の順序に行なっても、また、同時に行なってもよいし時間をずらして行なってもよい。標識化剤および不溶化の方法は上記のそれらに準じることができる。

また、サンドイッチ法による免疫測定法において、固相用抗体あるいは標識用抗体に用いられる抗体は必ずしも1種類である必要はなく、測定感度を向上させる等の目的で2種類以上の抗体の混合物を用いてもよい。

サンドイッチ法によるSS169類の測定法においては、1次反応と2次反応に用いられる本発明のモノクローナル抗体はSS169類との結合にかかる部位が相異なる抗体が好ましく用いられる。即ち、1次反応および2次反応に用いられる抗体

は、例えば、2次反応で用いられる抗体が、SS169類のC端部を認識する場合、1次反応で用いられる抗体は、好ましくはC端部以外、例えばN端部を認識する抗体が用いられる。

5 本発明のモノクローナル抗体をサンドイッチ法以外の測定システム、例えば、競合法、イムノメトリック法あるいはネフロメトリーなどに用いることができる。競合法では、被検液中の抗原と標識抗原とを抗体に対して競合的に反応させた後、未反応の標識抗原と(F)と抗体と結合した標識抗原(B)とを分離し(B/F分離)、B、Fいずれかの標識量を測定し、被検液中の抗原量を定量する。本反応法には、抗体として可溶性抗体を用い、B/F分離をポリエチレングリコール、
10 上記抗体に対する第2抗体などを用いる液相法、および、第1抗体として固相化抗体を用いるか、あるいは、第1抗体は可溶性のものを用い第2抗体として固相化抗体を用いる固相化法とが用いられる。

イムノメトリック法では、被検液中の抗原と固相化抗原とを一定量の標識化抗体に対して競合反応させた後固相と液相を分離するか、あるいは、被検液中の抗原と過剰量の標識化抗体とを反応させ、次に固相化抗原を加え未反応の標識化抗体を固相に結合させたのち、固相と液相を分離する。次に、いずれかの相の標識量を測定し被検液中の抗原量を定量する。
15

また、ネフロメトリーでは、ゲル内あるいは溶液中で抗原抗体反応の結果、生じた不溶性の沈降物の量を測定する。被検液中の抗原量が僅かであり、少量の沈降物しか得られない場合にもレーザーの散乱を利用するレーザーネフロメトリー
20 などが好適に用いられる。

これら個々の免疫学的測定法をSS169類の定量に適用するにあたっては、特別の条件、操作等の設定は必要とされない。それぞれの方法における通常条件、操作法に当業者の通常技術的配慮を加えてSS169類の測定系を構築すればよい。
25 これらの一般的な技術手段の詳細については、総説、成書などを参照することができる〔例えば、入江 寛編「ラジオイムノアッセイ」(講談社、昭和49年発

行)、入江 寛編「続ラジオイムノアッセイ」(講談社、昭和54年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(医学書院、昭和53年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(第2版)(医学書院、昭和57年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(第3版)(医学書院、昭和62年発行)、「メソッズ・イン・エンジモロジー (Methods in ENZYMOLOGY)」 Vol. 70 (Immunochemical Techniques (Part A))、同書 Vol. 73 (Immunochemical Techniques (Part B))、同書 Vol. 74 (Immunochemical Techniques (Part C))、同書 Vol. 84 (Immunochemical Techniques (Part D: Selected Immunoassays))、同書 Vol. 92 (Immunochemical Techniques (Part E: Monoclonal Antibodies and General Immunoassay Methods))、同書 Vol. 121 (Immunochemical Techniques (Part I: Hybridoma Technology and Monoclonal Antibodies))(以上、アカデミックプレス社発行)など参照]。

以上のように、本発明の抗体を用いることによって、SS169類を高感度に定量することができる。

さらに、本発明の抗体を用いて、生体内でのSS169またはその塩を定量することによって、SS169の機能不全もしくは亢進に関連する各種疾患の診断をすることができる。

また、本発明の抗体は、体液や組織などの被検体中に存在するSS169またはその塩を特異的に検出するために使用することができる。また、SS169類を精製するために使用する抗体カラムの作製、精製時の各分画中のSS169類の検出、被検細胞内におけるSS169の挙動の分析などに使用することができる。

(11) 細胞膜または細胞外におけるSS169の量を変化させる化合物のスクリーニング方法

本発明の抗体は、SS169類を特異的に認識することができるので、細胞膜または細胞外におけるSS169の量を変化させる化合物のスクリーニングに用いることができる。

すなわち本発明は、例えば、

(i) 非ヒト哺乳動物の(1)血液、(2)特定の臓器、(3)臓器から単離した組織もしくは細胞等を破壊した後、細胞膜画分を単離し、細胞膜画分に含まれるSS169を定量することによる、細胞膜におけるSS169の量を変化させる化合物のスクリーニング方法（あるいは、非ヒト哺乳動物の血漿、尿、その他の体液等の細胞外液を分離し、それに含まれるSS169を定量することによる、細胞外におけるSS169の量を変化させる化合物のスクリーニング方法）、

(ii) SS169またはその部分ペプチドを発現する形質転換体等を破壊した後、細胞膜画分を単離し、細胞膜画分に含まれるSS169類を定量することによる、細胞膜におけるSS169の量を変化させる化合物のスクリーニング方法（あるいは、SS169またはその部分ペプチドを発現する形質転換体の培養上清を分離し、該培養上清に含まれるSS169類を定量することによる、細胞外におけるSS169の量を変化させる化合物のスクリーニング方法）、

(iii) 非ヒト哺乳動物の(1)血液、(2)特定の臓器、(3)臓器から単離した組織もしくは細胞等を切片とした後、免疫染色法を用いることにより、細胞表層でのSS169の染色度合いを定量化することにより、細胞膜上のSS169を確認することによる、細胞膜におけるSS169の量を変化させる化合物のスクリーニング方法、

(iv) SS169またはその部分ペプチドを発現する形質転換体等を切片とした後、免疫染色法を用いることにより、細胞表層でのSS169類の染色度合いを定量化することにより、細胞膜上のSS169類を確認することによる、細胞膜におけるSS169類の量を変化させる化合物のスクリーニング方法を提供する。

細胞膜画分に含まれるSS169類の定量は具体的には以下のようにして行なう。

(i) 正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物（例えば、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど、より具体的には、肥満マウス、糖尿病マウス、高血圧ラット、動脈硬化ウサギ、担癌マウスなど）に対して、薬剤（例えば、抗肥満薬、抗糖尿病薬、降圧剤、血管作用薬、抗癌剤など）あるい

は物理的ストレス（例えば、浸水ストレス、電気ショック、明暗、低温など）などを与え、一定時間経過した後に、血液、あるいは特定の臓器（例えば、肝臓、腎臓、脾臓、筋肉など）、組織（例えば、褐色または白色脂肪組織など）あるいは細胞（例えば、脂肪細胞、筋肉細胞など）を得る。得られた細胞等を、例えば、
5 適当な緩衝液（例えば、トリス塩酸緩衝液、リン酸緩衝液、H E P E S 緩衝液など）等に懸濁し、界面活性剤（例えば、トリトンX 1 0 0TM、ツイーン2 0TMなど）などを用いて該細胞等を破壊し、さらに遠心分離や濾過、カラム分画などの手法を用いて細胞膜画分を得る。

細胞膜画分としては、細胞を破碎した後、それ自体公知の方法で得られる細胞
10 膜が多く含まれる画分のことをいう。細胞の破碎方法としては、Potter-Elvehjem型ホモジナイザーで細胞を押し潰す方法、ワーリングブレンダーやポリトロン（Kinematica社製）のよる破碎、超音波による破碎、フレンチプレスなどで加圧しながら細胞を細いノズルから噴出させることによる破碎などが挙げられる。細胞膜の分画には、分画遠心分離法や密度勾配遠心分離法などの遠心力による分画法が主として用いられる。例えば、細胞破碎液を低速（5 0 0 r p m ~ 3
15 0 0 0 r p m）で短時間（通常、約1 ~ 1 0 分）遠心し、上清をさらに高速（1 5 0 0 0 r p m ~ 3 0 0 0 0 r p m）で通常3 0 分 ~ 2 時間遠心し、得られる沈澱を膜画分とする。該膜画分中には、SS169類と細胞由来のリン脂質や膜蛋白質などの膜成分が多く含まれる。

20 細胞膜画分に含まれるSS169類は、例えば、本発明の抗体を用いたサンドイッチ免疫測定法、ウエスタンブロット解析などにより定量することができる。

かかるサンドイッチ免疫測定法は前述の方法と同様にして行なうことができ、ウエスタンブロットは自体公知の手段により行なうことができる。

(ii) SS169またはその部分ペプチドを発現する形質転換体を前述の方法に従って作製し、細胞膜画分に含まれるSS169類を定量することができる。
25

細胞膜におけるSS169の量を変化させる化合物のスクリーニングは、

(i) 正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物に対して、薬剤あるいは物理的ストレスなどを与える一定時間前（30分前ないし24時間前、好ましくは30分前ないし12時間前、より好ましくは1時間前ないし6時間前）もしくは一定時間後（30分後ないし3日後、好ましくは1時間後ないし2日後、より好ましくは1時間後ないし24時間後）、または薬剤あるいは物理的ストレスと同時に被検化合物を投与し、投与後一定時間経過後（30分後ないし3日後、好ましくは1時間後ないし2日後、より好ましくは1時間後ないし24時間後）、細胞膜におけるSS169の量を定量することにより行なうことができ、

(ii) 形質転換体を常法に従い培養する際に被検化合物を培地中に混合させ、一定時間培養後（1日後ないし7日後、好ましくは1日後ないし3日後、より好ましくは2日後ないし3日後）、細胞膜におけるSS169類の量を定量することにより行なうことができる。

細胞膜画分に含まれるSS169類の確認は、具体的には以下のようにして行なう。

(iii) 正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物（例えば、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど、より具体的には、肥満マウス、糖尿病マウス、高血圧ラット、動脈硬化ウサギ、担癌マウスなど）に対して、薬剤（例えば、抗肥満薬、抗糖尿病薬、降圧剤、血管作用薬、抗癌剤など）あるいは物理的ストレス（例えば、浸水ストレス、電気ショック、明暗、低温など）などを与え、一定時間経過した後に、血液、あるいは特定の臓器（例えば、肝臓、腎臓、脾臓、筋肉など）、組織（例えば、褐色または白色脂肪組織など）あるいは細胞（例えば、脂肪細胞、筋肉細胞など）を得る。得られた細胞等を、常法に従って組織切片とし、本発明の抗体を用いて免疫染色を行う。細胞表層でのSS169の染色度合いを定量化することによって、細胞膜上のSS169を確認することにより、定量的または定性的に、細胞膜におけるSS169類の量を確認することができる。

(iv) SS169またはその部分ペプチドを発現する形質転換体等を用いて同様の手

段をとることにより確認することもできる。

上記スクリーニング方法について、SS169が膜蛋白質である場合の、細胞膜におけるSS169の量を変化させる化合物のスクリーニング方法を取り上げて具体的に説明したが、当業者は、上記の手法を応用して、SS169が分泌蛋白質である場合の、細胞外におけるSS169の量を変化させる化合物のスクリーニングについても容易に実施し得ることはいうまでもない。

上記スクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩は、細胞膜あるいは細胞外におけるSS169の量を変化させる作用を有する化合物であり、具体的には、（イ）細胞膜あるいは細胞外におけるSS169の量を増加させることにより、リガンドーレセプター相互作用を介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を増強させる化合物、（ロ）細胞膜あるいは細胞外におけるSS169の量を減少させることにより、該細胞刺激活性を減弱させる化合物である。

該化合物としては、ペプチド、蛋白質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

該細胞刺激活性を増強させる化合物は、SS169の生理活性を増強するための安全で低毒性な医薬として有用である。

該細胞刺激活性を減弱させる化合物は、SS169の生理活性を減少させるための安全で低毒性な医薬として有用である。

上記スクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩を医薬として使用する場合、前記「SS169の機能不全に関連する疾患の予防・治療剤」と同様にして製剤化することができる。

このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、哺乳動物

(例えば、ヒト、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど) に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、糖・脂質代謝異常患者

5 (体重60kgとして) においては、一日につき約0.1~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、糖・脂質代謝異常患者(体重60kgとして) においては、一日につき約0.01~30mg程度、
10 好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を投与するのが好都合である。投与対象がヒト以外の場合も、体重60kgあたりに換算した量を投与することができる。

(12) 細胞膜あるいは細胞外におけるSS169の量を変化させる化合物を含有する各種疾患の予防・治療剤

15 SS169は前述のとおり、ほぼ骨格筋特異的に発現し、糖尿病モデルマウスや絶食後再給餌において高発現すること等から、骨格筋細胞の分化および/または代謝(特に糖・脂質代謝)の調節に重要な役割を果たしていると考えられる。従って、細胞膜あるいは細胞外におけるSS169の量を変化させる化合物は、骨格筋細胞の分化および/または代謝異常(不全もしくは亢進)が関与する疾患(例えば、
20 肥満症、糖尿病、耐糖能異常、動脈硬化、高血圧、高脂血症など)の予防・治療剤として用いることができる。

該化合物をSS169の機能不全もしくは亢進に関連する疾患の予防・治療剤として使用する場合は、前記「SS169の機能不全に関連する疾患の予防・治療剤」と同様にして製剤化することができる。

25 このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、哺乳動物(例えば、ヒト、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルな

ど) に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重 60 kg として）においては、一日につき約 0.1～100 mg、好ましくは約 1.0～50 mg、より好ましくは約 1.0～20 mg である。非経口的に投与する場合は、その 1 回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重 60 kg として）においては、一日につき約 0.01～30 mg 程度、好ましくは約 0.1～20 mg 程度、より好ましくは約 0.1～10 mg 程度を投与するのが好都合である。投与対象がヒト以外の場合も、体重 60 kg 当りに換算した量を投与することができる。

本明細書において SS169 の「調節薬」とは、SS169 の発現（転写、翻訳、翻訳後修飾等を含む）、量（膜／細胞外への輸送、安定性等を含む）、活性（レセプター（もしくはリガンド）結合活性、シグナル情報伝達作用等を含む）のいずれかを調節（促進もしくは抑制）し得る化合物を包括的に意味する用語として用いられる。従って、例えば、上記した SS169 の発現量を変化させる化合物、SS169 と SS169 に対して特異的親和性を有する化合物（アゴニスト、アンタゴニストなど）、細胞膜あるいは細胞外における SS169 の量を変化させる化合物等が SS169 調節薬として挙げられる。これらの化合物は、それぞれ上記したスクリーニング方法を実施することにより取得することができる。

SS169 調節薬は、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常（特に糖・脂質代謝異常）が関与する疾患の予防・治療剤として用いることができる。即ち、SS169 の発現量を変化させる化合物を含有する各種疾患の予防・治療剤、SS169 と SS169 に対して特異的親和性を有する化合物（アゴニスト、アンタゴニストなど）を含有する各種疾患の予防・治療剤、細胞膜あるいは細胞外における SS169 の量を変化させる化合物を含有する各種疾患の予防・治療剤に関して上記した通

りに、製剤化および投与することができる。

(13) SS169をコードするDNAを有する非ヒトトランスジェニック動物の作製

本発明は、外来性のSS169をコードするDNA（以下、本発明の外来性DNA
5 と略記する）またはその変異DNA（本発明の外来性変異DNAと略記する場合がある）を有する非ヒト哺乳動物を提供する。

すなわち、本発明は、

[1] 本発明の外来性DNAまたはその変異DNAを有する非ヒト哺乳動物、

[2] 非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第[1]記載の動物、

10 [3] ゲッ歯動物がマウスまたはラットである第[2]記載の動物、および

[4] 本発明の外来性DNAまたはその変異DNAを含有し、哺乳動物において発現しうる組換えベクターを提供するものである。

本発明の外来性DNAまたはその変異DNAを有する非ヒト哺乳動物（以下、本発明のDNA転移動物と略記する）は、未受精卵、受精卵、精子およびその始
15 原細胞を含む胚芽細胞などに対して、好ましくは、非ヒト哺乳動物の発生における胚発生の段階（さらに好ましくは、単細胞または受精卵細胞の段階でかつ一般に8細胞期以前）に、リン酸カルシウム法、電気パルス法、リポフェクション法、凝集法、マイクロインジェクション法、パーティクルガン法、DEAE-デキストラン法などにより目的とするDNAを転移することによって作出することができる。また、該DNA転移方法により、体細胞、生体の臓器、組織細胞などに目的とする本発明の外来性DNAを転移し、細胞培養、組織培養などに利用することもでき、さらに、これら細胞を上述の胚芽細胞と自体公知の細胞融合法により融合させることにより本発明のDNA転移動物を作成することもできる。

非ヒト哺乳動物としては、例えば、ウシ、ブタ、ヒツジ、ヤギ、ウサギ、イヌ、
25 ネコ、モルモット、ハムスター、マウス、ラットなどが用いられる。なかでも、病体動物モデル系の作成の面から個体発生および生物サイクルが比較的短く、ま

た、繁殖が容易なゲッ歯動物、とりわけマウス（例えば、純系として、C57BL/6系統、DBA2系統など、交雑系として、B6C3F₁系統、BDF₁系統、B6D2F₁系統、BALB/c系統、ICR系統など）またはラット（例えば、Wistar, SDなど）などが好ましい。

- 5 哺乳動物において発現しうる組換えベクターにおける「哺乳動物」としては、上記の非ヒト哺乳動物の他にヒトなどがあげられる。

本発明の外来性DNAとは、非ヒト哺乳動物が本来有している本発明のDNAではなく、いったん哺乳動物から単離・抽出された本発明のDNAをいう。

- 10 本発明の変異DNAとしては、元の本発明のDNAの塩基配列に変異（例えば、突然変異など）が生じたもの、具体的には、塩基の付加、欠失、他の塩基への置換などが生じたDNAなどが用いられ、また、異常DNAも含まれる。

該異常DNAとしては、異常なSS169を発現させるDNAを意味し、例えば、正常なSS169の機能を抑制する蛋白質等を発現させるDNAなどが用いられる。

- 15 本発明の外来性DNAは、対象とする動物と同種あるいは異種のどちらの哺乳動物由来のものであってもよい。本発明のDNAを対象動物に転移させるにあたっては、該DNAを動物細胞で発現させうるプロモーターの下流に結合したDNAコンストラクトとして用いるのが一般に有利である。例えば、本発明のヒトDNAを転移させる場合、これと相同性が高い本発明のDNAを有する各種哺乳動物（例えば、ウサギ、イヌ、ネコ、モルモット、ハムスター、ラット、マウスなど）由来のDNAを発現させうる各種プロモーターの下流に、本発明のヒトDNAを結合したDNAコンストラクト（例、ベクターなど）を対象哺乳動物の受精卵、例えば、マウス受精卵へマイクロインジェクションすることによって本発明のDNAを高発現するDNA転移哺乳動物を作出することができる。
- 20

- 25 本発明のDNAを担持させる発現ベクターとしては、大腸菌由来のプラスミド、枯草菌由来のプラスミド、酵母由来のプラスミド、 λ ファージなどのバクテリオファージ、モロニー白血病ウィルスなどのレトロウィルス、ワクシニアウィルス

またはバキュロウイルスなどの動物ウイルスなどが用いられる。なかでも、大腸菌由来のプラスミド、枯草菌由来のプラスミドまたは酵母由来のプラスミドなどが好ましく用いられる。

上記のDNA発現調節を行なうプロモーターとしては、例えば、(1)ウイルス
5 (例、シミアンウイルス、サイトメガロウイルス、モロニーマウス白血病ウイルス、JCウイルス、乳癌ウイルス、ポリオウイルスなど) に由来するDNAのプロモーター、(2)各種哺乳動物 (ヒト、ウサギ、イヌ、ネコ、モルモット、ハムスター、ラット、マウスなど) 由来のプロモーター、例えば、アルブミン、インスリンI I、ウロプラキンI I、エラスターゼ、エリスロポエチン、エンドセリン、
10 筋クレアチンキナーゼ、グリア線維性酸性蛋白質、グルタチオンS-トランスフェラーゼ、血小板由来成長因子 β 、ケラチンK1, K10およびK14、コラーゲンI型およびII型、サイクリックAMP依存蛋白質キナーゼ β Iサブユニット、ジストロフィン、酒石酸抵抗性アルカリフォスファターゼ、心房ナトリウム利尿性因子、
15 内皮レセプターチロシンキナーゼ (一般にTie2と略される)、ナトリウムカリウムアデノシン3リン酸化酵素 (Na, K-ATPase)、ニューロフィラメント軽鎖、メタロチオネインIおよびIIA、メタロプロティナーゼ1組織インヒビター、MHCクラスI抗原 (H-2L)、H-ras、レニン、ドーパミン β -水酸化酵素、甲状腺ペルオキシダーゼ (TPO)、
20 ペプチド鎖延長因子1 α (EF-1 α)、 β アクチン、 α および β ミオシン重鎖、ミオシン軽鎖1および2、ミエリン基礎蛋白質、チログロブリン、Thy-1、免疫グロブリン、H鎖可変部 (VNP)、血清アミロイドPコンポーネント、ミオグロビン、トロポニンC、平滑筋 α アクチン、プレプロエンケファリンA、パソプレシンなどのプロモーターなどが用いられる。なかでも、全身で高発現することが可能なサイトメガロウイルスプロモーター、ヒトペプチド鎖延長因子1 α
25 (EF-1 α) のプロモーター、ヒトおよびニワトリ β アクチンプロモーターなどが好適である。

上記ベクターは、DNA転移哺乳動物において目的とするメッセンジャーRNAの転写を終結する配列（一般にターミネターと呼ばれる）を有していることが好ましく、例えば、ウイルス由来および各種哺乳動物由来の各DNAの配列を用いることができ、好ましくは、シミアンウイルスのSV40ターミネターなどが用いられる。

その他、目的とする外来性DNAをさらに高発現させる目的で各DNAのスプライシングシグナル、エンハンサー領域、真核DNAのイントロンの一部などをプロモーター領域の5'上流、プロモーター領域と翻訳領域間あるいは翻訳領域の3'下流に連結することも目的により可能である。

正常なSS169の翻訳領域は、各種哺乳動物（例えば、ヒト、ウサギ、イヌ、ネコ、モルモット、ハムスター、ラット、マウスなど）由来の肝臓、腎臓、脂肪組織、筋肉由来DNAおよび市販の各種ゲノムDNAライブラリーよりゲノムDNAの全てあるいは一部として、または前記臓器または組織由来のRNAより公知の方法により調製されたcDNAを原料として取得することが出来る。また、外来性の異常DNAは、上記の細胞または組織より得られた正常なSS169の翻訳領域を点突然変異誘発法により変異させた翻訳領域を作製することによって得ることができる。

該翻訳領域は転移動物において発現しうるDNAコンストラクトとして、前記のプロモーターの下流（および所望により転写終結部位の上流）に連結させる通常のDNA工学的手法により作製することができる。

受精卵細胞段階における本発明の外来性DNAの転移は、対象哺乳動物の胚芽細胞および体細胞のすべてに存在するように確保される。DNA転移後の作出動物の胚芽細胞において、本発明の外来性DNAが存在することは、作出動物の後代がすべて、その胚芽細胞および体細胞のすべてに本発明の外来性DNAを保持することを意味する。本発明の外来性DNAを受け継いだこの種の動物の子孫はその胚芽細胞および体細胞のすべてに本発明の外来性DNAを有する。

本発明の外来性正常DNAを転移させた非ヒト哺乳動物は、交配により外来性DNAを安定に保持することを確認して、該DNA保有動物として通常の飼育環境で継代飼育することが出来る。

受精卵細胞段階における本発明の外来性DNAの転移は、対象哺乳動物の胚芽細胞および体細胞の全てに過剰に存在するように確保される。DNA転移後の作出動物の胚芽細胞において本発明の外来性DNAが過剰に存在することは、作出動物の子孫が全てその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の外来性DNAを過剰に有することを意味する。本発明の外来性DNAを受け継いだこの種の動物の子孫はその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の外来性DNAを過剰に有する。

導入DNAを相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得し、この雌雄の動物を交配することによりすべての子孫が該DNAを過剰に有するように繁殖継代することができる。

本発明の正常DNAを有する非ヒト哺乳動物は、本発明の正常DNAが高発現させられており、内在性の正常DNAの機能を増強することにより最終的にSS169の機能亢進症を発症することがあり、その病態モデル動物として利用することができる。例えば、本発明の正常DNA転移動物を用いて、SS169の機能亢進症や、SS169が関連する疾患の病態機序の解明およびこれらの疾患の治療方法の検討を行なうことが可能である。

また、本発明の外来性正常DNAを転移させた哺乳動物は、遊離したSS169の増加症状を有することから、SS169に関連する疾患に対する治療薬のスクリーニング試験にも利用可能である。

一方、本発明の外来性異常DNAを有する非ヒト哺乳動物は、交配により外来性DNAを安定に保持することを確認して該DNA保有動物として通常の飼育環境で継代飼育することが出来る。さらに、目的とする外来DNAを前述のプラスミドに組み込んで原料として用いることができる。プロモーターとのDNAコンストラクトは、通常のDNA工学的手法によって作製することができる。受精卵

細胞段階における本発明の異常DNAの転移は、対象哺乳動物の胚芽細胞および体細胞の全てに存在するように確保される。DNA転移後の作出動物の胚芽細胞において本発明の異常DNAが存在することは、作出動物の子孫が全てその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の異常DNAを有することを意味する。本発明の外来性DNAを受け継いだこの種の動物の子孫は、その胚芽細胞および体細胞の全てに本発明の異常DNAを有する。導入DNAを相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得し、この雌雄の動物を交配することによりすべての子孫が該DNAを有するように繁殖継代することができる。

本発明の異常DNAを有する非ヒト哺乳動物は、本発明の異常DNAが高発現させられており、内在性の正常DNAの機能を阻害することにより最終的にSS169の機能不活性型不応症となることがあり、その病態モデル動物として利用することができる。例えば、本発明の異常DNA転移動物を用いて、SS169の機能不活性型不応症の病態機序の解明およびこの疾患を治療方法の検討を行なうことが可能である。

また、具体的な利用可能性としては、本発明の異常DNA高発現動物は、SS169の機能不活性型不応症における異常SS169による正常SS169の機能阻害(dominant negative作用)を解明するモデルとなる。

また、本発明の外来異常DNAを転移させた哺乳動物は、遊離した異常SS169の増加症状を有することから、SS169の機能不活性型不応症に対する治療薬スクリーニング試験にも利用可能である。

また、上記2種類の本発明のDNA転移動物のその他の利用可能性として、例えば、

(1)組織培養のための細胞源としての使用、

(2)本発明のDNA転移動物の組織中のDNAもしくはRNAを直接分析するか、または産生されたSS169を分析することによる、SS169により特異的に発現あるいは活性化する蛋白質等との関連性についての解析、

(3) DNAを有する組織の細胞を標準組織培養技術により培養し、これらを使用しての、一般に培養困難な組織からの細胞の機能の研究、

(4) 上記(3)記載の細胞を用いることによる細胞の機能を高めるような薬剤のスクリーニング、および

5 (5) 変異SS169の単離精製およびその抗体作製などが考えられる。

さらに、本発明のDNA転移動物を用いて、SS169の機能不活性型不応症などを含む、SS169に関連する疾患の臨床症状を調べることができ、また、SS169に関連する疾患モデルの各臓器におけるより詳細な病理学的所見が得られ、新しい治療方法の開発、さらには、該疾患による二次的疾患の研究および治療に貢献することができ

10

また、本発明のDNA転移動物から各臓器を取り出し、細切後、トリプシンなどの蛋白質分解酵素により、遊離したDNA転移細胞の取得、その培養またはその培養細胞の系統化を行なうことが可能である。さらに、SS169産生細胞の特定化、アポトーシス、分化あるいは増殖との関連性、またはそれらにおけるシグナル伝達機構を調べ、それらの異常を調べることなどができ、SS169の作用解明のための有効な研究材料となる。

15

さらに、本発明のDNA転移動物を用いて、SS169の機能不活性型不応症を含む、SS169に関連する疾患の治療薬の開発を行なうために、上述の検査法および定量法などを用いて、有効で迅速な該疾患治療薬のスクリーニング法を提供することが可能となる。また、本発明のDNA転移動物または本発明の外來性DNA発現ベクターを用いて、SS169が関連する疾患のDNA治療法を検討、開発することが可能である。

20

(14) SS169をコードする遺伝子が不活性化された非ヒトノックアウト動物の作製

25

本発明は、本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞および本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物を提供する。

すなわち、本発明は、

〔1〕本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞、

〔2〕該DNAがレポーター遺伝子（例、大腸菌由来の β -ガラクトシダーゼ遺伝子）を導入することにより不活性化された第〔1〕項記載の胚幹細胞、

5 〔3〕ネオマイシン耐性である第〔1〕項記載の胚幹細胞、

〔4〕非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第〔1〕項記載の胚幹細胞、

〔5〕ゲッ歯動物がマウスである第〔4〕項記載の胚幹細胞、

〔6〕本発明のDNAが不活性化された該DNA発現不全非ヒト哺乳動物、

10 〔7〕該DNAがレポーター遺伝子（例、大腸菌由来の β -ガラクトシダーゼ遺伝子）を導入することにより不活性化され、該レポーター遺伝子が本発明のDNAに対するプロモーターの制御下で発現しうる第〔6〕項記載の非ヒト哺乳動物、

〔8〕非ヒト哺乳動物がゲッ歯動物である第〔6〕項記載の非ヒト哺乳動物、

〔9〕ゲッ歯動物がマウスである第〔8〕項記載の非ヒト哺乳動物、および

15 〔10〕第〔7〕項記載の動物に、試験化合物を投与し、レポーター遺伝子の発現を検出することを特徴とする本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞とは、該非ヒト哺乳動物が有する本発明のDNAに人為的に変異を加えることにより、DNAの発現能を抑制するか、もしくは該DNAがコードしているSS169の活性を実質的に喪失させることにより、DNAが実質的にSS169の発現能を有しない（以下、本発明のノックアウトDNAと称することがある）非ヒト哺乳動物の胚幹細胞（以下、ES細胞と略記する）をいう。

非ヒト哺乳動物としては、前記と同様のものが用いられる。

25 本発明のDNAに人為的に変異を加える方法としては、例えば、遺伝子工学的手法により該DNA配列の一部又は全部の削除、他DNAを挿入または置換させることによって行なうことができる。これらの変異により、例えば、コドンの読

み取り枠をずらしたり、プロモーターあるいはエキソンの機能を破壊することにより本発明のノックアウトDNAを作製すればよい。

本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞（以下、本発明のDNA不活性化ES細胞または本発明のノックアウトES細胞と略記する）の具体例としては、例えば、目的とする非ヒト哺乳動物が有する本発明のDNAを単離し、そのエキソン部分にネオマイシン耐性遺伝子、ハイグロマイシン耐性遺伝子を代表とする薬剤耐性遺伝子、あるいはlacZ（ β -ガラクトシダーゼ遺伝子）、cat（クロラムフェニコールアセチルトランスフェラーゼ遺伝子）を代表とするレポーター遺伝子等を挿入することによりエキソンの機能を破壊するか、あるいはエキソン間のイントロン部分に遺伝子の転写を終結させるDNA配列（例えば、poly A付加シグナルなど）を挿入し、完全なmRNAを合成できなくすることによって、結果的に遺伝子を破壊するように構築したDNA配列を有するDNA鎖（以下、ターゲッティングベクターと略記する）を、例えば相同組換え法により該動物の染色体に導入し、得られたES細胞について本発明のDNA上あるいはその近傍のDNA配列をプローブとしたサザンハイブリダイゼーション解析あるいはターゲッティングベクター上のDNA配列とターゲッティングベクター作製に使用した本発明のDNA以外の近傍領域のDNA配列をプライマーとしたPCR法により解析し、本発明のノックアウトES細胞を選別することにより得ることができる。

また、相同組換え法等により本発明のDNAを不活化させる元のES細胞としては、例えば、前述のような既に樹立されたものを用いてもよく、また公知のEvansとKaufmanの方法に準じて新しく樹立したものでもよい。例えば、マウスのES細胞の場合、現在、一般的には129系のES細胞が使用されているが、免疫学的背景がはっきりしていないので、これに代わる純系で免疫学的に遺伝的背景が明らかなES細胞を取得するなどの目的で例えば、C57BL/6マウスやC57BL/6の採卵数の少なさをDBA/2との交雑により改善したBDF₁

マウス (C 5 7 B L / 6 と D B A / 2 との F_1) を用いて樹立したものなども良好に用いる。B D F_1 マウスは、採卵数が多く、かつ、卵が丈夫であるという利点に加えて、C 5 7 B L / 6 マウスを背景に持つので、これを用いて得られた E S 細胞は病態モデルマウスを作出したとき、C 5 7 B L / 6 マウスとバッククロスすることでその遺伝的背景をC 5 7 B L / 6 マウスに代えることが可能である点で有利に用い得る。

また、E S 細胞を樹立する場合、一般には受精後 3.5 日目の胚盤胞を使用するが、これ以外に 8 細胞期胚を採卵し胚盤胞まで培養して用いることにより効率よく多数の初期胚を取得することができる。

また、雌雄いずれの E S 細胞を用いてもよいが、通常雄の E S 細胞の方が生殖系列キメラを作出するのに都合が良い。また、煩雑な培養の手間を削減するためにもできるだけ早く雌雄の判別を行なうことが望ましい。

E S 細胞の雌雄の判定方法としては、例えば、P C R 法により Y 染色体上の性決定領域の遺伝子を増幅、検出する方法が、その 1 例としてあげることができる。この方法を使用すれば、従来、核型分析をするのに約 10^6 個の細胞数を要していたのに対して、1 コロニー程度の E S 細胞数 (約 50 個) で済むので、培養初期における E S 細胞の第一次セクションを雌雄の判別で行なうことが可能であり、早期に雄細胞の選定を可能にしたことにより培養初期の手間は大幅に削減できる。

また、第二次セクションとしては、例えば、G-バンディング法による染色体数の確認等により行うことができる。得られる E S 細胞の染色体数は正常数の 100% が望ましいが、樹立の際の物理的操作等の関係上困難な場合は、E S 細胞の遺伝子をノックアウトした後、正常細胞 (例えば、マウスでは染色体数が $2n = 40$ である細胞) に再びクローニングすることが望ましい。

このようにして得られた胚幹細胞株は、通常その増殖性は大変良いが、個体発生できる能力を失いやすいので、注意深く継代培養することが必要である。例え

ば、STO繊維芽細胞のような適当なフィーダー細胞上でLIF（1－10000 U/ml）存在下に炭酸ガス培養器内（好ましくは、5%炭酸ガス、95%空気または5%酸素、5%炭酸ガス、90%空気）で約37℃で培養するなどの方法で培養し、継代時には、例えば、トリプシン/EDTA溶液（通常0.001－0.5%トリプシン/0.1－5 mM EDTA、好ましくは約0.1%トリプシン/1 mM EDTA）処理により単細胞化し、新たに用意したフィーダー細胞上に播種する方法などがとられる。このような継代は、通常1－3日毎に行なうが、この際に細胞の観察を行い、形態的に異常な細胞が見受けられた場合はその培養細胞は放棄することが望まれる。

ES細胞は、適当な条件により、高密度に至るまで単層培養するか、または細胞集塊を形成するまで浮遊培養することにより、頭頂筋、内臓筋、心筋などの種々のタイプの細胞に分化させることが可能であり [M. J. Evans及びM. H. Kaufman, ネイチャー (Nature) 第292巻、154頁、1981年; G. R. Martin, プロシーディングス・オブ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンス・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.) 第78巻、7634頁、1981年; T. C. Doetschman ら、ジャーナル・オブ・エンブリオロジー・アンド・エクスペリメンタル・モルフォロジー (J. Embryol. Exp. Morphol.)、第87巻、27頁、1985年]、本発明のES細胞を分化させて得られる本発明のDNA発現不全細胞は、インビトロにおけるSS169またはSS169の細胞生物学的検討において有用である。

本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、該動物のmRNA量を公知方法を用いて測定して間接的にその発現量を比較することにより、正常動物と区別することが可能である。

該非ヒト哺乳動物としては、前記と同様のものが用いられる。

本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、例えば、前述のようにして作製したターゲッティングベクターをマウス胚幹細胞またはマウス卵細胞に導入し、導

入されたターゲッティングベクター中の本発明のDNAが不活性化されたDNA配列が遺伝子相同組換えにより、マウス胚幹細胞またはマウス卵細胞の染色体上の本発明のDNAと入れ換わる相同組換えをさせることにより、本発明のDNAをロックアウトさせることができる。哺乳動物における組換えの多くは非相同的であるため、相同組換えを起こした細胞をスクリーニングする手段として、例えば、本発明のDNAの内部にネオマイシン耐性遺伝子などの薬剤耐性遺伝子を挿入するとともに、本発明のDNAの近傍にチミジンキナーゼ（tk）遺伝子を含むターゲッティングベクターを構築して胚幹細胞または卵細胞に導入し、挿入された薬剤耐性遺伝子に対応する薬剤（例えば、ネオマイシン耐性遺伝子であればG418等）およびガンシクロビル存在下で生存する細胞を選択する方法が挙げられる。即ち、相同組換えにより本発明の挿入変異DNAが染色体上に組み込まれた場合、tk遺伝子は排除されるのでガンシクロビル耐性であるが、非相同組換えで組み込まれた場合はtk遺伝子も同時に組み込まれるためガンシクロビル感受性となる。また、tk遺伝子の代わりにジフテリア毒素遺伝子などを用いれば、ランダム挿入された細胞は該毒素の産生により死滅するので、単一の薬剤での選択が可能となる。

本発明のDNAがロックアウトされた細胞の最終的な確認は、本発明のDNA上またはその近傍のDNA配列をプローブとしたサザンハイブリダイゼーション解析またはターゲッティングベクター上のDNA配列と、ターゲッティングベクターに使用したマウス由来の本発明のDNA以外の近傍領域のDNA配列とをプライマーとしたPCR法による解析を用いて行なうことができる。

非ヒト哺乳動物胚幹細胞を用いた場合は、遺伝子相同組換えにより、本発明のDNAが不活性化された細胞株をクローニングし、その細胞を適当な時期、例えば、8細胞期の非ヒト哺乳動物胚または胚盤胞に注入し、作製したキメラ胚を偽妊娠させた該非ヒト哺乳動物の子宮に移植する。作出された動物は正常な本発明のDNA座をもつ細胞と人為的に変異した本発明のDNA座をもつ細胞との両者

から構成されるキメラ動物である。

該キメラ動物の生殖細胞の一部が変異した本発明のDNA座をもつ場合、このようなキメラ個体と正常個体を交配することにより得られた個体群より、全ての組織が人為的に変異を加えた本発明のDNA座をもつ細胞で構成された個体を、
5 例えば、コートカラーの判定等により選別することにより得られる。このようにして得られた個体は、通常ヘテロ発現不全個体であるので、当該ヘテロ発現不全個体同志を交配し、それらの産仔から本発明の蛋白質のホモ発現不全個体を得ることができる。

卵細胞を使用する場合は、例えば、卵細胞核内にマイクロインジェクション法
10 でDNA溶液を注入することによりターゲッティングベクターを染色体内に導入したトランスジェニック非ヒト哺乳動物を得ることができ、これらのトランスジェニック非ヒト哺乳動物から、遺伝子相同組換えにより本発明のDNA座に変異のあるものを選択することにより得られる。

このようにして本発明のDNAがロックアウトされている個体は、交配により
15 得られた動物個体も該DNAがロックアウトされていることを確認して通常の飼育環境で飼育継代を行なうことができる。

さらに、生殖系列の取得および保持についても常法に従えばよい。すなわち、該不活化DNAの保有する雌雄の動物を交配することにより、該不活化DNAを相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得しうる。得られたホモザイゴ
20 ート動物は、母親動物に対して、正常個体1，ホモザイゴート複数になるような状態で飼育することにより効率的に得ることができる。ヘテロザイゴート動物の雌雄を交配することにより、該不活化DNAを有するホモザイゴートおよびヘテロザイゴート動物を繁殖継代する。

本発明のDNAが不活性化された非ヒト哺乳動物胚幹細胞は、本発明のDNA
25 発現不全非ヒト哺乳動物を作出する上で、非常に有用である。

また、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、SS169により誘導され得る

種々の生物活性を欠失するため、SS169の生物活性の不活性化を原因とする疾患のモデルとなり得るので、これらの疾患の原因究明及び治療法の検討に有用である。

5 (14a) 本発明のDNAの欠損や損傷などに起因する疾患に対して治療・予防効果を有する化合物のスクリーニング方法

本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、本発明のDNAの欠損や損傷などに起因する疾患に対して治療・予防効果を有する化合物のスクリーニングに用いることができる。

10 すなわち、本発明は、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物に試験化合物を投与し、該動物の変化を観察・測定することを特徴とする、本発明のDNAの欠損や損傷などに起因する疾患に対して治療・予防効果を有する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

該スクリーニング方法において用いられる本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物としては、前記と同様のものがあげられる。

15 試験化合物としては、例えば、ペプチド、蛋白質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液、血漿などがあげられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。

20 具体的には、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物を、試験化合物で処理し、無処理の対照動物と比較し、該動物の各器官、組織、疾患の症状などの変化を指標として試験化合物の治療・予防効果を試験することができる。

25 試験動物を試験化合物で処理する方法としては、例えば、経口投与、静脈注射などが用いられ、試験動物の症状、試験化合物の性質などにあわせて適宜選択することができる。また、試験化合物の投与量は、投与方法、試験化合物の性質などにあわせて適宜選択することができる。

該スクリーニング方法において、試験動物に試験化合物を投与した場合、該試

験動物の血糖値が約10%以上、好ましくは約30%以上、より好ましくは約50%以上低下した場合、該試験化合物を上記の疾患に対して治療・予防効果を有する化合物として選択することができる。

該スクリーニング方法を用いて得られる化合物は、上記した試験化合物から選ばれた化合物であり、SS169の欠損や損傷などによって引き起こされる疾患、例えば、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患（例：肥満症、糖尿病、耐糖能異常、動脈硬化、高血圧、高脂血症など）に対する安全で低毒性な治療・予防剤などの医薬として使用することができる。さらに、上記スクリーニングで得られた化合物から誘導される化合物も同様に用いることができる。

該スクリーニング方法で得られた化合物は塩を形成していてもよく、該化合物の塩としては、生理学的に許容される酸（例、無機酸、有機酸など）や塩基（例、アルカリ金属など）などとの塩が用いられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば、無機酸（例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸など）との塩、あるいは有機酸（例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蔞酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸など）との塩などが用いられる。

該スクリーニング方法で得られた化合物またはその塩を医薬として使用する場合は、前記「SS169の機能不全に関連する疾患の予防・治療剤」と同様にして製剤化することができる。

このようにして得られる製剤は、安全で低毒性であるので、例えば、哺乳動物（例えば、ヒト、ラット、マウス、モルモット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ウマ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

該化合物またはその塩の投与量は、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、該化合物を経口投与する場合、一般的に例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60kgとして）においては、一日につき約0.1～1

0.0 mg、好ましくは約1.0～50 mg、より好ましくは約1.0～20 mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60 kgとして）においては、一日につき約0.0
5 1～30 mg程度、好ましくは約0.1～20 mg程度、より好ましくは約0.1～10 mg程度を投与するのが好都合である。投与対象がヒト以外の場合も、体重60 kgあたりに換算した量を投与することができる。

（14b）本発明のDNAに対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物のスクリーニング方法

10. 本発明は、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物に、試験化合物を投与し、レポーター遺伝子の発現を検出することを特徴とする本発明のDNAに対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

- 15 上記スクリーニング方法において、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物としては、前記した本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物の中でも、本発明のDNAがレポーター遺伝子を導入することにより不活性化され、該レポーター遺伝子が本発明のDNAに対するプロモーターの制御下で発現しうるものが用いられる。

試験化合物としては、前記と同様のものがあげられる。

- 20 レポーター遺伝子としては、前記と同様のものが用いられ、 β -ガラクトシダーゼ遺伝子（lacZ）、可溶性アルカリフォスファターゼ遺伝子またはルシフェラーゼ遺伝子などが好適である。

- 25 本発明のDNAをレポーター遺伝子で置換された本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物では、レポーター遺伝子が本発明のDNAに対するプロモーターの支配下に存在するので、レポーター遺伝子がコードする物質の発現をトレースすることにより、プロモーターの活性を検出することができる。

例えば、SS169をコードするDNA領域の一部を大腸菌由来の β -ガラクトシダーゼ遺伝子 (lacZ) で置換している場合、本来、SS169の発現する組織で、SS169の代わりに β -ガラクトシダーゼが発現する。従って、例えば、5-プロモ-4-クロロ-3-インドリル- β -ガラクトピラノシド (X-gal) のような β -ガラクトシダーゼの基質となる試薬を用いて染色することにより、簡便にSS169の動物生体内における発現状態を観察することができる。具体的には、SS169を欠損するマウスまたはその組織切片をグルタルアルデヒドなどで固定し、リン酸緩衝生理食塩液 (PBS) で洗浄後、X-galを含む染色液で、室温または37℃付近で、約30分ないし1時間反応させた後、組織標本を1mM EDTA/PBS溶液で洗浄することによって、 β -ガラクトシダーゼ反応を停止させ、呈色を観察すればよい。また、常法に従い、lacZをコードするmRNAを検出してもよい。

上記スクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩は、上記した試験化合物から選ばれた化合物であり、本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進または阻害する化合物である。

該スクリーニング方法で得られた化合物は塩を形成していてもよく、該化合物の塩としては、生理学的に許容される酸 (例、無機酸など) や塩基 (例、有機酸など) などとの塩が用いられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば、無機酸 (例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸など) との塩、あるいは有機酸 (例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蔞酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸など) との塩などが用いられる。

本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進する化合物またはその塩は、SS169の発現を促進し、SS169の機能を促進することができるので、例えば、SS169の機能不全に関連する疾患などの予防・治療薬などの医薬として有用である。

本発明のDNAに対するプロモーター活性を阻害する化合物またはその塩は、SS169の発現を阻害し、SS169の機能を阻害することができるので、例えば、SS169の発現過多に関連する疾患などの予防・治療薬などの医薬として有用である。

- 5 SS169の機能不全もしくは発現過多に関連する疾患としては、例えば、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患（例えば、肥満症、糖尿病、耐糖能異常、動脈硬化、高血圧、高脂血症など）等が挙げられる。

さらに、上記スクリーニングで得られた化合物から誘導される化合物も同様に用いることができる。

- 10 該スクリーニング方法で得られた化合物またはその塩を医薬として使用する場合は、前記「SS169の機能不全に関連する疾患の予防・治療剤」と同様にして製剤化することができる。

- 15 このようにして得られる製剤は、安全で低毒性であるので、例えば、哺乳動物（例えば、ヒト、ラット、マウス、モルモット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ウマ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。

- 20 該化合物またはその塩の投与量は、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、例えば、本発明のDNAに対するプロモーター活性を促進または阻害する化合物を経口投与する場合、一般的に例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60kgとして）においては、一日につき約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、糖・脂質代謝異常患者（体重60kgとして）においては、一日につき約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を
25 投与するのが好都合である。投与対象がヒト以外の場合も、体重60kg当りに換算した量を投与することができる。

このように、本発明のDNA発現不全非ヒト哺乳動物は、本発明のDNAに対するプロモーターの活性を促進または阻害する化合物またはその塩をスクリーニングする上で極めて有用であり、本発明のDNA発現不全に起因する各種疾患の原因究明または予防・治療薬の開発に大きく貢献することができる。

- 5 また、SS169のプロモーター領域を含有するDNAを使って、その下流に種々の蛋白質をコードする遺伝子を連結し、これを動物の卵細胞に注入していわゆるトランスジェニック動物（遺伝子移入動物）を作成すれば、特異的にその蛋白質を合成させ、その生体での作用を検討することも可能となる。さらに上記プロモーター部分に適当なレポーター遺伝子を結合させ、これが発現するような細胞株
10 を樹立すれば、SS169そのものの体内での産生能力を特異的に促進もしくは抑制する作用を持つ低分子化合物の探索系として使用できる。

- 本明細書および図面において、塩基やアミノ酸などを略号で表示する場合、IUPAC-IUB Commission on Biochemical Nomenclature による略号あるいは当該分野における慣用略号に基づくものであり、その例を下記する。またア
15 ミノ酸に関し光学異性体があり得る場合は、特に明示しなければL体を示すものとする。

- | | |
|---------------|-----------------|
| DNA | : デオキシリボ核酸 |
| cDNA | : 相補的デオキシリボ核酸 |
| A | : アデニン |
| 20 T | : チミン |
| G | : グアニン |
| C | : シトシン |
| RNA | : リボ核酸 |
| mRNA | : メッセンジャーリボ核酸 |
| 25 dATP | : デオキシアデノシン三リン酸 |
| dTTP | : デオキシチミジン三リン酸 |

	d G T P	: デオキシグアノシン三リン酸
	d C T P	: デオキシシチジン三リン酸
	A T P	: アデノシン三リン酸
	E D T A	: エチレンジアミン四酢酸
5	S D S	: ドデシル硫酸ナトリウム
	G l y	: グリシン
	A l a	: アラニン
	V a l	: バリン
	L e u	: ロイシン
10	I l e	: イソロイシン
	S e r	: セリン
	T h r	: スレオニン
	C y s	: システイン
	M e t	: メチオニン
15	G l u	: グルタミン酸
	A s p	: アスパラギン酸
	L y s	: リジン
	A r g	: アルギニン
	H i s	: ヒスチジン
20	P h e	: フェニルアラニン
	T y r	: チロシン
	T r p	: トリプトファン
	P r o	: プロリン
	A s n	: アスパラギン
25	G l n	: グルタミン
	p G l u	: ピログルタミン酸

Me : メチル基

Et : エチル基

Bu : ブチル基

Ph : フェニル基

5 TC : チアゾリジン-4 (R) -カルボキサミド基

また、本明細書中で繁用される置換基、保護基および試薬を下記の記号で表記する。

To s : p-トルエンスルフォニル

CHO : ホルミル

10 Bzl : ベンジル

Cl₂Bzl : 2, 6-ジクロロベンジル

Bom : ベンジルオキシメチル

Z : ベンジルオキシカルボニル

Cl-Z : 2-クロロベンジルオキシカルボニル

15 Br-Z : 2-ブロモベンジルオキシカルボニル

Boc : t-ブトキシカルボニル

DNP : ジニトロフェノール

Trt : トリチル

Bum : t-ブトキシメチル

20 Fmoc : N-9-フルオレニルメトキシカルボニル

HOBt : 1-ヒドロキシベンズトリアゾール

HOObt : 3, 4-ジヒドロ-3-ヒドロキシ-4-オキソ-
1, 2, 3-ベンゾトリアジン

HONB : 1-ヒドロキシ-5-ノルボルネン-2, 3-ジカルボキシイミド

25 DCC : N, N'-ジシクロヘキシルカルボジイミド

本明細書の配列表の配列番号は、以下の配列を示す。

〔配列番号：1〕

ヒトひらめ筋由来分泌もしくは膜蛋白質SS169遺伝子の塩基配列を示す。

〔配列番号：2〕

5 ヒトひらめ筋由来分泌もしくは膜蛋白質SS169遺伝子にコードされるアミノ酸配列を示す。

〔配列番号：3〕

マウスひらめ筋由来分泌もしくは膜蛋白質SS169遺伝子の塩基配列を示す。

〔配列番号：4〕

10 マウスひらめ筋由来分泌もしくは膜蛋白質SS169遺伝子にコードされるアミノ酸配列を示す。

〔配列番号：5〕

マウスひらめ筋由来分泌もしくは膜蛋白質SS169 cDNA断片を増幅するためのプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：6〕

15 マウスひらめ筋由来分泌もしくは膜蛋白質SS169 cDNA断片を増幅するためのプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：7〕

SST法で得たマウスひらめ筋由来分泌もしくは膜蛋白質SS169 cDNA断片の塩基配列を示す。

20 〔配列番号：8〕

マウスSS169遺伝子のクローニングに用いた5'-RACEプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：9〕

25 マウスSS169遺伝子のクローニングに用いた3'-RACEプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：10〕

マウスSS169の cDNA配列を示す。

〔配列番号：11〕

ヒトSS169遺伝子のクローニングに用いた5' -RACEプライマーの塩基配列を示す。

5 〔配列番号：12〕

ヒトSS169遺伝子のクローニングに用いた3' -RACEプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：13〕

ヒトSS169遺伝子の cDNA配列を示す。

10 〔配列番号：14〕

マウスSS169 cDNA断片を増幅させるために用いたプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：15〕

15 マウスSS169 cDNA断片を増幅させるために用いたプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：16〕

ラットSS169遺伝子のクローニングに用いた3' -RACEプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：17〕

20 ラットSS169遺伝子のクローニングに用いた3' -RACEプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：18〕

ラットSS169遺伝子のクローニングに用いた3' -RACEプライマーの塩基配列を示す。

25 〔配列番号：19〕

ラットSS169遺伝子のクローニングに用いた3' -RACEプライマーの塩基配列を

示す。

〔配列番号：20〕

ラットSS169 cDNA断片（CDS）を増幅させるために用いたプライマーの塩基配列を示す。

5 〔配列番号：21〕

ラットSS169 cDNA断片（CDS）を増幅させるために用いたプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：22〕

ラット腓腹筋由来分泌もしくは膜蛋白質SS169遺伝子の塩基配列を示す。

10 〔配列番号：23〕

ラット腓腹筋由来分泌もしくは膜蛋白質SS169遺伝子にコードされるアミノ酸配列を示す。

〔配列番号：24〕

15 ラットSS169 cDNA断片を増幅させるために用いたプライマーの塩基配列を示す。

〔配列番号：25〕

ラットSS169 cDNA断片を増幅させるために用いたプライマーの塩基配列を示す。

20 以下に実施例を示して、本発明をより詳細に説明するが、これらは本発明の範囲を限定するものではない。なお、クローニング方法および塩基配列の決定法などの遺伝子操作法は、公知の方法（例えば、Molecular cloning、2nd., J.Sambrook et al., Cold Spring Harbor Lab. Press (1989)等に記載の方法）に従って行った。

25 実施例1

マウス骨格筋由来の分泌・膜蛋白質cDNAのスクリーニング

マウスプロB細胞株Ba/F3（理研セルバンク；RCB0805）は、その生存・増殖にIL-3が必須である。該細胞は細胞膜上にトロンボポイエチン受容体（MPL）を発現しており、リガンドであるトロンボポイエチンの結合によりホモ二量体を形成し、細胞内に増殖シグナルが伝えられる。MPLは、膜貫通領域のSer⁴⁹⁸Asn変異によりリガンド非依存的な恒常的活性型（MPL^M）になり、Ba/F3がIL-3非存在下においてもその生存・増殖が維持され、しかも、MPL^Mの活性には細胞外ドメインの大半は不要で、C末端の187アミノ酸を含めば細胞膜上に発現してホモ二量体を形成し得ることが見出されている（KojimaおよびKitamura, Nature Biotech., 17: 487-490, 1999）。すなわち、細胞外領域を欠失させたMPL^Mの5'側にcDNAを組み込めるようデザインされたレトロウイルスベクターを作製し、組み込んだcDNAがシグナルシーケンスを有していれば、cDNAにコードされた蛋白質とMPL^Mの融合蛋白質がBa/F3の細胞膜上に発現し、該Ba/F3がIL-3非依存下で生存・増殖することになる。この原理に基づいて、Met¹~Thr⁴⁴¹を欠失させたMPL^Mのコード領域（ΔMPL^M）を含むレトロウイルスベクター（pMX-SST；KojimaおよびKitamura、上述）のBstXIサイトに、自由摂食、絶食、および再摂食マウスひらめ筋由来cDNAを挿入してレトロウイルス発現ライブラリーを構築し、分泌・膜蛋白質cDNAのクローニングを行った。

まず、自由摂食、絶食および再摂食マウス（C57Bl/6J, 13週齢, メス。絶食の場合は24時間絶食後、再摂食は絶食再摂食後6時間後）からひらめ筋を切除し、Quick Prep mRNA Purification Kit（Pharmacia）を用いて、添付のプロトコールに従ってpoly A(+) RNAを単離し、SuperScript Choice System（Gibco-BRL）を用いてランダムヘキサマーによりcDNAに変換した。得られたcDNAを、BstXIアダプター（Invitrogen）を用いてレトロウイルスベクターpMX-SSTのBstXIサイトに挿入し、MPL^Mの5'側に該cDNAをライゲーションさせた。得られたDNAをE. coli DH10B株にエレクトロポレーション法を用いて導入し、増幅させた。常法

に従ってプラスミドDNAを精製し、レトロウイルス作製用パッケージング細胞 (Plat-E; Moritaら, Gene Ther., 7(12): 1063-1066, 2000; 東京大学・医科学研究所・北村俊雄博士より入手) (2×10^6 細胞/dish) にLipofectamine 2000™ 試薬 (Invitrogen) を用いて添付のプロトコールに従いトランスフェクションした。10%ウシ胎仔血清添加DMEM 培地中で 24 時間培養後に、同新鮮培地に交換し 24 時間培養し培養上清を採取して感染性を有した高力価レトロウイルスストック (感染効率10-30%) を得た。このレトロウイルスストックで蛋白質発現用細胞 (Ba/F3) を感染させ、IL-3添加 RPMI1640 培地中で 8~24時間培養した後、96-wellプレート中に $1 \sim 10 \times 10^3$ /wellとなるように播き、IL-3 無添加培地中で選択した。感染後に増殖性を保持したBa/F3を選択し、それらから常法によりゲノムDNAを抽出した。次いで、プライマー1および2 (配列番号5および6) を用いゲノムDNAを鋳型としてPCRを行った (98℃、60秒の後、98℃、20秒および68℃、120秒を30サイクル)。増幅された断片の塩基配列をBigDye Terminator Cycle Sequencing FS Ready Kit (PE Biosystems) およびDNA自動シーケンサー (ABI Prism 377) を用いて決定したところ、配列番号7で示されるcDNAクローンが確認された。

実施例2

マウスSS169遺伝子のクローニング

上記シーケンスをもとにNCBI blastにてサーチしたところXM-155941 LOC239790と相同性を示すことが判明した。その配列をもとに5'-RACEプライマー (TCCTGAGCCCCACAGCATCACAATCATAGC; 配列番号8) および3'-RACEプライマー (CCTTGACAGACTCTCAGCT; 配列番号9) を設計し、5'-RACE, 3'-RACEを実施 (clontech SMART™ RACE cDNA amplification kit) した。実験はkitの添付書に従って実施した。C57BL/6Jマウス骨格筋からトータルRNAを抽出しアダプターの附加と逆転写反応を行い、cDNAを作製した。このcDNAをもとにPCRを行った (94℃

5sec, 72°C 3min=5cycle, 94°C 5sec, 69°C 10sec, 72°C 3min=5cycle, 94°C 5sec, 66°C 10sec, 72°C 3min=40cycle)。PCR産物を1% アガロースゲル電気泳動で分離し、得られたバンドをゲルから切り出し抽出してから、TA cloning(PROMEGA pGEM-T EASY)した。得られたプラスミドの配列を決定したところ、この遺伝子は新規であることが判明した。得られた1153bpからなるcDNA断片(配列番号10)はマウスゲノムblast検索の結果から5つのエクソンからなり、393bp, 130aaからなる配列番号3および4で示したORFを含んでいた。このcDNA cloneを挿入したプラスミド pGEM-T(clone169)で大腸菌コンピテントセル Escherichia coli DH5 α (Invitrogen)を形質転換した。

実施例3

ヒトSS169遺伝子のクローニング

上記マウスSS169遺伝子の配列を基にヒトゲノムに対してblast検索を行い、マウスのエクソン2および3と高い相同性を示す配列が存在することを見出した。この配列を基に5'-RACEプライマー (GACTGTGGGTGTTGACTGCACATCTATG ; 配列番号11) および3'-RACEプライマー (CTGATCTTTCACGAGATGCTGGACTGGA ; 配列番号12) を設計し、5'-RACE, 3'-RACEを実施 (clontech SMARTTM RACE cDNA amplification kit) した。実験はkitの添付書に従って実施した。Human skeletal muscle RNA(clontech)を用いてアダプターの附加と逆転写反応を行い、cDNAを作製した。このcDNAをもとにPCRを行った(94°C 5sec, 72°C 3min=5cycle, 94°C 5sec, 69°C 10sec, 72°C 3min=5cycle, 94°C 5sec, 66°C 10sec, 72°C 3min=40cycle)。PCR産物を1% アガロースゲル電気泳動で分離し、得られたバンドをゲルから切り出し抽出してから、TA cloning(PROMEGA pGEM-T EASY)した。得られたプラスミドの配列を決定したところ、この遺伝子は新規であることが判明した。得られた1655bpからなるcDNA断片(配列番号13)は402bp、133aaからなる配列番号1および2で示したORFを含んでいた。このcDNA cloneを挿入したプ

ラスミド pGEM-T(clone169)で大腸菌コンピテントセルEscherichia coli DH5 α (Invitrogen)を形質転換した。

実施例 4

5 SS169遺伝子の発現解析

配列番号14および15で示したプライマーを用いて、種々の条件下でリアルタイムPCR法によりマウスSS169遺伝子の発現の様子を調べた。

まず、発現組織を調べるため、11週齢オスC57BL/6Jマウス各組織からトータルRNAを抽出し、Light Cycler-FastStart DNA Master SYBR Green 1 (Roche社)を用いて添付のプロトコールに従い、PCRを行った (95°C 10min、95°C 15sec、10 65°C 5sec、72°C 15sec、室温放置)。結果を図1に示す。マウスSS169は骨格筋特異的に発現しており、他にはわずかに褐色脂肪組織で発現していた。

また、病態動物での発現を調べるため、12週齢オスC57BL/6Jマウス、メスKKA γ マウスおよび11週齢オスdb/dbマウス骨格筋からトータルRNAを抽出し、発現組織分布の測定と同様にして発現量を測定した。図2に示すように、KKA γ マウスでは15 C57BL/6Jに比べて高い発現量を示し、db/dbマウスにおいても高い発現量を認めた。

さらに、食餌状態による発現変動を実施例1で用いたトータルRNAを用いて測定したところ、図3に示すように自由摂食下に比べて絶食で発現量は減少し、再摂食で発現量は回復していた。20

実施例 5

ラットSS169遺伝子のクローニング

マウスSS169遺伝子の配列を基にラットゲノムに対してblast検索を行いマウスのエクソン1および2と高い相同性を示す配列NW047356が存在することを見出した。25 この配列を基に4種の3' -RACEプライマー (配列番号16、17、18および19) を設

計し、3'-RACEを実施した。実験はキット (clontech SMARTTM RACE cDNA amplification kit) 添付書に従い実施した。ラット腓腹筋からRNA-STAT60 kit (friendswood社製) により抽出したトータルRNAを用いて逆転写反応を行い、
5 を用いてPCRを行い、得られたPCR産物の配列からラットSS169遺伝子の塩基配列 (配列番号22) を決定した。

実施例 6

ラットSS169遺伝子の組織分布

10 配列番号24および25で示したプライマーを用いて、リアルタイムPCR法によりラットSS169遺伝子の発現組織を調べた。

6週齢オスSDラット各組織からトータルRNAを抽出し、Light Cycler-FastStart DNA Master SYBR Green 1 (Roche社) を用いて添付のプロトコールに従い、PCRを行なった (95℃ 10min、95℃ 15sec、65℃ 5sec、72℃ 15sec、室温放置)。結果を図4に示す。ラットSS169遺伝子は骨格筋特異的に発現しており、他にはわずかに褐色脂肪組織などで発現していた。

実施例 7

マウス骨格筋由来細胞株での発現変動

20 マウス骨格筋由来細胞株C2C12を用いて、分化誘導時におけるSS169遺伝子発現およびインスリンのSS169遺伝子発現に及ぼす影響を調べた。

C2C12細胞は10%FCS添加DMEMを用いてコラーゲンコートプレートで培養した。細胞がコンフレントに成育した後2%馬血清を含むDMEMに交換し分化を誘導した。分化誘導後0、3、5、7、10日目にトータルRNAを抽出し、実施例4と同様にして
25 SS169遺伝子発現量を定量した。結果を図5に示す。SS169遺伝子の発現誘導は分化誘導後7日目以後顕著に増大した。

一方、インスリンの影響は、分化誘導後7日目の細胞の培地を種々の濃度のインスリン（図6参照）を添加したDMEMに交換し、24時間後に細胞からトータルRNAを調製して定量した。結果を図6に示す。インスリンは濃度依存的にSS169遺伝子の発現を増大させた。

5

実施例 8

STZマウス骨格筋での発現変動

12時間絶食させた10週齢オスC57BL/6Jマウスにストレプトゾトシン（STZ）を100mg/kg腹腔内に投与し、投与後12時間給餌するということを3回繰り返して、STZマウスを作製した。最終のSTZ投与後4日目に骨格筋よりトータルRNAを抽出し、実施例4と同様にしてSS169遺伝子発現量を定量した。結果を図7に示す。1型糖尿病モデルであるSTZマウスでは、腓腹筋、ひらめ筋のいずれにおいても対照マウスに比べてSS169遺伝子の発現が有意に低下していた。

15

実施例 9

SS169遺伝子安定発現細胞株の作製

C-末端にFlag-tagを付与したSS169遺伝子あるいはGFP遺伝子を挿入した発現ベクターpMXs-puroを作製し、FuGENE6を用いてレトロウイルスパッケージング細胞であるPlatE細胞に導入した。遺伝子導入48時間後にウイルス液を回収し、C2C12細胞およびNIH3T3細胞に感染させた。ピューロマイシン（2 μ g/ml）添加培地で24時間培養することによりウイルス感染細胞を選別し、安定発現細胞株を得た。得られた安定発現株について、C2C12の場合は分化誘導7日目に培地をFCS不含培地に交換し、24時間後の培養上清および細胞抽出液を抗Flag抗体を用いて免疫沈降し、SDS-ポリアクリルアミドゲル電気泳動後、抗Flag抗体を用いたウェスタンブロッティングによりSS169遺伝子産物の検出を行った。NIH3T3の場合はコンフレントにまで培養した細胞の培地をFCS不含培地に交換し、C2C12の場合と同様に

25

処理してSS169遺伝子産物の検出を行った。図8に示すように、SS169遺伝子産物は大部分培養上清中に存在し、C2C12およびNIH3T3細胞においてSS169は細胞外に分泌されることがわかった。

5 実施例 10

SS169発現アデノウイルスベクターの作製

マウスSS169遺伝子cDNAをpShuttle-CMVベクターに組み込み、E1-E3を欠損した5型アデノウイルスゲノムを含むpAdEasyと共に大腸菌にトランスフェクションし、相同組換えによりウイルスベクターを作製した。このウイルスベクターを293細胞に導入してマウスSS169遺伝子発現アデノウイルスを作製した。対照としてlacZ遺伝子発現アデノウイルスを同様の方法で作製した。得られたウイルスをマウス尾静脈から種々の力価で接種し、感染させた。図9にウイルス感染マウス肝臓でのSS169遺伝子の発現量、図10に感染後の体重および摂食量の変化、図11および12に副睾丸周囲脂肪および肝臓の重量、図13に血糖値、血中インスリン値、血中遊離脂肪酸濃度、血中トリグリセリド濃度の測定結果をそれぞれ示す。なお、これらの図中で、低力価、中力価、高力価はそれぞれウイルスをマウスに 2×10^7 、 6×10^7 、 2×10^8 pfu接種した場合を示す。SS169遺伝子発現ウイルス感染マウスでは、力価依存的に肝臓でのSS169遺伝子発現量が増大した（図9）。高力価でSS169遺伝子発現ウイルスに感染させたマウスは体重および摂食量の減少傾向を示した（図10）。また、中力価および高力価でSS169遺伝子発現ウイルスに感染させたマウスでは、副睾丸周囲脂肪の有意な減少（図11）、肝重量の有意な増加（図12）および血糖値の有意な減少（図13）が認められた。

実施例 11

25 骨格筋細胞の糖取り込み活性に及ぼす影響

C2C12細胞を用いてSS169の糖取り込みに及ぼす影響を調べた。分化誘導5日目

のC2C12細胞の培地をFCS不含DMEMに交換し、ここにSS169のFlag-tag体を0.5 μ g/ml添加し5時間培養した。その後30分間インスリン (100nM) 刺激を加え、 ^3H -2-deoxy-D-glucoseの細胞内への取り込み活性を既報 (Am. J. Physiol. 276, E849-E855, 1999) に従いシンチレーションカウンターで測定した。なお、SS169 Flag-tag体は実施例9記載のSS169安定発現C2C12株の培養上清より抗Flag抗体カラムを用いて精製したものを用いた。糖取り込みの測定結果を図14Aに示す。C2C12におけるインスリン刺激時の糖取り込みはSS169添加により抑制された。また、インスリン刺激時のC2C12細胞でのGlut4 (インスリン依存的糖輸送担体)、Glut1 (インスリン非依存的糖輸送担体)、hexokinase II (グルコースをリン酸化して遊離グルコース濃度を減少させ、細胞内への糖取り込みを促進する) 遺伝子の発現量をRT-PCRにより測定したが、これらの発現量にはSS169の添加による変化は認められなかった (図14B)。このことから、これらの遺伝子の発現が低下したために糖取り込みが抑制されたものではなく、SS169がインスリン作用に影響して糖取り込みが抑制されたと考えられる。

実施例 12

骨格筋細胞のグリコーゲン合成に及ぼす影響

実施例11と同様に培養し、SS169で処理したC2C12細胞を用いてSS169のグリコーゲン合成に及ぼす影響を調べた。グリコーゲン合成はD-[1- ^{14}C]glucoseの細胞内グリコーゲン画分への取り込みを指標に既報 (J. Biol. Chem. 274, 24202-21210, 1999) に従って測定した。結果を図15に示す。C2C12細胞におけるグリコーゲン合成はSS169添加により抑制された。

産業上の利用可能性

SS169は食餌状態および糖尿病、肥満状態において骨格筋細胞で発現する分泌もしくは膜蛋白質であるので、骨格筋細胞の分化や代謝機能の異常に関連する疾

患の予防・治療剤または診断剤として、あるいは当該疾患の予防・治療に有効な医薬品候補化合物のスクリーニングのためのツールとして有用である。

5 本出願は、日本で出願された特願2003-171188、特願2003-391047、特願2004-23557及び特願2004-30988を基礎としており、それらの内容は本明細書に全て包含されるものである。

配列表フリーテキスト

〔配列番号：5〕

10 マウスひらめ筋由来cDNAを増幅するためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

〔配列番号：6〕

マウスひらめ筋由来cDNAを増幅するためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

15 〔配列番号：8〕

全長マウスSS169 cDNAを増幅するためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

〔配列番号：9〕

20 全長マウスSS169 cDNAを増幅するためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

〔配列番号：11〕

全長ヒトSS169 cDNAを増幅するためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

〔配列番号：12〕

25 全長ヒトSS169 cDNAを増幅するためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

[配列番号：1 3]

(塩基番号：7 6 3)

nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：9 6 5)

5 nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 0 3 2)

nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 0 3 3)

nは未同定の塩基を表す。

10 (塩基番号：1 0 4 3)

nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 0 7 5)

nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 0 8 0)

15 nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 1 1 3)

nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 1 3 8)

nは未同定の塩基を表す。

20 (塩基番号：1 2 3 5)

nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 2 3 8)

nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 2 6 5)

25 nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 2 7 7)

nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 2 8 0)

nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 2 9 1)

5 nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 3 0 1)

nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 3 2 8)

nは未同定の塩基を表す。

10 (塩基番号：1 3 4 7)

nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 3 6 6)

nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 4 5 4)

15 nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 5 5 3)

nは未同定の塩基を表す。

(塩基番号：1 5 8 0)

nは未同定の塩基を表す。

20 (塩基番号：1 6 2 5)

nは未同定の塩基を表す。

[配列番号：1 4]

マウスSS169 cDNA断片を増幅するためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

25 [配列番号：1 5]

マウスSS169 cDNA断片を増幅するためのプライマーとして機能すべく設計

されたオリゴヌクレオチド。

〔配列番号：16〕

全長ラットSS169 cDNAを増幅するためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

5 〔配列番号：17〕

全長ラットSS169 cDNAを増幅するためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

〔配列番号：18〕

10 全長ラットSS169 cDNAを増幅するためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

〔配列番号：19〕

全長ラットSS169 cDNAを増幅するためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

〔配列番号：20〕

15 ラット腓腹筋由来cDNAを増幅させるためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

〔配列番号：21〕

ラット腓腹筋由来cDNAを増幅させるためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

20 〔配列番号：24〕

ラットSS169 cDNA断片を増幅させるためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

〔配列番号：25〕

25 ラットSS169 cDNA断片を増幅させるためのプライマーとして機能すべく設計されたオリゴヌクレオチド。

請求の範囲

1. 配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中、アミノ酸番号1以降のア
ミノ酸配列と同一または実質的に同一のアミノ酸配列を含有する蛋白質またはそ
5 の塩。
2. 配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中、アミノ酸番号1以降のア
ミノ酸配列を含有する請求項1記載の蛋白質またはその塩。
- 10 3. 請求項1記載の蛋白質の部分ペプチドまたはその塩。
4. 請求項1記載の蛋白質をコードする塩基配列を含有する核酸。
5. 配列番号：1または3で表される塩基配列中、塩基番号88以降の塩基配列
15 を含有する請求項4記載の核酸（但し、該核酸がRNAの場合、該塩基配列中記
号tで示される塩基はウリジンに置き換える）。
6. 配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列と同一または実質的に同一の
アミノ酸配列を含有するポリペプチドをコードする塩基配列またはその一部を含
20 有する核酸。
7. 請求項4記載の核酸を含有する組換えベクター。
8. 請求項7記載の組換えベクターで宿主細胞を形質転換して得られる形質転換
25 体。

9. 請求項 8 記載の形質転換体を培養し、請求項 1 記載の蛋白質またはその塩を生成せしめることを特徴とする、該蛋白質またはその塩の製造方法。

5 10. 請求項 1 記載の蛋白質もしくは請求項 3 記載の部分ペプチドまたはその塩を含有してなる医薬。

11. 請求項 4 記載の核酸を含有してなる医薬。

10 12. 骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療剤である請求項 10 または 11 記載の医薬。

13. 代謝異常が糖・脂質代謝異常である請求項 12 記載の医薬。

15 14. 請求項 1 記載の蛋白質もしくは請求項 3 記載の部分ペプチドまたはその塩、あるいは請求項 4 記載の核酸の有効量を哺乳動物に投与することを含む、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療方法。

15. 代謝異常が糖・脂質代謝異常である請求項 14 記載の方法。

20 16. 骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療剤の製造のための、請求項 1 記載の蛋白質もしくは請求項 3 記載の部分ペプチドまたはその塩、あるいは請求項 4 記載の核酸の使用。

17. 代謝異常が糖・脂質代謝異常である請求項 16 記載の使用。

25

18. 請求項 6 記載の核酸を含有してなる診断薬。

19. 請求項1記載の蛋白質もしくは請求項3記載の部分ペプチドまたはその塩に対する抗体。

5 20. 請求項19記載の抗体を含有してなる診断薬。

21. 骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の診断用である請求項18または20記載の診断薬。

10 22. 請求項19記載の抗体を含有してなる医薬。

23. 配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列と同一または実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドをコードする塩基配列と相補的な塩基配列またはその一部を含有する核酸。

15

24. 請求項23記載の核酸を含有してなる医薬。

25. 骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療剤である請求項22または24記載の医薬。

20

26. 代謝異常が糖・脂質代謝異常である請求項25記載の医薬。

27. 請求項19記載の抗体または請求項23記載の核酸の有効量を哺乳動物に投与することを含む、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療方法。

25

28. 代謝異常が糖・脂質代謝異常である請求項27記載の方法。

29. 骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療剤の製造のための、請求項19記載の抗体または請求項23記載の核酸の使用。

5

30. 代謝異常が糖・脂質代謝異常である請求項29記載の使用。

31. 請求項1記載の蛋白質もしくは請求項3記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることを特徴とする、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療物質のスクリーニング方法。

10

32. 代謝異常が糖・脂質代謝異常である請求項31記載のスクリーニング方法。

33. 請求項1記載の蛋白質もしくは請求項3記載の部分ペプチドまたはその塩を含むことを特徴とする、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療物質のスクリーニング用キット。

15

34. 代謝異常が糖・脂質代謝異常である請求項33記載のスクリーニング用キット。

20

35. 請求項4記載の核酸を用いることを特徴とする、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療物質のスクリーニング方法。

36. 代謝異常が糖・脂質代謝異常である請求項35記載のスクリーニング方法。

25

37. 請求項4記載の核酸を含むことを特徴とする、骨格筋細胞の分化および／

または代謝異常が関与する疾患の予防・治療物質のスクリーニング用キット。

38. 代謝異常が糖・脂質代謝異常である請求項37記載のスクリーニング用キット。

5

39. 請求項1記載の蛋白質またはその塩の調節薬を含有してなる、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療剤。

40. 代謝異常が糖・脂質代謝異常である請求項39記載の予防・治療剤。

10

41. 請求項1記載の蛋白質またはその塩の調節薬の有効量を哺乳動物に投与することを含む、骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療方法。

15

42. 代謝異常が糖・脂質代謝異常である請求項41記載の方法。

43. 骨格筋細胞の分化および／または代謝異常が関与する疾患の予防・治療剤の製造のための、請求項1記載の蛋白質またはその塩の調節薬の使用。

20

44. 代謝異常が糖・脂質代謝異常である請求項43記載の使用。

1 / 10

図 1

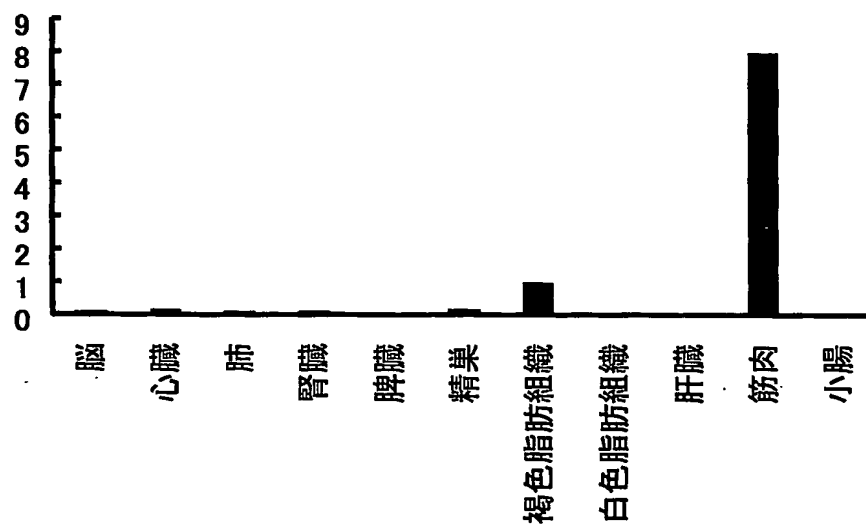
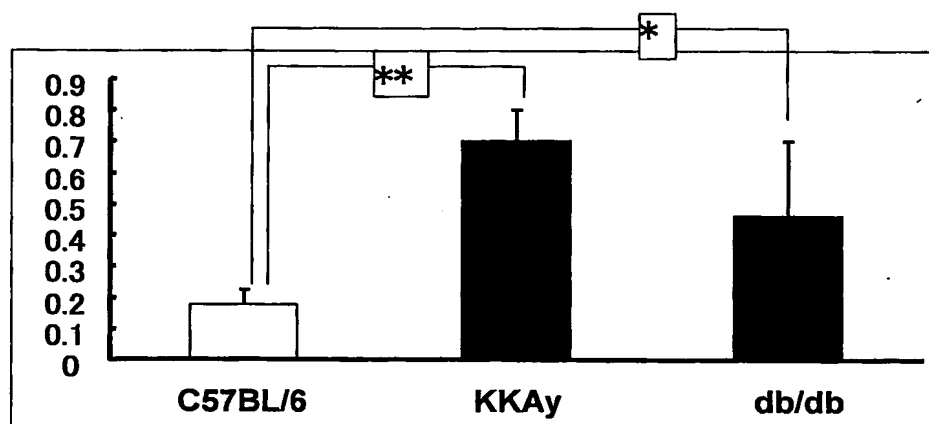


図 2



2 / 10

図 3

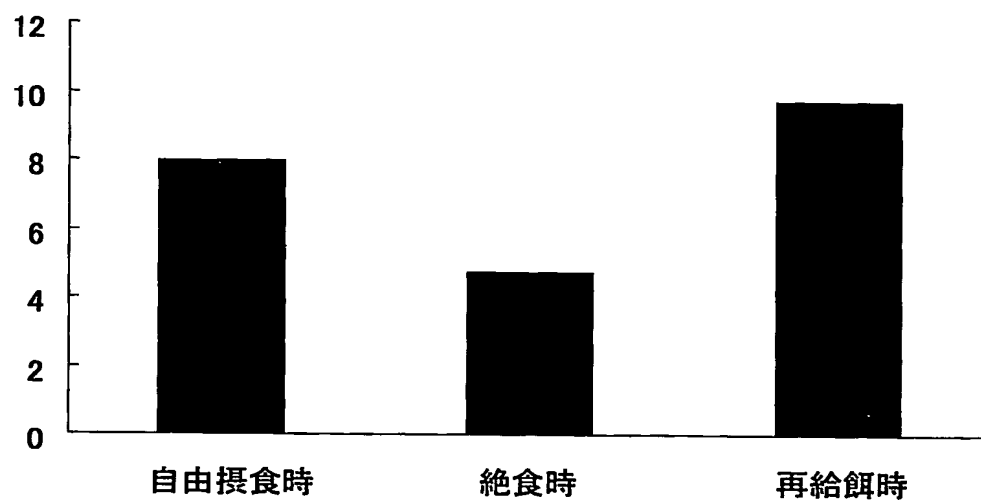
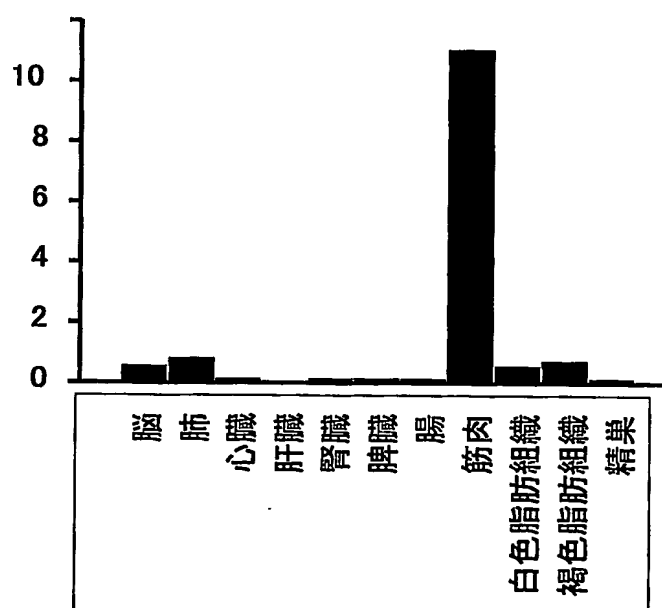


図 4



3 / 10

図 5

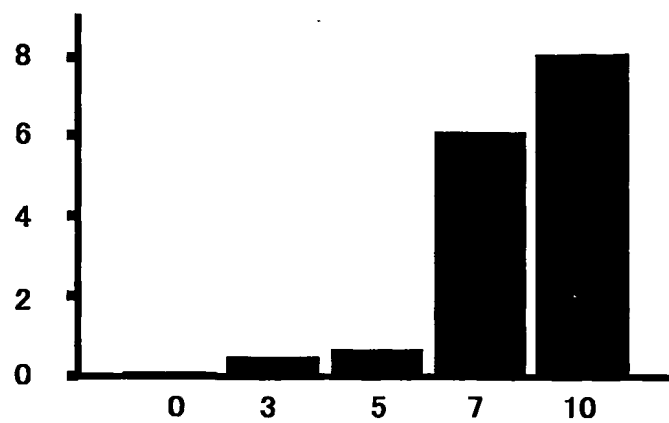
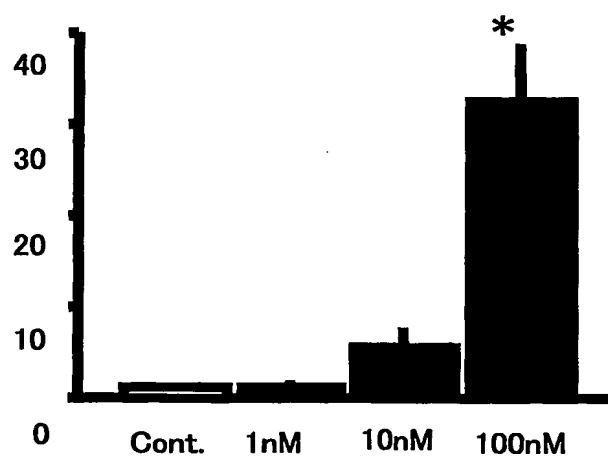


図 6



4 / 10

図 7

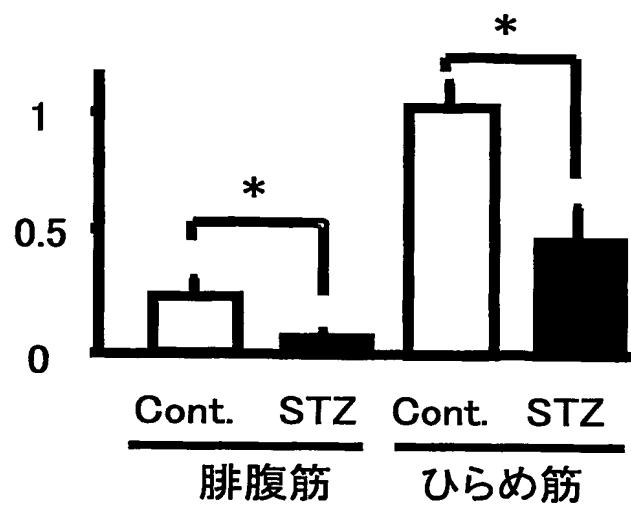
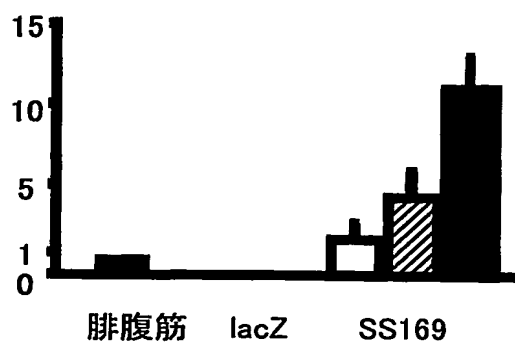


図 9



5 / 10

図 8 A

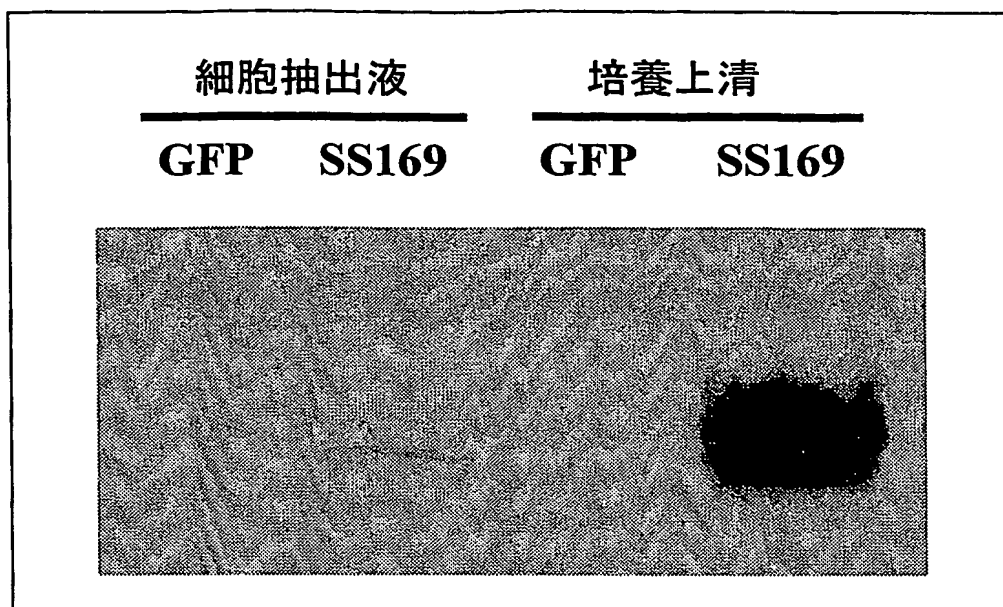
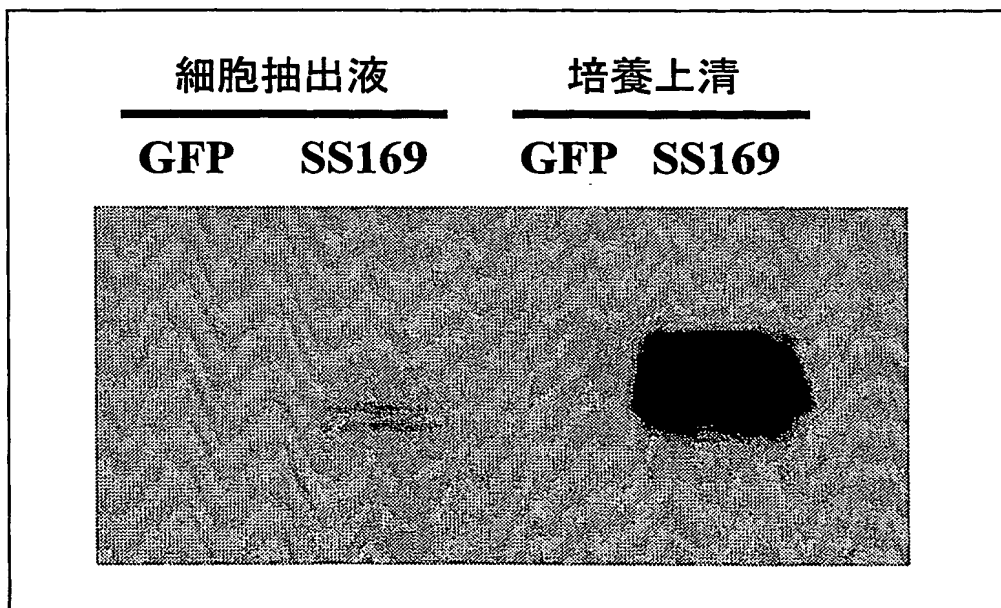


図 8 B



6/10

図 10 A

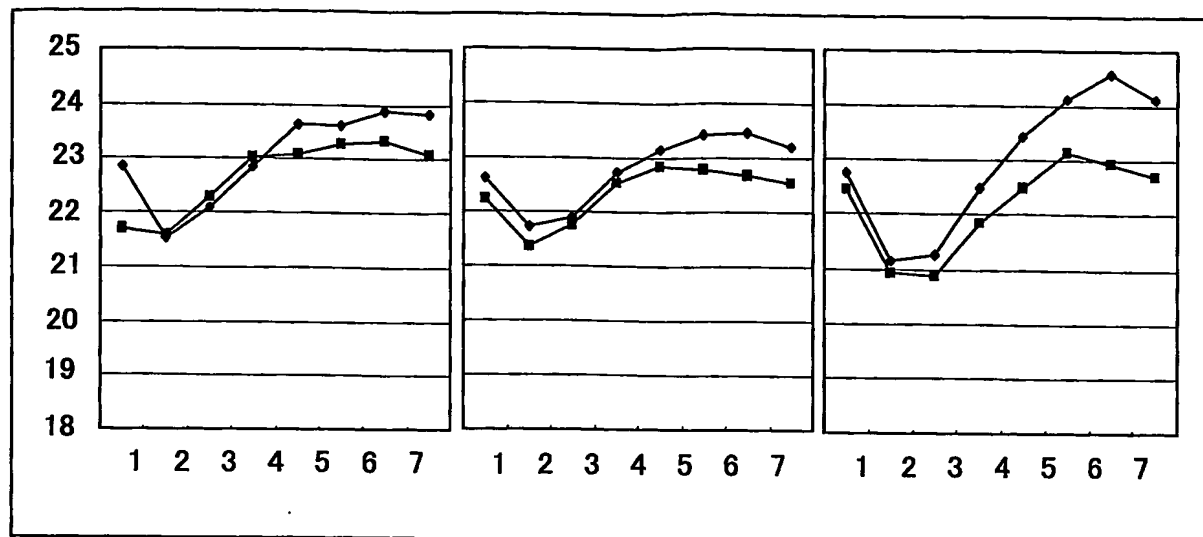
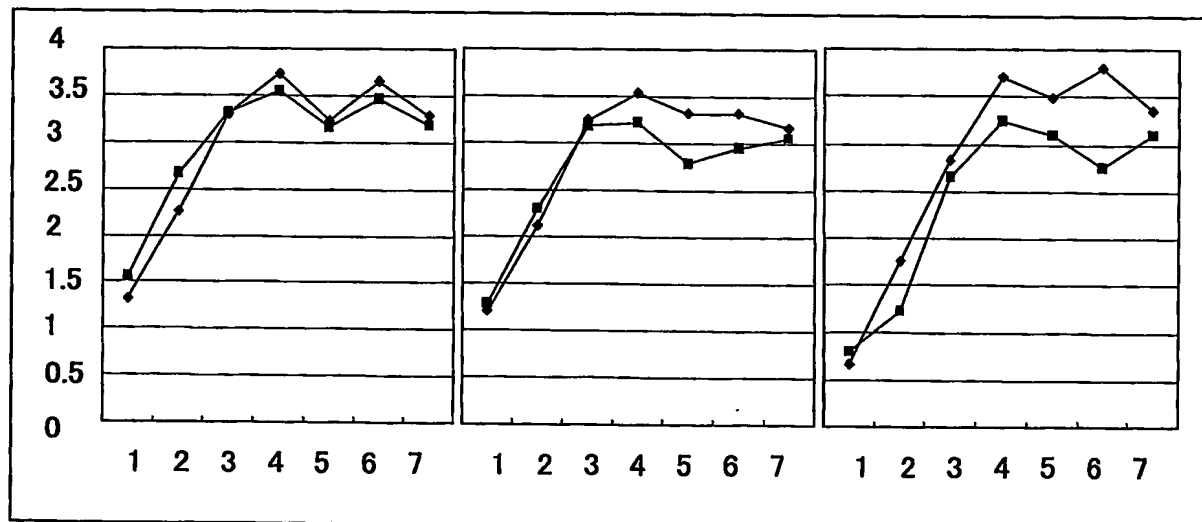


図 10 B



7 / 10

図 1 1

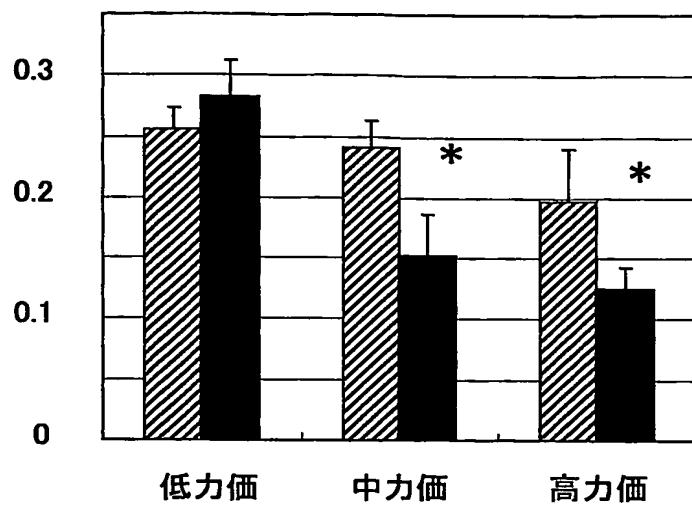
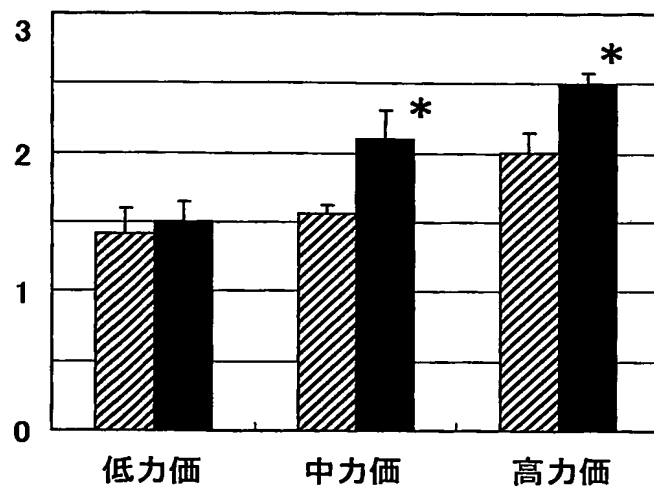


図 1 2



8 / 10

図 1 3 A

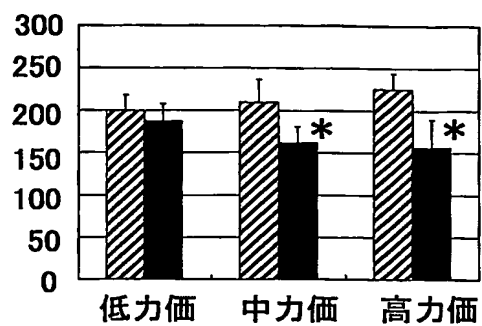


図 1 3 B

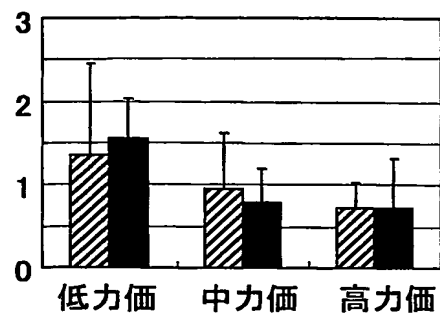


図 1 3 C

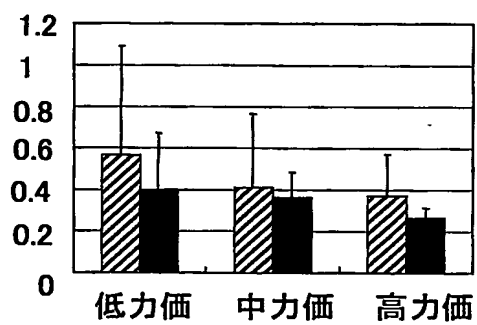
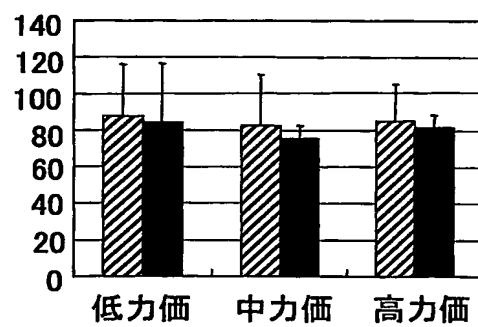


図 1 3 D



9 / 10

図 1 4 A

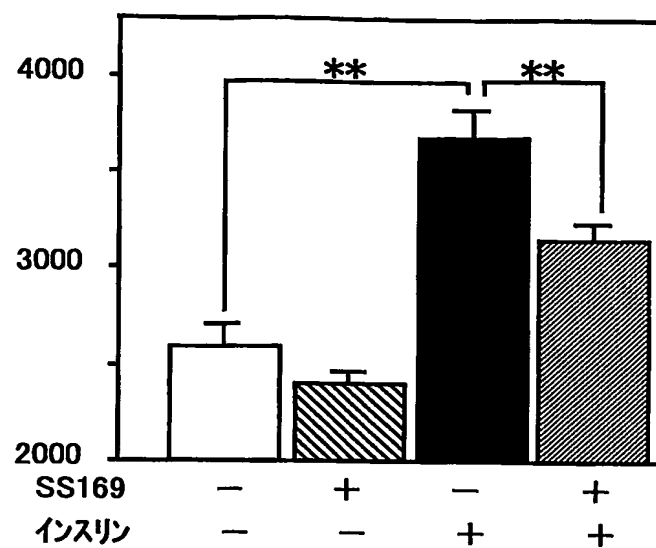
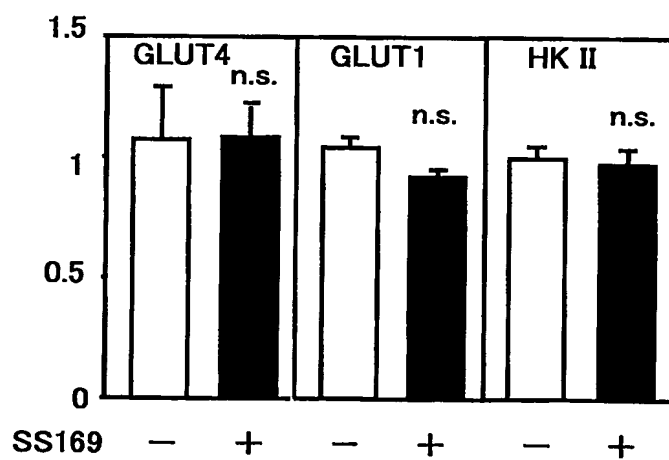
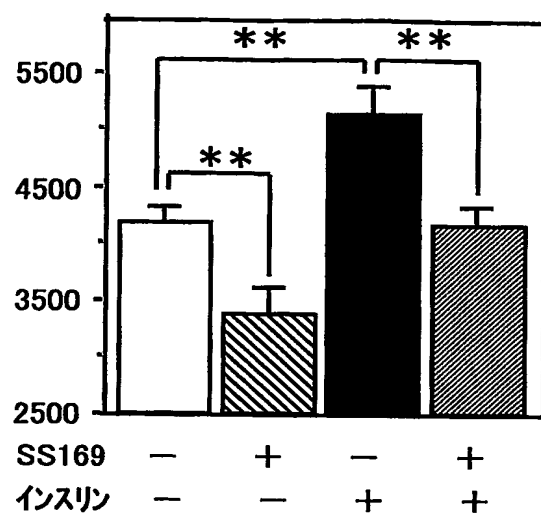


図 1 4 B



10/10

図 15



1/17

SEQUENCE LISTING

<110> TAKEDA CHEMICAL INDUSTRIES, LTD.
SHIMOMURA, Ichirou

<120> Novel Protein

<130> 09653

<150> JP 2003-171188
<151> 2003-06-16

<150> JP 2003-391047
<151> 2003-11-20

<150> JP 2004-23557
<151> 2004-01-30

<150> JP 2004-30988
<151> 2004-02-06

<160> 25

<170> PatentIn version 3.2

<210> 1
<211> 402
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> CDS
<222> (1).. (399)

<220>
<221> sig_peptide
<222> (1).. (87)

<220>
<221> mat_peptide
<222> (88).. (399)

<400> 1
atg ctg gac tgg aga ttg gca agt gca cat ttc atc ctg gct gtg aca
Met Leu Asp Trp Arg Leu Ala Ser Ala His Phe Ile Leu Ala Val Thr

2/17

	-25		-20		-15	
ctg aca ctg tgg agc tca gga aaa gtc ctc tca gta gat gta aca aca						96
Leu Thr Leu Trp Ser Ser Gly Lys Val Leu Ser Val Asp Val Thr Thr						
	-10		-5		-1 1	
aca gag gcc ttt gat tct gga gtc ata gat gtg cag tca aca ccc aca						144
Thr Glu Ala Phe Asp Ser Gly Val Ile Asp Val Gln Ser Thr Pro Thr						
	5		10		15	
gtc agg gaa gag aaa tca gcc act gac ctg aca gca aaa ctc ttg ctt						192
Val Arg Glu Glu Lys Ser Ala Thr Asp Leu Thr Ala Lys Leu Leu Leu						
	20		25		30	35
ctt gat gaa ttg gtg tcc cta gaa aat gat gtg att gag aca aag aag						240
Leu Asp Glu Leu Val Ser Leu Glu Asn Asp Val Ile Glu Thr Lys Lys						
	40		45		50	
aaa agg agt ttc tct ggt ttt ggg tct ccc ctt gac aga ctc tca gct						288
Lys Arg Ser Phe Ser Gly Phe Gly Ser Pro Leu Asp Arg Leu Ser Ala						
	55		60		65	
ggc tct gta gat cac aaa ggt aaa cag agg aaa gta gta gat cat cca						336
Gly Ser Val Asp His Lys Gly Lys Gln Arg Lys Val Val Asp His Pro						
	70		75		80	
aaa agg cga ttt ggt atc ccc atg gat cgg att ggt aga aac cgg ctt						384
Lys Arg Arg Phe Gly Ile Pro Met Asp Arg Ile Gly Arg Asn Arg Leu						
	85		90		95	
tca aat tcc aga ggc taa						402
Ser Asn Ser Arg Gly						
100						

<210> 2

<211> 133

<212> PRT

<213> Homo sapiens

<400> 2

Met Leu Asp Trp Arg Leu Ala Ser Ala His Phe Ile Leu Ala Val Thr						
	-25		-20		-15	

3/17

Leu Thr Leu Trp Ser Ser Gly Lys Val Leu Ser Val Asp Val Thr Thr
 -10 -5 -1 1

Thr Glu Ala Phe Asp Ser Gly Val Ile Asp Val Gln Ser Thr Pro Thr
 5 10 15

Val Arg Glu Glu Lys Ser Ala Thr Asp Leu Thr Ala Lys Leu Leu Leu
 20 25 30 35

Leu Asp Glu Leu Val Ser Leu Glu Asn Asp Val Ile Glu Thr Lys Lys
 40 45 50

Lys Arg Ser Phe Ser Gly Phe Gly Ser Pro Leu Asp Arg Leu Ser Ala
 55 60 65

Gly Ser Val Asp His Lys Gly Lys Gln Arg Lys Val Val Asp His Pro
 70 75 80

Lys Arg Arg Phe Gly Ile Pro Met Asp Arg Ile Gly Arg Asn Arg Leu
 85 90 95

Ser Asn Ser Arg Gly
 100

<210> 3
 <211> 393
 <212> DNA
 <213> Mus musculus

<220>
 <221> CDS
 <222> (1).. (390)

<220>
 <221> sig_peptide
 <222> (1).. (87)

4/17

<220>

<221> mat_peptide

<222> (88)..(390)

<400> 3

atg	ctg	gac	tgg	aga	ttg	gca	agt	aca	cac	ttc	atc	ctg	gct	atg	att	48
Met	Leu	Asp	Trp	Arg	Leu	Ala	Ser	Thr	His	Phe	Ile	Leu	Ala	Met	Ile	
			-25						-20					-15		

gtg	atg	ctg	tgg	ggc	tca	gga	aag	gca	ttc	tct	gtg	gac	tta	gca	tca	96
Val	Met	Leu	Trp	Gly	Ser	Gly	Lys	Ala	Phe	Ser	Val	Asp	Leu	Ala	Ser	
			-10					-5				-1	1			

cag	gag	ttt	gga	aca	gca	agc	ttg	cag	tct	cca	ccc	aca	gcc	aga	gaa	144
Gln	Glu	Phe	Gly	Thr	Ala	Ser	Leu	Gln	Ser	Pro	Pro	Thr	Ala	Arg	Glu	
	5					10					15					

gag	aag	tca	gcc	act	gag	ctt	tcg	gct	aag	ctc	ctg	cgt	ctt	gat	gat	192
Glu	Lys	Ser	Ala	Thr	Glu	Leu	Ser	Ala	Lys	Leu	Leu	Arg	Leu	Asp	Asp	
20					25					30					35	

ctg	gtg	tcc	tta	gag	aat	gac	gta	ttt	gag	acc	aag	aaa	aag	aga	agc	240
Leu	Val	Ser	Leu	Glu	Asn	Asp	Val	Phe	Glu	Thr	Lys	Lys	Lys	Arg	Ser	
				40					45						50	

ttc	tct	ggc	ttt	ggg	tct	ccc	ctt	gac	aga	ctc	tca	gct	ggg	tct	gta	288
Phe	Ser	Gly	Phe	Gly	Ser	Pro	Leu	Asp	Arg	Leu	Ser	Ala	Gly	Ser	Val	
			55					60					65			

gag	cat	aga	ggg	aaa	caa	agg	aaa	gca	gta	gat	cat	tca	aaa	aag	cgg	336
Glu	His	Arg	Gly	Lys	Gln	Arg	Lys	Ala	Val	Asp	His	Ser	Lys	Lys	Arg	
		70					75					80				

ttt	ggt	att	ccc	atg	gat	cgg	att	ggt	aga	aac	cgg	ctc	tcc	agt	tcc	384
Phe	Gly	Ile	Pro	Met	Asp	Arg	Ile	Gly	Arg	Asn	Arg	Leu	Ser	Ser	Ser	
	85					90					95					

aga	ggc	tga														393
Arg	Gly															
100																

<210> 4

<211> 130

<212> PRT

<213> Mus musculus

5/17

<400> 4

Met Leu Asp Trp Arg Leu Ala Ser Thr His Phe Ile Leu Ala Met Ile
 -25 -20 -15

Val Met Leu Trp Gly Ser Gly Lys Ala Phe Ser Val Asp Leu Ala Ser
 -10 -5 -1 1

Gln Glu Phe Gly Thr Ala Ser Leu Gln Ser Pro Pro Thr Ala Arg Glu
 5 10 15

Glu Lys Ser Ala Thr Glu Leu Ser Ala Lys Leu Leu Arg Leu Asp Asp
 20 25 30 35

Leu Val Ser Leu Glu Asn Asp Val Phe Glu Thr Lys Lys Lys Arg Ser
 40 45 50

Phe Ser Gly Phe Gly Ser Pro Leu Asp Arg Leu Ser Ala Gly Ser Val
 55 60 65

Glu His Arg Gly Lys Gln Arg Lys Ala Val Asp His Ser Lys Lys Arg
 70 75 80

Phe Gly Ile Pro Met Asp Arg Ile Gly Arg Asn Arg Leu Ser Ser Ser
 85 90 95

Arg Gly
 100

<210> 5

<211> 19

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying cDNA

6/17

derived from mouse soleus muscle.

<400> 5

gggggtggac catcctcta

19

<210> 6

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying cDNA
derived from mouse soleus muscle.

<400> 6

cgcgagctg taaacggtag

20

<210> 7

<211> 249

<212> DNA

<213> Mus musculus

<400> 7

aggactctaa agttaggagc tctgacttct cacaagatgc tggactggag attggcaagt 60

acacacttca tcctggctat gattgtgatg ctgtggggct caggaaagge attctctgtg 120

gacttagcat cacaggagtt tggaacagca agcttgcagt ctccaccac agccagagaa 180

gagaagtcag ccaactgagct ttcggctaag ctccctgcgc ttgatgatct ggtgtcctta 240

gagaatgac 249

<210> 8

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying full
length mouse SS169 cDNA.

<400> 8

7/17

tcctgagccc cacagcatca caatcatagc

30

<210> 9

<211> 19

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying full length mouse SS169 cDNA.

<400> 9

ccttgacaga ctctcagct

19

<210> 10

<211> 1154

<212> DNA

<213> Mus musculus

<400> 10

gagagagaga gagagagaga gagagagaga gagagtgtgt gaaatgttcc gctgaaaatc 60

tgttgaactg atgtaagaga aagcaacgac aggggttga gtaagtggag tagaactgag 120

actataaaaa cacagaaaga aactcgcac agggctaagt ttgggataag ctgcaggcag 180

gactctaaag ttaggagctc tgactttctca caagatgctg gactggagat tggcaagtac 240

acacttcac ctggctatga ttgtgatgct gtggggctca ggaaaggcat tctctgtgga 300

cttagcatca caggagtgtg gaacagcaag cttgcagtct ccaccacag ccagagaaga 360

gaagtcagcc actgagcttt cggctaagct cctgcgtctt gatgatctgg tgccttaga 420

gaatgacgta tttagacca agaaaaagag aagcttctct ggctttgggt ctccccttga 480

cagactctca gctgggtctg tagagcatag agggaaacaa aggaaagcag tagatcattc 540

aaaaaagcgg ttggtattc ccatggatcg gattggtaga aaccggtct ccagttccag 600

aggctgatgg attcttattg tgcgacttac ttgtgtgaga tggcacagaa ctatagaaga 660

cacttcagtg aagttcacta ccccttttgt caaggaattg gcctttcgca aaccttccca 720

8/17

```

aagcttgatc ctccccagac catcacgtca tagtgttgct gtggtttttag ttgagttgtg      780
cagatcattt cagtgcattg atatctctga aagtattttt caatgattcc caaattgtaa      840
cgtggcccct gaacctactt tttttaaaca gcagaccaat ataatgcatt ctcttgccat      900
taatatatttc acatttcagt taatcaatgt gctttctaga aacctagtgt ttgaagatct      960
gatgatctaa agaaatcaga aatgagcaca tgggtgattta tataggtttc tttagttttt     1020
ctgaggtttg tcgaattggt gtaaacttca acttcaagct tagaaaaaag acattacatg     1080
agtgtttgct tcaactgtgt cagaaggcaa ataaattttg agaaacccaa aaaaaaaaaa     1140
aaaaaaaaaa aaaa                                                         1154

```

<210> 11
 <211> 28
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying full length human SS169 cDNA.

```

<400> 11
gactgtgggt gttgactgca catctatg                                         28

```

<210> 12
 <211> 28
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying full length human SS169 cDNA.

```

<400> 12
ctgatctttc acgagatgct ggactgga                                         28

```

<210> 13
 <211> 1655
 <212> DNA

9/17

<213> Homo sapiens

<220>

<221> misc_feature

<222> (763)..(763)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (965)..(965)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1032)..(1032)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1033)..(1033)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1043)..(1043)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1075)..(1075)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1080)..(1080)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1113)..(1113)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1138)..(1138)

10/17

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1235)..(1235)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1238)..(1238)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1265)..(1265)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1277)..(1277)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1280)..(1280)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1291)..(1291)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1301)..(1301)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1328)..(1328)

<223> n stands for unidentified base.

<220>

<221> misc_feature

<222> (1347)..(1347)

<223> n stands for unidentified base.

11/17

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1366)..(1366)
 <223> n stands for unidentified base.

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1454)..(1454)
 <223> n stands for unidentified base.

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1553)..(1553)
 <223> n stands for unidentified base.

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1580)..(1580)
 <223> n stands for unidentified base.

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1625)..(1625)
 <223> n stands for unidentified base.

<400> 13
 acgcggggag ggctgagttt tggagaaact gcagagacag tactctaaag ttagaatctc 60
 ctgatctttc acgagatgct ggactggaga ttggcaagtg cacatttcat cctggctgtg 120
 aactgacac tgtggagctc aggaaaagtc ctctcagtag atgtaacaac aacagaggcc 180
 ttgattctg gagtcataga tgtgcagtca acaccacag tcagggaaga gaaatcagcc 240
 actgacctga cagcaaaact cttgcttctt gatgaattgg tgtccctaga aaatgatgtg 300
 attgagacaa agaagaaaag gagtttctct ggttttgggt ctccccttga cagactctca 360
 gctggctctg tagatcacia aggtaaacag aggaaagtag tagatcatcc aaaaaggcga 420
 ttggtatcc ccatggatcg gattggtaga aaccggcttt caaattccag aggctaattg 480
 attccaatta tgcaacttcc ttgggtgaaa tgtcacagca atatggaaga tgcttactg 540
 aagttattca cacttcttaa tgattaaact ttttaaggaa tgaccttctg caaatccttt 600

12/17

```

ccaaagcttg aacttcagtc catcacatta cggcattggt acagcttcaa ttaaattgtg      660
taaatacattt tgatgcacgt acattttaaa attatatatt ttaattattc aagaatgggt      720
aacttcccct taaaccttac ttttaaaata ataattaaat acncaataca gtgaaatgcc      780
ttctgtatgg atttaccatg cacatgtttg gagtccaaag aaataataac caaagacaga      840
atttgccttc tgtaaaattt tagttataaa tctggcccat tattggggaa tgaaggaaag      900
gcaatgcctg tgtatttttc tgggtaggaa cttttccctt tccccggaat tccaattttt      960
tcccngaagg cctggatccg ggaataaatt atgaaaatta gggcttccct tttccaaatt     1020
ccaaagtttt cnngtccatg ttncagaaaa attaaaaaca ccagccccca aggggnagccn     1080
tatttgactt tagaattaag gaaaggggaa ggnccattac tcatttggtc aaaacttnga     1140
tatacttttg tcccataaaa accttcccat tttttttaaa ttctgccagg ttaagagcag     1200
taggtgtctc attaggaggg gaggtaacgc tcacncanag ggtaaaaatg aaagtaggag     1260
ggaantcaaa ggaattncn ccagaactgg ntaggccag ntaagcacac atcattttag     1320
gctcagtnca cttcagcata gtacaangtg atcttttgga tctcnggat taatctaaga     1380
aactgtttac tgtgtttcat atattggctt attgggcttc aattgtctta ttatccttaa     1440
taagccaatt gaangagcat aatgattttg agaatgattt cttaaaaatc attcagatta     1500
tttttgaatg acttattaaa acataagttt tcgtattgta gaaaactcag ttntcagtaa     1560
taactatgat gttactgtan gcttggacac ataggtccat tgtgcacttg gatatacttt     1620
gaaanccccc aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaa                                1655

```

<210> 14

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying mouse SS169 cDNA fragment.

13/17

<400> 14
tgtggactta gcatcacagg

20

<210> 15
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying mouse
SS169 cDNA fragment.

<400> 15
ccttgacaga ctctcagct

19

<210> 16
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying full
length rat SS169 cDNA.

<400> 16
gctggactgg agattggcaa gtgcaca

27

<210> 17
<211> 28
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying full
length rat SS169 cDNA.

<400> 17
ctcctggcta tgatcctgat gctgtggg

28

<210> 18
<211> 26

14/17

<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying full length rat SS169 cDNA.

<400> 18
aaggcattct ccgtggactt agcatc

26

<210> 19
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying full length rat SS169 cDNA.

<400> 19
ctctggcttc ggggtctcccc ttg

23

<210> 20
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying cDNA derived from rat gastrocnemius muscle.

<400> 20
atgctggact ggagattggc

20

<210> 21
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying cDNA derived from rat gastrocnemius muscle.

15/17

<400> 21

tcagcccctg gaactggaga

20

<210> 22

<211> 399

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<220>

<221> CDS

<222> (1).. (396)

<220>

<221> sig_peptide

<222> (1).. (87)

<220>

<221> mat_peptide

<222> (88).. (396)

<400> 22

atg	ctg	gac	tgg	aga	ttg	gca	agt	gca	cac	ttc	ctc	ctg	gct	atg	atc	48
Met	Leu	Asp	Trp	Arg	Leu	Ala	Ser	Ala	His	Phe	Leu	Leu	Ala	Met	Ile	
			-25						-20					-15		

ctg	atg	ctg	tgg	ggc	tca	gga	aag	gca	ttc	tcc	gtg	gac	tta	gca	tca	96
Leu	Met	Leu	Trp	Gly	Ser	Gly	Lys	Ala	Phe	Ser	Val	Asp	Leu	Ala	Ser	
			-10					-5				-1	1			

gag	gcc	tcc	gag	ttt	gga	gca	gaa	agc	ttg	cag	tcc	cca	ccc	aca	acc	144
Glu	Ala	Ser	Glu	Phe	Gly	Ala	Glu	Ser	Leu	Gln	Ser	Pro	Pro	Thr	Thr	
	5					10				15						

aga	gaa	gag	aag	tca	gcc	acg	gag	ctt	gca	gct	aag	ctc	ctg	ctt	ctt	192
Arg	Glu	Glu	Lys	Ser	Ala	Thr	Glu	Leu	Ala	Ala	Lys	Leu	Leu	Leu	Leu	
20					25				30					35		

gat	gat	ctg	gtg	tcc	ttg	gag	aat	gat	gtg	ttt	gag	acc	aag	aag	aag	240
Asp	Asp	Leu	Val	Ser	Leu	Glu	Asn	Asp	Val	Phe	Glu	Thr	Lys	Lys	Lys	
			40					45						50		

aga	agc	ttc	tct	ggc	ttc	ggg	tct	ccc	ctt	gac	aga	ctc	tcg	gct	ggg	288
Arg	Ser	Phe	Ser	Gly	Phe	Gly	Ser	Pro	Leu	Asp	Arg	Leu	Ser	Ala	Gly	
		55						60					65			

16/17

tct gta gag cat aga ggg aaa caa agg aga gta gtt gat cat tca aaa 336
 Ser Val Glu His Arg Gly Lys Gln Arg Arg Val Val Asp His Ser Lys
 70 75 80

aag cga ttt ggt att ccc atg gat cga att ggt aga aac cgt ctc tcc 384
 Lys Arg Phe Gly Ile Pro Met Asp Arg Ile Gly Arg Asn Arg Leu Ser
 85 90 95

agt tcc agg ggc tga 399
 Ser Ser Arg Gly
 100

<210> 23
 <211> 132
 <212> PRT
 <213> Rattus norvegicus

<400> 23

Met Leu Asp Trp Arg Leu Ala Ser Ala His Phe Leu Leu Ala Met Ile
 -25 -20 -15

Leu Met Leu Trp Gly Ser Gly Lys Ala Phe Ser Val Asp Leu Ala Ser
 -10 -5 -1 1

Glu Ala Ser Glu Phe Gly Ala Glu Ser Leu Gln Ser Pro Pro Thr Thr
 5 10 15

Arg Glu Glu Lys Ser Ala Thr Glu Leu Ala Ala Lys Leu Leu Leu Leu
 20 25 30 35

Asp Asp Leu Val Ser Leu Glu Asn Asp Val Phe Glu Thr Lys Lys Lys
 40 45 50

Arg Ser Phe Ser Gly Phe Gly Ser Pro Leu Asp Arg Leu Ser Ala Gly
 55 60 65

Ser Val Glu His Arg Gly Lys Gln Arg Arg Val Val Asp His Ser Lys

17/17

70

75

80

Lys Arg Phe Gly Ile Pro Met Asp Arg Ile Gly Arg Asn Arg Leu Ser
85 90 95

Ser Ser Arg Gly
100

<210> 24
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying rat SS169
cDNA fragment.

<400> 24
gatgatctgg tgccttgga gaat 24

<210> 25
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Oligonucleotide designed to act as primer for amplifying rat
SS169 cDNA fragment.

<400> 25
tctacagacc cagccgagag tc 22

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP2004/008699

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER

Int.Cl⁷ C12N15/09, 1/15, 1/19, 1/21, 5/06, C07K14/47, 16/18, C12Q1/68, A61K38/22, 39/395, 31/7088, A61P19/00, 3/10, 3/06, 43/00, G01N33/15, 33/50

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

B. FIELDS SEARCHED

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)

Int.Cl⁷ C12N15/00-90, 1/00-7/08, C07K14/00-16/46, C12Q1/00-70, A61K38/22, 39/395, 31/7088, A61P19/00, 3/10, 3/06, 43/00, G01N33/15, 33/50

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used)
JICST FILE (JOIS), EUROPAT (QUESTEL), MEDLINE/BIOSIS/WPIDS (STN), SwissProt/PIR/GeneSeq, Genbank/EMBL/DDBJ/GeneSeq

C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
P, X	G. THOMAS et al., "Osteocrin, a Novel Bone-specific Secreted Protein That Modulates the Osteoblast Phenotype", The Journal of Biological Chemistry, December 2001, 278(50), p.50563-71	1-11, 18-20, 22-24
P, X	WO 2003/054005 A2 (PHENOGENE THERAPEUTIQUES INC.), 03 July, 2003 (03.07.03), & US 2003/0125258 A1	1-11, 18-20, 22-24
A	Ichiro SHIMOMURA et al., "Himan-Shibo Saibo o Megutte Kiso Adipocytokine to Seikatsu Shukanbyo", Pharma Medica, 2002, 20(12), pages 69 to 74	1-13, 16-26, 29-40, 43, 44

☐ Further documents are listed in the continuation of Box C.

☐ See patent family annex.

* Special categories of cited documents:

"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance

"E" earlier application or patent but published on or after the international filing date

"L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)

"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means

"P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed

"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention

"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone

"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art

"&" document member of the same patent family

Date of the actual completion of the international search
29 July, 2004 (29.07.04)

Date of mailing of the international search report
17 August, 2004 (17.08.04)

Name and mailing address of the ISA/
Japanese Patent Office

Authorized officer

Facsimile No.

Telephone No.

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP2004/008699

Box No. II Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 2 of first sheet)

This international search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:

1. ☒ Claims Nos.: 14, 15, 27, 28, 41 and 42
because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:
Claims 14, 15, 27, 28, 41 and 42 pertain to methods for treatment of a human body by therapy and thus relate to a subject matter which this International Searching Authority is not required to search under the provisions of PCT Article 17(2)(a)(i) and Rule 39.1(iv).
2. ☒ Claims Nos.: (see below)
because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:
The international search has not been carried out on parts of claims 1, 3, 6, 10, 16, 19, 23, 31, 33 because the claims are not clearly defined or because the inventions of the claims are not fully supported by the description and are not clearly and (Continued to extra sheet.)
3. ☐ Claims Nos.:
because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).

Box No. III Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 3 of first sheet)

This International Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows:

1. ☐ As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers all searchable claims.
2. ☐ As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fee, this Authority did not invite payment of any additional fee.
3. ☐ As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:
4. ☐ No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:

Remark on Protest

- ☐ The additional search fees were accompanied by the applicant's protest.
- ☐ No protest accompanied the payment of additional search fees.

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP2004/008699

Continuation of Box No.II-2 of continuation of first sheet(2)

fully disclosed in the description.

Claims 1, 6 and 23

The terminology "substantially identical" used in these claims renders the scope of invention unclear, so that the claims cannot be stated as being clearly defined. Specifically, although in the description there is an statement to the effect that "as the substantially identical amino acid sequence, (syncopation) there can be mentioned, for example, an amino acid sequence having a homology (syncopation) of about 70% or higher" (see page 10), the terminologies "about" and "for example" renders the scope of invention unclear.

Further, for example, what concrete structure is had by the protein containing an amino acid sequence that has a homology of 70% with an amino acid sequence of amino acid No. 1 onward of the amino acid sequence of SEQ ID No. 2 or 4, which protein has substantially the same activity as that of the protein containing the amino acid sequence of SEQ ID No. 2 or 4, is unclear. Still further, obtaining this protein overlades persons skilled in the art to which the invention pertains with trial and error process. Therefore, the inventions of the above claims cannot be stated as being fully supported by the description and cannot be stated as being clearly and fully disclosed to such an extent that an expert in the art to which the invention pertains can carry out the invention.

With respect to the invention relating to the "protein containing a substantially identical amino acid sequence" not clearly defined with respect to the claim, not fully supported by the description and not clearly and fully disclosed in the description, no international search has been carried out.

Claims 3, 6, 10, 16, 19, 23, 31 and 33

Which portion is indicated by the terminologies "part" and "a part" used in these claims is unclear, so that the claims cannot be stated as being clearly defined.

Further, for example, what concrete structure is had by partial peptide of an amino acid sequence of amino acid No. 1 onward of the amino acid sequence of SEQ ID No. 2 or 4, which peptide has substantially the same activity as that of the protein containing the amino acid sequence of SEQ ID No. 2 or 4, is unclear. Still further, obtaining this peptide overlades persons skilled in the art to which the invention pertains with trial and error process. Therefore, the inventions of the above claims cannot be stated as being fully supported by the description and cannot be stated as being clearly and fully disclosed to such an extent that an expert in the art to which the invention pertains can carry out the invention.

With respect to the invention relating to the "partial peptide" and "nucleic acid containing a part" not clearly defined with respect to the claim, not fully supported by the description and not clearly and fully disclosed in the description, no international search has been carried out.

A. 発明の属する分野の分類 (国際特許分類 (IPC))

Int. Cl⁷ C12N15/09, 1/15, 1/19, 1/21, 5/06, C07K14/47, 16/18, C12Q1/68, A61K38/22, 39/395, 31/7088, A61P19/00, 3/10, 3/06, 43/00, G01N33/15, 33/50

B. 調査を行った分野

調査を行った最小限資料 (国際特許分類 (IPC))

Int. Cl⁷ C12N15/00-90, 1/00-7/08, C07K14/00-16/46, C12Q1/00-70, A61K38/22, 39/395, 31/7088, A61P19/00, 3/10, 3/06, 43/00, G01N33/15, 33/50

最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの

国際調査で使用した電子データベース (データベースの名称、調査に使用した用語)
JICSTファイル (JOIS), EUROPAT (QUESTEL), MEDLINE/BIOSIS/WPIDS (STN),
SwissProt/PIR/GeneSeq, Genbank/EMBL/DDBJ/GeneSeq

C. 関連すると認められる文献

引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
PX	G. THOMAS, et. al, Osteocrin, a Novel Bone-specific Secreted Protein That Modulates the Osteoblast Phenotype, The Journal of Biological Chemistry, December 2001, 278 (50), p. 50563-71	1-11, 18-20, 22-24
PX	WO 2003/054005 A2 (PHENOGENE THERAPEUTIQUES INC.) 2003.07.03 & US 2003/0125258 A1	1-11, 18-20, 22-24
A	下村伊一郎 他, 肥満・脂肪細胞をめぐる基礎 アディポサイトカインと生活習慣病, Pharma Medica, 2002, 20 (12), p. 69-74	1-13, 16-26, 29-40, 43, 44

☐ C欄の続きにも文献が列挙されている。

☐ パテントファミリーに関する別紙を参照。

* 引用文献のカテゴリー

「A」 特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示すもの
「E」 国際出願日前の出願または特許であるが、国際出願日以後に公表されたもの
「L」 優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する文献 (理由を付す)
「O」 口頭による開示、使用、展示等に関する文献
「P」 国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願

の日の後に公表された文献
「T」 国際出願日又は優先日後に公表された文献であって出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理論の理解のために引用するもの
「X」 特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明の新規性又は進歩性がないと考えられるもの
「Y」 特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以上の文献との、当業者にとって自明である組合せによって進歩性がないと考えられるもの
「&」 同一パテントファミリー文献

国際調査を完了した日

29.07.2004

国際調査報告の発送日

17.8.2004

国際調査機関の名称及びあて先

日本国特許庁 (ISA/J P)

郵便番号 100-8915

東京都千代田区霞が関三丁目4番3号

特許庁審査官 (権限のある職員)

阪野 誠司

4 N

9 2 8 6

電話番号 03-3581-1101 内線 3448

第II欄 請求の範囲の一部の調査ができないときの意見 (第1ページの2の続き)

法第8条第3項(PCT17条(2)(a))の規定により、この国際調査報告は次の理由により請求の範囲の一部について作成しなかった。

1. ☒ 請求の範囲 14, 15, 27, 28, 41, 42 は、この国際調査機関が調査することを要しない対象に係るものである。つまり、請求の範囲14, 15, 27, 28, 41, 42は、治療による人体の処置方法に関するものであって、PCT第17条(2)(a)(i)及びPCT規則39.1(iv)の規定により、この国際調査機関が国際調査を行うことを要しない対象に係るものである。
2. ☒ 請求の範囲 (下記参照) は、有意義な国際調査をすることができる程度まで所定の要件を満たしていない国際出願の部分に係るものである。つまり、請求の範囲1, 3, 6, 10, 16, 19, 23, 31, 33の一部は、請求の範囲が明確に記載されていないか、または、該請求の範囲に係る発明について、明細書に十分な裏付けがされておらず、明細書に明確かつ十分に開示されていないため、国際調査を行っていない。理由は特別ページを参照。
3. ☐ 請求の範囲 _____ は、従属請求の範囲であってPCT規則6.4(a)の第2文及び第3文の規定に従って記載されていない。

第III欄 発明の単一性が欠如しているときの意見 (第1ページの3の続き)

次に述べるようにこの国際出願に二以上の発明があるところの国際調査機関は認めた。

1. ☐ 出願人が必要な追加調査手数料をすべて期間内に納付したので、この国際調査報告は、すべての調査可能な請求の範囲について作成した。
2. ☐ 追加調査手数料を要求するまでもなく、すべての調査可能な請求の範囲について調査することができたので、追加調査手数料の納付を求めなかった。
3. ☐ 出願人が必要な追加調査手数料を一部のみしか期間内に納付しなかったため、この国際調査報告は、手数料の納付のあった次の請求の範囲のみについて作成した。
4. ☐ 出願人が必要な追加調査手数料を期間内に納付しなかったため、この国際調査報告は、請求の範囲の最初に記載されている発明に係る次の請求の範囲について作成した。

追加調査手数料の異議の申立てに関する注意

- ☐ 追加調査手数料の納付と共に出願人から異議申立てがあった。
- ☐ 追加調査手数料の納付と共に出願人から異議申立てがなかった。

請求の範囲 1、6、23

上記請求の範囲における「実質的に同一」という記載は、発明の範囲を不明確とするものであり、上記請求の範囲は、明確に記載されているとはいえない。即ち、明細書中、「実質的に同一なアミノ酸配列としては、(中略)約70%以上(中略)の相同性を有するアミノ酸配列などが挙げられる」とあるが(第10頁参照)、「約」および「など」という記載は、発明の範囲を不明確とするものである。

また、例えば、配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中、アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列と、70%の相同性を有するアミノ酸配列を含有する蛋白質であり、かつ、配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列を含有する蛋白質と実質的に同質の活性を有する蛋白質が、具体的にどのような構造を有しているか不明であり、また、該蛋白質を得ることは、当業者に過度な試行錯誤を必要とするものである。したがって、上記請求の範囲に係る発明について、明細書に十分に裏付けられているとはいえないし、当該技術分野の専門家が実施することができる程度に明確かつ十分に開示されているとはいえない。

なお、請求の範囲が明確に記載されておらず、また、明細書に十分な裏付けがされておらず、明細書に明確かつ十分に開示されていない「実質的に同一のアミノ酸配列を含有する蛋白質」に係る発明については、国際調査を行っていない。

請求の範囲 3、6、10、16、19、23、31、33

上記請求の範囲における「部分」及び「一部」は、どの部分を示しているか不明であり、上記請求の範囲は、明確に記載されているとはいえない。

また、例えば、配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列中、アミノ酸番号1以降のアミノ酸配列の部分ペプチドであり、かつ、配列番号：2または4で表されるアミノ酸配列を含有する蛋白質と実質的に同質の活性を有するペプチドが、具体的にどのような構造を有しているか不明であり、また、該ペプチドを得ることは、当業者に過度な試行錯誤を必要とするものである。したがって、上記請求の範囲に係る発明について、明細書に十分に裏付けられているとはいえないし、当該技術分野の専門家が実施することができる程度に明確かつ十分に開示されているとはいえない。

なお、請求の範囲が明確に記載されておらず、また、明細書に十分な裏付けがされておらず、明細書に明確かつ十分に開示されていない「部分ペプチド」及び「一部を含有する核酸」に係る発明については、国際調査を行っていない。